

ارزیابی برخی خصوصیات ژرم پلاسما انار جمع‌آوری شده از استان کرمان

Evaluation of Some Characteristics of Collected Pomegranate Germplasm of Kerman Province in Iran

مهدی زهراوی^۱ و محمدرضا وظیفه‌شناس^۲

۱- استادیار، مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران
 ۲- استادیار، بخش علوم زراعی و باغی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان یزد، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، یزد، ایران

تاریخ دریافت: ۱۳۹۷/۷/۲۳ تاریخ پذیرش: ۱۳۹۷/۱۲/۲۵

چکیده

زهراوی، م. و وظیفه‌شناس، م. ر. ۱۳۹۸. ارزیابی برخی خصوصیات ژرم پلاسما انار جمع‌آوری شده از استان کرمان. مجله به‌نژادی نهال و بذر ۳۵-۱: ۴۷-۷۱.

به منظور بررسی تنوع ژنتیکی در ژرم پلاسما انار جمع‌آوری شده از استان کرمان، ۹۴ نمونه ژنتیکی از کلکسیون انار بانک ژن گیاهی ملی ایران در یزد مورد ارزیابی قرار گرفت. بدین منظور ۲۱ صفت کیفی مطابق با توصیف‌نامه بین‌المللی انار ارزیابی شد. بررسی شاخص شانون نشان داد که صفات شکل تحتانی میوه، رنگ دانه و بنیه درخت دارای بیشترین و صفات رنگ شاخه یکساله، عادت رشد و عادت گلدهی دارای کمترین میزان تنوع بودند. تغییرات شاخص شانون در هر یک از انواع ژنوتیپ‌های شیرین، ملس و ترش الگوی مشابهی داشت. دندروگرام تجزیه خوشه‌ای، ژنوتیپ‌های شیرین، ملس و ترش را به ترتیب به پنج، هفت و هشت گروه تقسیم نمود. نتایج بررسی باکس پلات براساس نواحی منشاء ژنوتیپ‌ها حاکی از تنوع بیشتر در فواصل ژنتیکی نواحی راور، بافت و رفسنجان نسبت به سایر نواحی بود. خاستگاه ژنوتیپ‌های مورد بررسی با استفاده از دندروگرام به پنج گروه تقسیم شد. راور، رفسنجان و بافت در یک گروه قرار گرفتند. جیرفت و شهداد نیز در یک گروه و شهرابک و بزم در گروهی جداگانه واقع شدند. نواحی سیرجان و چترود نیز هر یک بطور انفرادی در دندروگرام قرار گرفتند. نتایج تجزیه خوشه‌ای به روش K means مبتنی بر مؤلفه‌های اصلی، نشان داد که براساس شاخص اطلاعات بیزی (BIC) حداکثر میزان تمایز ژنتیکی در $K = 10$ حاصل می‌شود. صفات شاخص هر یک از گروه‌های دهگانه مورد بررسی قرار گرفت. نتایج بررسی‌های انجام شده در این تحقیق در زمینه تمایز ژنتیکی و گروه‌بندی ژرم پلاسما مورد بررسی، جهت شناسایی ژنوتیپ‌ها و انتخاب نمونه‌هایی با حداکثر میزان تمایز در مطالعات آینده، قابل بهره‌برداری می‌باشد.

واژه‌های کلیدی: انار، بانک ژن، تنوع ژنتیکی، تغییرات ژنتیکی، خزانه ژنی.

مقدمه

انار (*Punica granatum* L.) یکی از قدیمی‌ترین میوه‌های خوراکی است و قدمت آن به دوران باستان برمی‌گردد (Mars, 2000). انار گیاهی مقاوم به خشکی بوده و برای کشت در این مناطق بسیار مناسب می‌باشد. با اینحال این گیاه بطور گسترده‌ای در مناطق دارای آب و هوای معتدل، گرمسیری و نیمه گرمسیری کشت می‌شود. ایران به عنوان خاستگاه اصلی انار شناخته می‌شود (Verma *et al.*, 2010). ایران یکی از بزرگترین تولیدکنندگان انار در جهان نیز می‌باشد.

انار علاوه بر مصرف خوراکی، از لحاظ خواص تغذیه‌ای و دارویی نیز دارای اهمیت می‌باشد و از بروز چندین بیماری در انسان جلوگیری می‌نماید (Verma *et al.*, 2010; Melgarejo and Martinez, 1992; Melgarejo *et al.*, 2000; 2004).

با توجه به شرایط آب و هوایی خشک در ایران و گسترش آن، توسعه کشت و اصلاح ارقام انار می‌تواند به عنوان فرصتی قلمداد شود. این کار نیازمند بررسی و شناسایی دقیق وضعیت ژرم پلاسما موجود می‌باشد. اگرچه انار از سابقه کشت طولانی (بین ۳۰۰۰ الی ۴۰۰۰ سال قبل از میلاد مسیح) برخوردار است و طی اهلی شدن، تحت گزینش مصنوعی شدید قرار گرفته است، اما تفاوت زیادی بین ارقام اهلی شده و زراعی آن موجود نیست

(Verma *et al.*, 2010) و اجداد انار احتمالاً از لحاظ ظاهری بسیار شبیه انار امروزی بودند و تفاوت عمده آنها در اندازه میوه می‌باشد (Still, 2006). تقریباً تمام ارقام انار از نوع محلی می‌باشند و توسط اشخاص ناشناسی گزینش و بصورت رویشی نگهداری شده‌اند (Mars, 2000). این مواد ژنتیکی به عنوان خزانه ژنتیکی اولیه می‌توانند مد نظر قرار گیرند.

نتایج مطالعات نشان‌دهنده تنوع قابل ملاحظه‌ای در ژرم پلاسما محلی انار می‌باشد. صمدلوئی و همکاران (Samadlouei *et al.*, 2006) وجود تنوع در ویژگی‌های فیزیکی و شیمیایی هسته ده رقم انار یزد را گزارش کردند. زارعی و عزیزی (Zarei and Azizi, 2010) با ارزیابی برخی از خصوصیات فیزیکی و شیمیایی شش رقم میوه انار ایران در مرحله رسیدن اظهار داشتند که برخی از خصوصیات می‌تواند مصرف تازه‌خوری یا فرآوری ارقام را متمایز کند. تاتاری و همکاران (Tatari *et al.*, 2011) ۲۶ صفت کمی و کیفیت میوه را در یازده رقم تجاری انار مورد ارزیابی قرار دادند و مشاهده کردند که تمامی صفات مورد بررسی به غیر از درصد پوست و درصد دانه، اختلاف معنی داری در بین ارقام داشتند.

بیگی و همکاران (Beigi *et al.*, 2012) با بررسی ۲۱ رقم انار محلی نتیجه گرفتند که ارقام مورد مطالعه از نظر خصوصیات ارزیابی شده بسیار متنوع بودند و این تنوع باعث شد که هر

چترود و شهداد جمع آوری شده است و در قالب کلکسیون باغی در مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی استان یزد در چهار تکرار نگهداری می‌شود.

تنوع ژنتیکی این مجموعه ژرم پلاسم با ارزیابی ۲۱ صفت کیفی مورد بررسی قرار گرفت. بدین منظور با تهیه ۳۰ نمونه (برگ و میوه) از هر ژنوتیپ در سه تکرار (سه درخت متفاوت از یک ژنوتیپ)، صفات شکل میوه، شکل بخش تحتانی میوه، شکل تاج میوه، تقارن میوه، برآمدگی تحتانی میوه، رنگ پوست میوه، رنگ دانه، رنگ دمبرگ، وضعیت غده انتهایی، نسبت طول به پهنای برگ، نسبت طول دمبرگ به رگبرگ میانی، موقعیت گل، محل تشکیل گل، عادت بارآوری، عادت رشد، بنیه درخت، تمایل پاچوش‌دهی، وضعیت سطح چوب، وجود خار روی چوب، رنگ شاخه یکساله، شکل جوانه نوک برگ و شدت سبزی رنگ، برگ مطابق با توصیف‌نامه بین‌المللی (UPOV, 2012) مورد ارزیابی قرار گرفت (جدول ۲).

به منظور بررسی میزان تنوع در کل ژرم پلاسم و همچنین در هر یک از انواع ژنوتیپ‌های شیرین، ملس و ترش، از آماره شاخص شانون (Shannon, 1948) استفاده شد. برای انجام تجزیه‌های چندمتغیره، سطوح مختلف هر یک از صفات ارزیابی شده به نمرات صفر و یک تبدیل شد. ماتریس شباهت بین افراد براساس میزان اشتراک در

یک از این ارقام جهت تولید فرآورده خاصی مناسب باشند. آنها همچنین اظهار داشتند که شاخص طعم (میوه)، رنگ آریل و سختی هسته مؤثرترین صفات در تعیین بهترین شکل مصرف میوه این ارقام در صنایع تبدیلی بودند. ادبی فیروزجایی و همکاران (Adabi Firouz Jaci et al., 2013) تنوع ۴۹ ژنوتیپ انار وحشی و تجاری شمال ایران را بررسی کردند و تفاوت‌های معنی‌داری در صفات کمی و کیفیت مورد بررسی مشاهده کردند. آنها نتیجه گرفتند که ژنوتیپ‌های شمال شرق گلستان در مقایسه با ژنوتیپ‌های وحشی قسمت‌های شمال غربی مازندران از نظر صفات مطلوب، برتری داشتند.

این پژوهش به منظور تهیه شناسنامه‌ای از خصوصیات مورفولوژیکی ژنوتیپ‌های انار استان کرمان موجود در کلکسیون انار بانک ژن گیاهی ملی ایران و بررسی روابط و گروه‌بندی بین آنها انجام شد.

مواد و روش‌ها

در این تحقیق، ۹۴ نمونه ژنتیکی بترتیب شامل ۲۵، ۳۲ و ۳۷ ژنوتیپ شیرین، ملس و ترش از کلکسیون انار بانک ژن گیاهی ملی ایران مورد ارزیابی قرار گرفتند (جدول ۱). ژرم پلاسم مورد تحقیق شامل تمام ژنوتیپ‌های متعلق به استان کرمان از این مجموعه بود که از نواحی مختلف استان کرمان شامل بافت، بم، جیرفت، رفسنجان، راور، شهر بابک، سیرجان،

جدول ۱- ژرم پلاسم انار مورد مطالعه در این تحقیق و نوع و منشاء آنها

Table 1. Pomegranate germplasm and their types and origin

No.	Genotype name	نام ژنوتیپ	Origin	Type	No.	Genotype name	
1	Sabi Sarjangal Bam	سابی سرچنگل بم	Bam	Sweet-Sour	25	Torsh Poust Sefid Shahdad	شهاداد
2	Meykhosh Pouts Koloft	میخوش پوست کلفت	Ravar	Sweet-Sour	26	Dorpayeh Ghermez Ravar	راور
3	Meykhosh Poust Nazok Shahre Babak	میخوش پوست نازک شهر بابک	Shahr Babak	Sweet-Sour	27	Shirin Poust Sefid Rafsanjan	رفسنجان
4	Keyvani Sarjangal Bam	کیوانی سرچنگل بم	Bam	Sweet-Sour	28	Mors Khas Shahdad	
5	Poust Ghermez Shahre Babak	پوست قرمز شهر بابک	Shahr Babak	Sweet	29	Sabz Poust Vahshi Jiroft	جیرفت
6	Sok Poust Sefid Share Babak	سک پوست سفید شهر بابک	Shahr Babak	Sour	30	Meykhosh Poust Nazok Baft	ک بافت
7	Dombkouh Poust Ghermez Bam	دمبکوه پوست قرمز بم	Bam	Sweet	31	Meykhosh Chatroud	
8	Golabi Posut Nazok Bam	گلایی پوست نازک بم	Bam	Sweet-Sour	32	Dorpayeh Daneh Riz Ravar	
9	Dabei Sarjangal Bam	دبای سرچنگل بم	Baft	Sour	33	Sabz Poust Davaran	
10	Mors Sarjangal Bam	موس سرچنگل بم	Bam	Sweet-Sour	34	Mors Davaran Rafsanjan	رافسانجان
11	Dombkouh Sarjangal Bam	دمبکوه سرچنگل بم	Bam	Sweet	35	Dom Lok Chatroud	
12	Sok Poust Ghermez Shahre Babak	سک پوست قرمز شهر بابک	Shahr Babak	Sour	36	Shirin Poust Ghermez Ravar	راور
13	Golabi Poust Nazok Sarjangal Bam	گلایی پوست نازک سرچنگل بم	Bam	Sour	37	Poust Ghermez Ravar	
14	Abdandan Shirin Ravar	آبدندان شیرین راور	Ravar	Sweet	38	Torsh Daneh Ghermez Ravar	
15	Ghasem Mendeli Rafsanjan	قاسم مندلی رفسنجان	Rafsanjan	Sour	39	Torsh Poust Ghermez Rafsanjan	رفسنجان
16	Vahshi Behrang Jiroft	وحشی بهرنگ جیرفت	Jiroft	Sour	40	Bami Sirch Shahdad	
17	Poust Gandomi Sirjan	پوست گندمی سیرجان	Sirjan	Sweet-Sour	41	Torsh Poust Piazi Ravar	راور
18	Togh Malas Darajeh Yek Ravar	طوق ملس درجه یک راور	Ravar	Sweet-Sour	42	Shirin Hasteh Riz Baft	ک بافت
19	Meykhosh Poust Ghermez Rafsanjan	میخوش پوست قرمز رفسنجان	Rafsanjan	Sweet-Sour	43	Narak Davaran Rafsanjan	رافسانجان
20	Shirin Poust Ghermez Rafsanjan	شیرین پوست قرمز رفسنجان	Rafsanjan	Sweet	44	Dorpayeh Riz Ravar	
21	Sekanjebini Sirjan	سکنجینی سیرجان	Sirjan	Sour	45	Torsh Dorag Davaran	
22	Taei Poust Sefid Chatroud	طائی پوست سفید چترود	Kerman_Chatroud	Sour	46	Keyvani Ravar	
23	Dorpayeh Siah Ravar	درپایه دانه سیاه راور	Ravar	Sweet-Sour	47	Sefid Poust Ravar	
24	Sorkh Poust Vahshi	سرخ پوست وحشی	Sirjan	Sour	48	Torsh Darajeh do Ravar	

Table 2. Continued

No.	Genotype name	نام ژنوتیپ	Origin	Type	No.	Genotype name
49	Bafti Poust Ghermez Ravar	بافتی پوست قرمز راور	Ravar	Sour	75	Meykhosh Sourati Sirjan
50	Dorpayeh Darajeh Yek Ravar	درپایه درجه یک راور	Ravar	Sweet-Sour	76	Shahi Torsh Chatroud
51	Mirzaei Torsh Ravar	میرزائی ترش راور	Ravar	Sour	77	Shirin Hasteh Riz Shahdad
52	Shirin Poust Koloft Baft	شیرین پوست کلفت بافت	Baft	Sweet	78	Jazi Poust Sefid
53	Malas Daneh Sefid Sirjan	ملس دانه سفید سیرجان	Sirjan	Sweet-Sour	79	Shahi Torsh Chatroud
54	Zagh Poust Ghermez Ravar	زاغ پوست قرمز راور	Ravar	Sweet-Sour	80	Shirin Hasteh Riz Shahdad
55	Bafti Poust Sefid Ravar	بافتی پوست سفید راور	Ravar	Sweet-Sour	81	Vahshi Narak Shahdad
56	Roudei Davaran	روده‌ای داوران	Rafsanjan	Sour	82	Jazi Poust Ghermez
57	Torsh Darajeh Yek Ravar	ترش درجه یک راور	Ravar	Sour	83	Meykhosh Hasteh Riz Shahdad
58	Khasak Daneh Ghermez Ravar	خسک دانه قرمز راور	Ravar	Sweet	84	Shirin Gorch Sirjan
59	Shirin Daneh Ghermez Rafsanjan	شیرین دانه قرمز رفسنجان	Rafsanjan	Sweet	85	Shai Daneh Siah Chatroud
60	Bafti Dorag Ravar	بافتی دورگ راور	Ravar	Sweet-Sour	86	Kadoei Torsh Khabar Baft
61	Shirin Shahvar Sirjan	شیرین شهوار سیرجان	Sirjan	Sweet	87	Kiani Poust Koloft
62	Sekanjebini Sirjan	سکنجبینی سیرجان	Sirjan	Sour	88	Kiani Sirjan
63	Keyvani Chatroud	کیوانی چتروود	Kerman_Chatroud	Sour	89	Shirin Hastehdar Khabar Baft
64	Bihasteh Daneh Sefid Ravar	بی هسته دانه سفید راور	Ravar	Sour	90	Khodrou Khabar Baft
65	Shirin Poust Nazok Baft	شیرین پوست نازک بافت	Baft	Sweet	91	Shirin Dandehdar Baft
66	Bafti Daneh Ghermez Ravar	بافتی دانه قرمز راور	Ravar	Sweet-Sour	92	Bihasteh Shirin Khabar Baft
67	Meykhosh Daneh Siah Rafsanjan	میخوش دانه سیاه رفسنجان	Rafsanjan	Sweet-Sour	93	Torsh Kambar Khabar Baft
68	Gro Torsh Ravar	گرو ترش راور	Ravar	Sour	94	Torsh Sabz Posut Sefid
69	Mekhosh Daneh Ghermez Rafsanjan	میخوش دانه قرمز رفسنجان	Rafsanjan	Sweet-Sour		
70	Torsh Daneh Ghermez Shahdad	ترش دانه قرمز شهداد	Kerman_Shahdad	Sour		
71	Golabi Poust Ghermez Ravar	گللابی پوست قرمز راور	Ravar	Sweet-Sour		
72	Shirin Khas Sirch Shahdad	شیرین خاص سیرج شهداد	Kerman_Shahdad	Sweet		
73	Shahi Daneh Ghermez	شاهی دانه قرمز	Kerman_Shahdad	Sweet		
74	Dabei Poust Ghermez Ravar	دبه‌ای پوست قرمز راور	Ravar	Sweet-Sour		

جدول ۲- توصیف‌نامه برای صفات ارزیابی شده در ژنوتیپ‌های انار استان کرمان
Table 2. Descriptor for the evaluated traits in pomegranate genotypes of Kerman province

Trait	صفت	Score	امتیاز
Fruit shape	شکل میوه	Spheroid (1)	تخم مرغی
Shape of fruit base	شکل بخش تحتانی میوه	Medium (1)	پهن
Shape of fruit apex	شکل تاج میوه	Long neck (1)	معمولی
Fruit symmetry	تقارن میوه	Symmetrical pentagon (1)	متقارن و بدون برجستگی
Dome at fruit base	برآمدگی تحتانی میوه	Lack (1)	معمولی
Skin color	رنگ پوست میوه	Yellowish red (1)	قرمز تیره
Seed color	رنگ دانه	Yellow (1)	قرمز تیره
Petiole color	رنگ دمبرگ	Red (1)	غیره
Apical nectar gland	وضعیت غده انتهایی	Low (1)	توسعه یافته
Leaf length to width ratio	نسبت طول به پهنای برگ	Low (1)	بالا
Relative length of petiole to leaf middle vein	نسبت طول دمبرگ به رگبرگ میانی	Very low (1)	بالا
Position of flowers	موقعیت گل	Lateral (1)	انتهایی
Bearing habit	عادت بارآوری	On one year old shoots (1)	بیشتر روی شاخه‌های چندساله
Regularity of flowering	عادت گلدهی	Regular (1)	نامنظم
Growth habit	عادت رشد	Spreading (1)	افراشته
Vigor of tree	بنیه درخت	Weak (1)	قوی
Suckering tendency	تمایل پاجوش‌دهی	Very low (1)	بالا
Wood surface	وضعیت سطح چوب	Smooth (1)	ناصاف
Thornness	وجود خار روی چوب	Absent (1)	زیاد
Color of one-year-old shoot	رنگ شاخه یکساله	Green (1)	ارغوانی صورتی
Shape of leaf apex	شکل جوانه برگ	Obtuse (1)	نوک تیز
Intensity of leaf green color	شدت سبزی رنگ برگ	Low (3)	بالا

نتایج و بحث

مقادیر آماره‌های توصیفی در جدول ۳ ارائه شده است. براساس آماره نما، صفات شکل میوه بیضی (۲)، شکل بینابینی (بین حالت زاویه‌دار و پهن) بخش تحتانی میوه (۱)، تاج بلند میوه (۱)، میوه متقارن و بدون برجستگی (۵)، بدون برآمدگی انتهایی در بخش تحتانی میوه (۱)، رنگ قرمز مایل به زرد پوست میوه (۳)، رنگ صورتی-زرد دانه (۳)، رنگ قرمز دمبرگ (۱)، فقدان غده انتهایی (۱)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت کوتاه طول دمبرگ به رگبرگ میانی (۲)، موقعیت جانبی گل در گل‌آذین (۱)، محل تشکیل گل روی شاخه‌های یکساله (۱)، بارآوری منظم (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه قوی درخت (۳)، تمایل کم به پاجوش‌دهی (۳)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز با نوارهای صورتی شاخه‌های یکساله (۲)، شکل نوک برگ نسبتاً تیز (۳) و رنگ سبز روشن برگ (۳) دارای بیشترین فراوانی بودند.

براساس مقادیر شاخص شانون، صفات شکل تحتانی میوه، رنگ دانه و بنیه درخت دارای بیشترین و صفات رنگ شاخه یکساله، عادت رشد و عادت بارآوری دارای کمترین میزان تنوع بودند (جدول ۳). میزان تنوع در هر یک از ژنوتیپ‌های شیرین، ملس و ترش با استفاده از شاخص شانون بررسی گردید (شکل‌های ۱a، ۱b و ۱c).

مقایسه مقادیر شانون در سه گروه از

نمرات صفر و یک مربوط به صفات مختلف، محاسبه گردید.

دندروگرام تجزیه خوشه‌ای برای نواحی منشاء ژنوتیپ‌ها با محاسبه ماتریس فواصل راجرز (Rogers, 1972) و به روش اتصال کامل ترسیم شد. با استفاده از روش تجزیه تابع تشخیص مبتنی بر مؤلفه‌های اصلی (Jombart *et al.*, 2010) و ترسیم بای‌پلات براساس محورهای توابع حاصله، تمایز ژنتیکی ژنوتیپ‌ها براساس محل جمع‌آوری آنها مورد بررسی قرار گرفت.

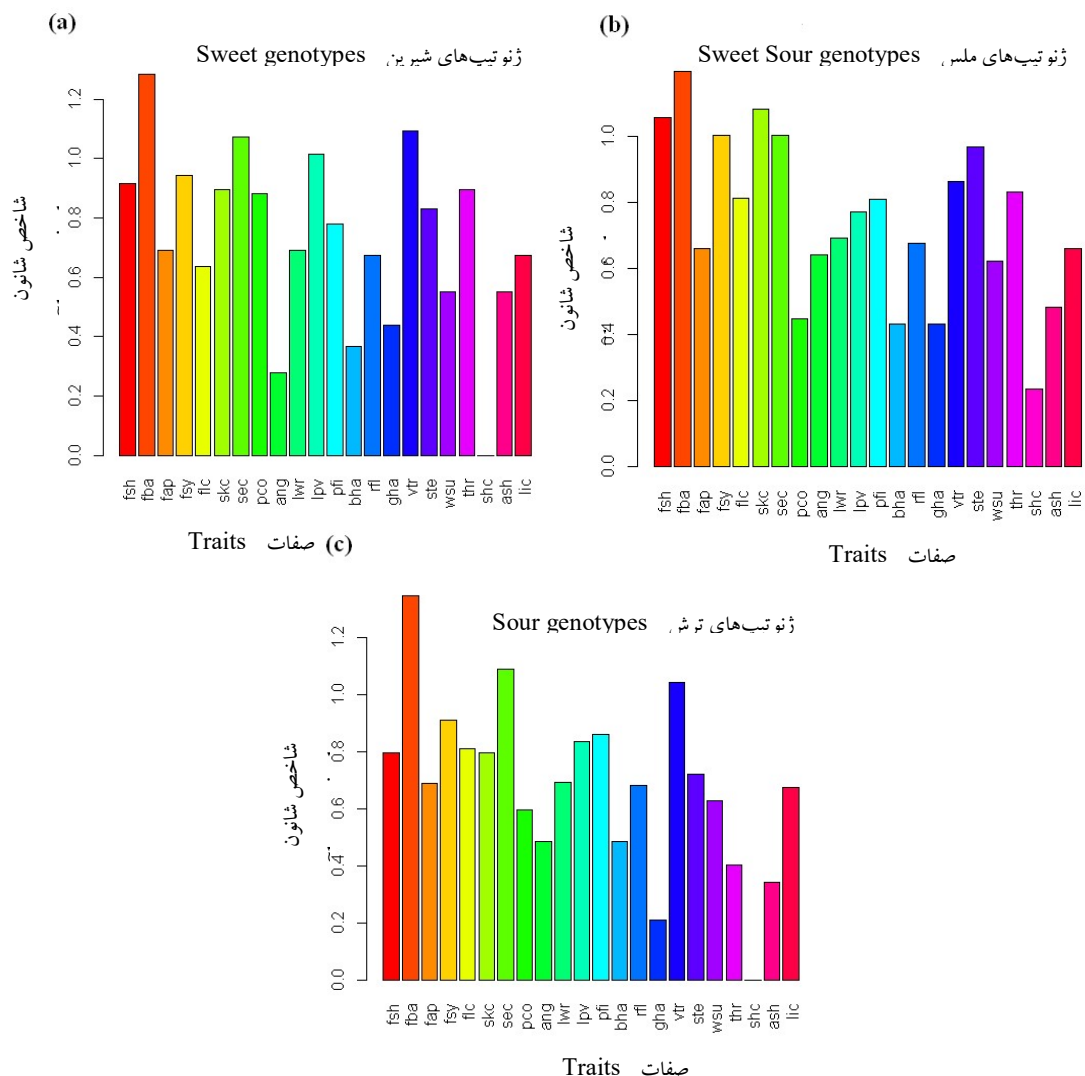
برای تفکیک ژنوتیپ‌ها در گروه‌هایی با حداکثر تمایز ژنتیکی، از روش تجزیه Kmeans براساس مؤلفه‌های اصلی (Jombart *et al.*, 2010) استفاده شد. این روش مبتنی بر انجام تجزیه‌های متوالی با در نظر گرفتن تعداد گروه‌های (K) متفاوت می‌باشد که در هر مرحله، معیار اطلاعات بییزی (BIC) به عنوان شاخصی از تفاوت‌های درون گروهی محاسبه می‌شود و در نهایت انتخاب K، براساس حداقل BIC انجام می‌گیرد. فواصل گروه‌های حاصل از تجزیه خوشه‌ای به روش راجرز (Rogers, 1972)، به عنوان ورودی در تجزیه مقیاس‌بندی چندبعدی مورد استفاده قرار گرفت. تجزیه‌های آماری و رسم نمودارها با استفاده از نسخه ۳/۲/۲ نرم‌افزار R و نسخه ۱۶ نرم‌افزار SPSS انجام گرفت.

جدول ۳- آماره‌های توصیفی صفات ارزیابی شده در ژنوتیپ‌های انار استان کرمان
Table 3. Descriptive statistics of the evaluated traits in pomegranate genotypes of Kerman province

Trait	صفت	حداقل Minimum	حداکثر Maximum	میانه Median	نما Mode	شاخص شانون Shannon Index
Fruit shape	شکل میوه	1	3	2	2	0.97
Shape of fruit base	شکل بخش تحتانی میوه	1	4	2	1	1.31
Shape of fruit apex	شکل تاج میوه	1	2	1	1	0.69
Fruit symmetry	تقارن میوه	1	5	5	5	0.98
Dome at fruit base	برآمدگی تحتانی میوه	1	3	1	1	0.78
Skin color	رنگ پوست میوه	3	5	4	3	0.97
Seed color	رنگ دانه	3	7	5	3	1.08
Petiole color	رنگ دمبرگ	1	3	1	1	0.66
Apical nectar gland	وضعیت غده انتهایی	1	3	1	1	0.52
Leaf length to width ratio	نسبت طول به پهنای برگ	5	7	5	5	0.69
Relative length of petiole: leaf middle vein	نسبت طول دمبرگ به رگبرگ میانی	1	3	2	2	0.88
Position of flowers	موقعیت گل در گل‌آذین	1	3	1	1	0.83
Bearing habit	عادت بارآوری	1	3	1	1	0.44
Regularity of flowering	عادت گلدهی	1	3	1	1	0.69
Growth habit	عادت رشد	1	3	1	1	0.36
Vigor of tree	بنیه درخت	1	3	2	3	1.03
Suckering tendency	تمایل پاجوش‌دهی	3	7	3	3	0.87
Wood surface	وضعیت سطح چوب	1	3	3	3	0.61
Thorness	وجود خار	1	7	1	1	0.76
Color of one-year-old shoot	رنگ شاخه یکساله	2	3	2	2	0.10
Shape of leaf apex	شکل جوانه برگ	1	3	3	3	0.46
Intensity of leaf green color	شدت سبزی رنگ برگ	3	5	3	3	0.67

طول دمبرگ به رگبرگ میانی، عادت رشد، بنیه درخت، وجود خار روی چوب و شکل نوک برگ نسبت به ژنوتیپ‌های ملس و ترش بودند. ژنوتیپ‌های ملس دارای مقادیر شانون

ژنوتیپ‌های مذکور نشان‌دهنده الگوی مشابه در تنوع صفات ارزیابی شده بود. ژنوتیپ‌های شیرین دارای مقادیر شانون بزرگتری برای صفات شکل تاج میوه، رنگ دمبرگ، نسبت



شکل ۱- نمودار ستونی شاخص شانون برای صفات ارزیابی شده به تفکیک در ژنوتیپ‌های انار شیرین (a)، ملس (b) و ترش (c) استان کرمان

fsh: شکل میوه، **fba**: شکل بخش تحتانی میوه، **fap**: شکل تاج میوه، **fsy**: تقارن میوه، **flc**: برآمدگی تحتانی میوه، **skc**: رنگ پوست میوه، **sec**: رنگ دانه، **pco**: رنگ دمبرگ، **ang**: وضعیت غده انتهایی، **lwr**: نسبت طول به پهنای برگ، **lpv**: نسبت طول دمبرگ به رگبرگ میانی، **pfi**: موقعیت گل، **bha**: عادت بارآوری، **rfl**: عادت گلدهی، **gha**: عادت رشد، **vtr**: بنیه درخت، **ste**: تمایل پاجوش دهی، **wsu**: وضعیت سطح چوب، **thr**: وجود خار، **shc**: رنگ شاخه یکساله، **ash**: شکل جوانه برگ و **lic**: شدت سبزی رنگ برگ

Fig. 1. Barplot of Shannon index for the studied traits of Kerman pomegranate germplasm in each of sweet (a), sweet-sour (b) and sour (c) genotypes

fsh: fruit shape, **fba**: shape of fruit base, **fap**: shape of fruit apex, **fsy**: fruit symmetry, **flc**: dome at fruit base, **skc**: skin color, **sec**: seed color, **pco**: petiole color, **ang**: apical nectar gland, **lwr**: leaf length to width ratio, **lpv**: relative length of petiole to leaf middle vein, **pfi**: position of flowers, **bha**: bearing habit, **rfl**: regularity of flowering, **gha**: growth habit, **vtr**: vigour of tree, **ste**: suckering tendency, **wsu**: wood surface, **thr**: thornness, **shc**: color of one-year-old shoot, **ash**: shape of leaf apex, **lic**: intensity of leaf green color.

بزرگتری برای صفات شکل میوه، تقارن میوه، رنگ پوست میوه، وضعیت غده انتهایی، تمایل پاجوش دهی و رنگ شاخه یکساله نسبت به ژنوتیپ‌های شیرین و ترش بودند. ژنوتیپ‌های ترش دارای مقادیر شانون بزرگتری برای صفات شکل بخش تحتانی میوه، رنگ دانه، نسبت طول به پهنای برگ، موقعیت گل در گل آذین، محل تشکیل گل، عادت بارآوری، وضعیت سطح چوب و شدت سبزی رنگ برگ نسبت به ژنوتیپ‌های شیرین و ملس ترش بودند.

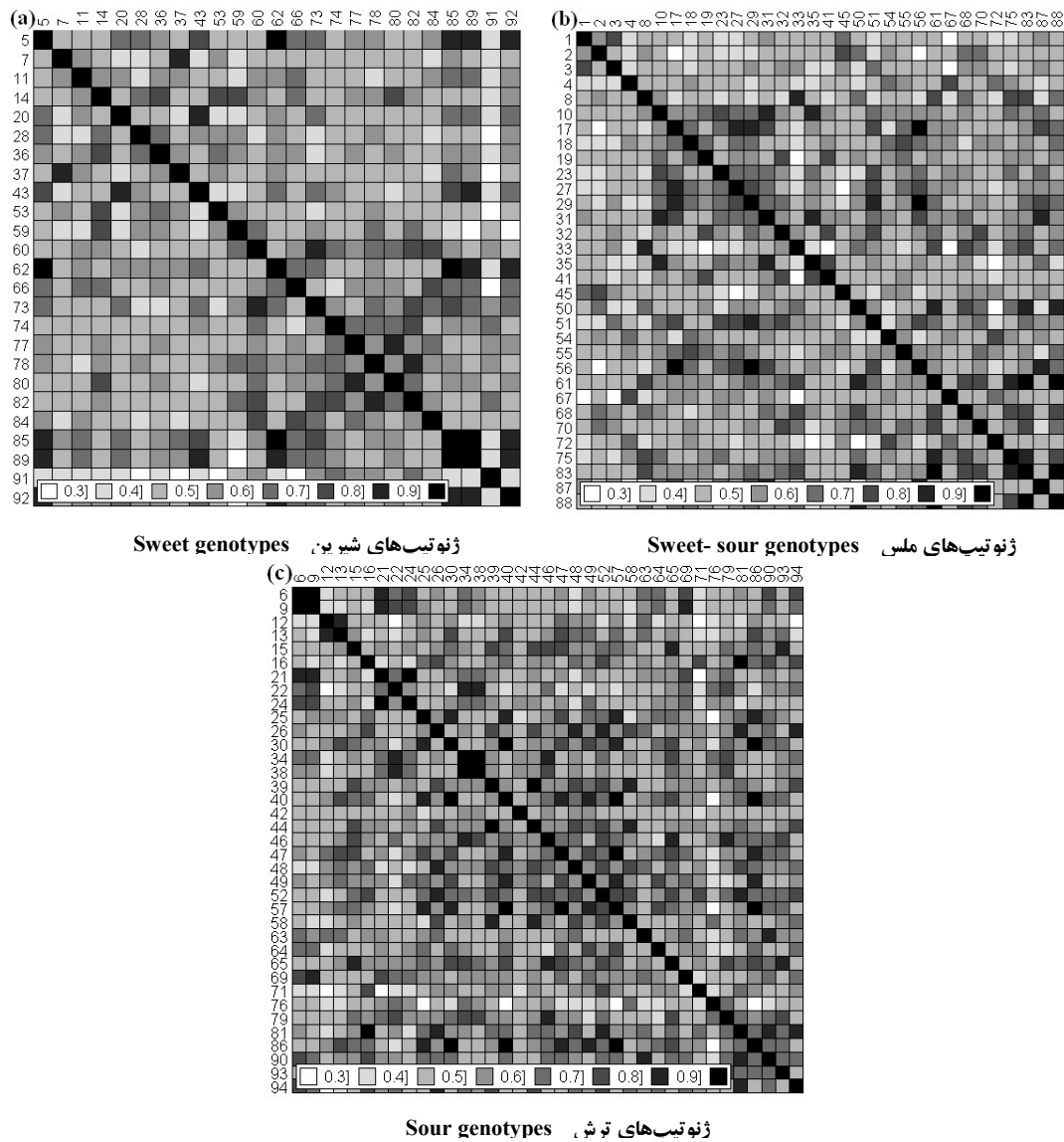
ادبی فیروزجایی (Adabi FirozJaei et al., 2013) در تجزیه عاملی بر روی ژنوتیپ‌های انار وحشی و تجاری شمال ایران، صفات وزن صد آریل تر، pH، طول آریل، قطر آریل، و طعم میوه را با ضریب مثبت و اسیدیته قابل تیتراسیون و نسبت پوست به دانه را با ضریب منفی، متعیرهای دارای بیشترین تأثیر در واریانس عامل اول گزارش کردند. همچنین صفت طول تاج، وزن آریل‌ها و وزن پوست بیشترین تأثیر را در تغییرات عامل دوم داشتند.

شباهت ژنوتیپ‌های انار در گروه‌های شیرین، ملس و ترش با استفاده از ماتریس تشابه ارزیابی شد (شکل ۲). براساس مقادیر شباهت در گروه ژنوتیپ‌های شیرین، ژنوتیپ‌های پوست قرمز شهرابک (۵) و شیرین شهوار سیرجان (۶۲)، شاهی دانه سیاه چترود (۸۵) و شیرین شهوار سیرجان (۶۲)، و شیرین هسته‌دار خیر بافت (۸۹) و بی هسته دانه سفید راور (۶۵)

با ضریب ۰/۹۲ دارای بیشترین شباهت بودند (شکل ۲a). ژنوتیپ‌های شیرین پوست سفید رفسنجان (۲۸) و شیرین دنده‌دار خیر بافت (۹۱)، شیرین پوست قرمز راور (۳۷) و شیرین دنده‌دار خیر بافت (۹۱)، شیرین پوست کلفت بافت (۵۳) و شیرین دنده‌دار خیر بافت (۹۱)، شیرین پوست نازک بافت (۶۶) و شیرین دنده‌دار خیر بافت (۹۱)، خسک دانه قرمز راور (۵۹) و بی هسته شیرین خیر بافت (۹۲)، و خسک دانه قرمز راور (۵۹) و شیرین هسته‌دار خیر بافت (۸۹) با ضریب ۰/۲۳ دارای بیشترین فاصله ژنتیکی بودند (شکل ۲a).

در گروه ژنوتیپ‌های ملس، ژنوتیپ‌های مرس خاص شهداد (۲۹) و بافتی پوست سفید راور (۵۶)، بافتی دورگ راور (۶۱) و کیانی سیرجان (۸۸)، و میخوش هسته ریز شهداد (۸۳) و کیانی سیرجان (۸۸) با ضریب ۰/۹۵ دارای بیشترین شباهت بودند (شکل ۲b).

ژنوتیپ‌های سابی سرچنگل بم (۱) و بافتی دانه قرمز راور (۶۷)، میخوش پوست کلفت (۲) و بافتی پوست سفید راور (۵۶)، میخوش پوست نازک شهرابک (۳) و بافتی دانه قرمز راور (۶۷)، میخوش پوست قرمز رفسنجان (۱۹) و درپایه دانه ریز راور (۳۳)، درپایه دانه قرمز راور (۲۷) و درپایه ریز راور (۴۵)، درپایه دانه ریز راور (۳۳) و بمی سیرج شهداد (۴۱)، درپایه دانه ریز راور (۳۳) و بافتی دانه قرمز راور (۶۷)، مرس داوران رفسنجان (۳۵) و گلابی پوست قرمز راور (۷۲)، میخوش صورتی سیرجان (۵۰)



شکل ۲- نقشه حرارتی مبتنی بر ماتریس تشابه در ارزیابی ژنوتیپ‌های انار شیرین (a)، ملس (b) و ترش (c) استان کرمان

Fig. 2. Heat map of similarity matrices between pomegranate genotypes; sweet (a), sweet sour (b), and sour (c) of Kerman province

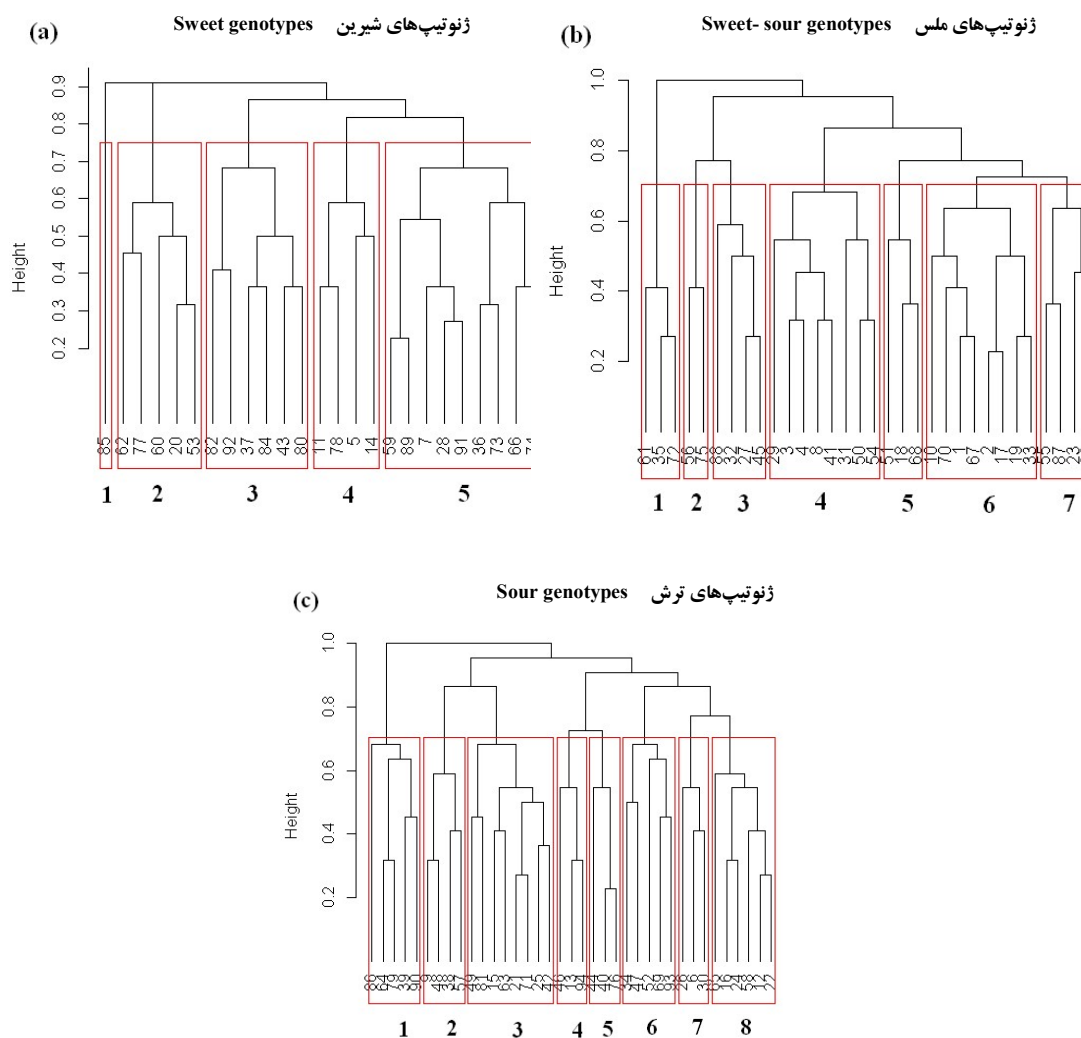
و گلابی پوست قرمز راور (۷۲)، و میخوش
 پوست کلفت (۲) و پوست گندمی سیرجان
 (۱۷) با ضریب ۰/۲۳ دارای بیشترین فاصله
 ژنتیکی بودند (شکل ۲b).
 در گروه ژنوتیپ‌های ترش، ژنوتیپ‌های سبز
 پوست داوران (۳۴) و پوست قرمز راور (۳۸)،
 ترش پوست قرمز رفسنجان (۴۰) و روده‌ای
 داوران (۵۷)، و روده‌ای داوران (۵۷) و کدوئی
 ترش خیر بافت (۸۶) با ضریب ۰/۹۵ دارای
 بیشترین شباهت بودند (شکل ۲c).
 ژنوتیپ‌های سک پوست قرمز شهرابک
 (۱۲) و طائی پوست سفید چترود (۲۲)، سک

ژنوتیپ‌های خشک دانه قرمز راور (۵۹)، شیرین هسته دار خبر بافت (۸۹)، دمبکوه پوست قرمز بم (۷)، پوست سفید رفسنجان (۲۸)، شیرین دنده دار خبر بافت (۹۱)، شیرین دم لک چترود (۳۶)، شیرین خاص سیرچ شهداد (۷۳)، ژنوتیپ‌های شیرین پوست نازک بافت (۶۶) و شاهی دانه قرمز (۷۴) در گروه ۵ قرار گرفتند (شکل ۳a).

در انواع ملس، ژنوتیپ‌های بافتی دورگ راور (۶۱)، مرس داوران رفسنجان (۳۵) و گلابی پوست قرمز راور (۷۲) در گروه ۱، ژنوتیپ‌های ژنوتیپ‌های بافتی پوست سفید راور (۵۶) و دبه‌ای پوست قرمز راور (۷۵) در گروه ۲، ژنوتیپ‌های کیانی سیرجان، ملس (۸۸)، میخوش چترود (۳۲)، درپایه دانه قرمز راور (۲۷) و درپایه ریز راور (۴۵) در گروه ۳، ژنوتیپ‌های مرس خاص شهداد، ملس (۲۹)، میخوش پوست نازک شهرابک (۳)، کیوانی سرچنگل بم (۴)، گلابی پوست نازک بم (۸)، میخوش پوست نازک بافت (۳۱)، بمی سیرچ شهداد، ملس (۴۱)، میخوش صورتی سیرجان (۵۰) و ملس دانه سفید سیرجان (۵۴) در گروه ۴، ژنوتیپ‌های طوق ملس درجه یک راور (۱۸)، درپایه درجه یک راور (۵۱) و میخوش دانه سیاه رفسنجان (۶۸) در گروه ۵، ژنوتیپ‌های ژنوتیپ‌های سایبی سرچنگل بم (۱)، میخوش پوست کلفت (۲)، مرس سرچنگل بم (۱۰)، پوست گندمی سیرجان (۱۷)، میخوش پوست قرمز رفسنجان (۱۹)، درپایه دانه ریز راور

پوست قرمز شهرابک (۱۲) و ترش دانه قرمز شهداد (۷۱)، سک پوست قرمز شهرابک (۱۲) و ترش سبز پوست سفید (۹۴)، سکنجینی سیرجان (۲۱) و ترش دانه قرمز شهداد (۷۱)، سک پوست قرمز شهرابک (۱۲) و طائی پوست سفید چترود (۲۲)، بافتی پوست قرمز راور (۲۵) و شاهی ترش چترود (۷۶)، روده‌ای داوران (۵۷) و شاهی ترش چترود (۷۶)، ترش پوست قرمز رفسنجان (۴۰) و شاهی ترش چترود (۷۶) و کدوئی ترش خبر بافت (۸۶) و شاهی ترش چترود (۷۶) با ضریب ۰/۲۳ دارای بیشترین فاصله ژنتیکی بودند (شکل ۲c).

با استفاده از دندروگرام تجزیه خوشه‌ای، ژنوتیپ‌های شیرین، ملس و ترش به ترتیب به پنج، هفت و هشت گروه تقسیم شدند (شکل ۳). در انواع شیرین، ژنوتیپ شاهی دانه سیاه چترود (۸۵) از سایر گروه‌ها مجزا شد. ژنوتیپ‌های شیرین شهوار سیرجان (۶۲) و شیرین هسته ریز شهداد (۷۷)، شیرین دانه قرمز رفسنجان (۶۰)، شیرین پوست قرمز رفسنجان (۲۰) و شیرین پوست کلفت بافت (۵۳) در گروه ۲، ژنوتیپ‌های جازی پوست قرمز (۸۲)، بی هسته شیرین خبر بافت (۹۲)، شیرین پوست قرمز راور (۳۷)، شیرین گرچ سیرجان (۸۴)، ژنوتیپ‌های شیرین هسته ریز بافت (۴۳) و شیرین هسته ریز شهداد (۸۰) در گروه ۳، ژنوتیپ‌های دمبکوه سرچنگل بم (۱۱)، جازی پوست سفید (۷۸)، پوست قرمز شهرابک (۵) و آبدندان شیرین راور (۱۴) در گروه ۴ و



شکل ۳- دندورگرام تجزیه خوشه‌ای به روش اتصال کامل در ژنوتیپ‌های انار شیرین (a)، ملس (b) و ترش (c) استان کرمان

Fig. 3. Dendrogram of cluster analysis of pomegranate genotypes; sweet (a), sweet-sour (b) and sour (c) of Kerman, based on complete linkage method

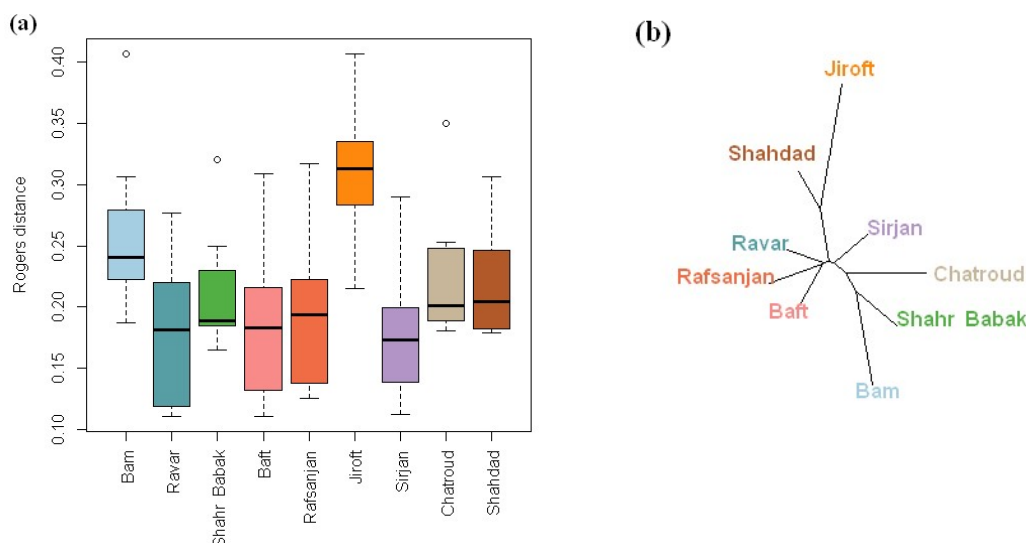
در انواع ترش، ژنوتیپ‌های ترش دانه قرمز راور (۳۹)، کیوانی چترود (۶۴)، شاهی ترش چترود (۷۹)، کدوئی ترش خیر بافت (۸۶) و خودرو وحشی خیر بافت (۹۰) در گروه ۱، ژنوتیپ‌های دبه‌ای سرچنگل (۹)، پوست قرمز راور (۳۸)، سفید پوست راور (۴۸) و روده‌ای

(۳۳)، بافتی دانه قرمز راور (۶۷) و میخوش دانه قرمز رفسنجان (۷۰) در گروه ۶ و ژنوتیپ‌های در پایه دانه سیاه راور (۲۳)، زاغ پوست قرمز راور (۵۵)، میخوش هسته ریز شهداد (۸۳) و کیانی پوست کلفت، ملس (۸۷) در گروه ۷ قرار گرفتند (شکل ۳b).

سفید شهربابک (۶)، ترش پوست سفید شهادت (۲۶) و سبز پوست وحشی جیرفت (۳۰) در گروه ۷ و ژنوتیپ‌های سک پوست قرمز شهربابک (۱۲)، وحشی بهرنگ جیرفت (۱۶)، طائی پوست سفید چترود (۲۲)، سرخ پوست وحشی (۲۴)، ترش درجه یک راور (۵۸) و بی هسته دانه سفید راور (۶۵) در گروه ۸ قرار گرفتند (شکل ۳c). تاتاری و همکاران (Tatari *et al.*, 2011) یازده رقم تجاری انار را ارزیابی کردند و بر اساس تجزیه خوشه‌ای، ارقام مورد بررسی در پنج گروه اصلی قرار گرفتند.

ارتباط بین نواحی منشاء ژنوتیپ‌های انار استان کرمان با استفاده از باکس پلات و دندورگرام در شکل ۴ ارائه شده است.

داوران (۵۷) در گروه ۲، ژنوتیپ‌های قاسم مندلی رفسنجان (۱۵)، سکنجینی سیرجان (۲۱)، بافتی پوست قرمز راور (۲۵)، ترش پوست پیازی راور (۴۲)، ترش درجه دو راور (۴۹)، سکنجینی سیرجان (۶۳)، ترش دانه قرمز شهادت (۷۱) و وحشی نرک شهادت (۸۱) در گروه ۳، ژنوتیپ‌های گلابی پوست نازک سرچنگل بم (۱۳)، ترش دو رنگ داوران (۴۶) و ترش سبز پوست سفید (۹۴) در گروه ۴، ژنوتیپ‌های ترش پوست قرمز رفسنجان (۴۰)، نرک داوران رفسنجان (۴۴) و شاهی ترش چترود (۷۶) در گروه ۵، ژنوتیپ‌های ژنوتیپ‌های ترش پوست سفید شهادت (۲۶)، سبز پوست داوران (۳۴)، کیوانی راور (۴۷)، میرزائی ترش راور (۵۲)، گرو ترش راور (۶۹) و ترش کم بار خیر بافت (۹۳) در گروه ۶، ژنوتیپ‌های سک پوست



شکل ۴- رابطه بین نواحی منشاء ژنوتیپ‌های انار استان کرمان با استفاده از باکس پلات (a) و دندورگرام (b).

Fig. 4. Relationships between the origin of the pomegranate genotypes of Kerman province by boxplot (a) and dendrogram (b).

محور اول و دوم از سایر نواحی منفک شده و در نزدیکی یکدیگر قرار گرفتند. شهداد و سیرجان نیز در ناحیه مشابهی از بای پلات و براساس محور تابع تشخیصی دوم متمایز شدند. در بای پلات‌های توابع تشخیصی اول و سوم (شکل ۵b) و توابع تشخیصی دوم و سوم (شکل ۵b) بترتیب ژنوتیپ‌های با منشاء بم و سیرجان بخوبی از ژنوتیپ‌های سایر نواحی متمایز شدند. نتایج تجزیه تشخیصی حاکی از اختلاط ژنتیکی بین نواحی منشاء ژنوتیپ‌های مورد بررسی بود و در مجموع نشان داد که در نظر گرفتن این نواحی، معیار مناسبی جهت تمایز بین ژنوتیپ‌ها بدست نمی‌دهد. کاظمی الموتی و همکاران (Kazemi Alamuti et al., 2013) نیز با بررسی تنوع ژنتیکی ۲۳۸ ژنوتیپ انار ترش ایران با استفاده از نشانگرهای ریز ماهواره نتیجه گرفتند که طبقه‌بندی ژنوتیپ‌های مورد مطالعه مستقل از منشا جغرافیایی و نام‌گذاری پیشنهادی‌شان بود. بنابراین به منظور انجام تفکیک مناسب در ژرم پلاسم مورد بررسی از روش تجزیه خوشه‌ای به روش K means استفاده شد (شکل ۶).

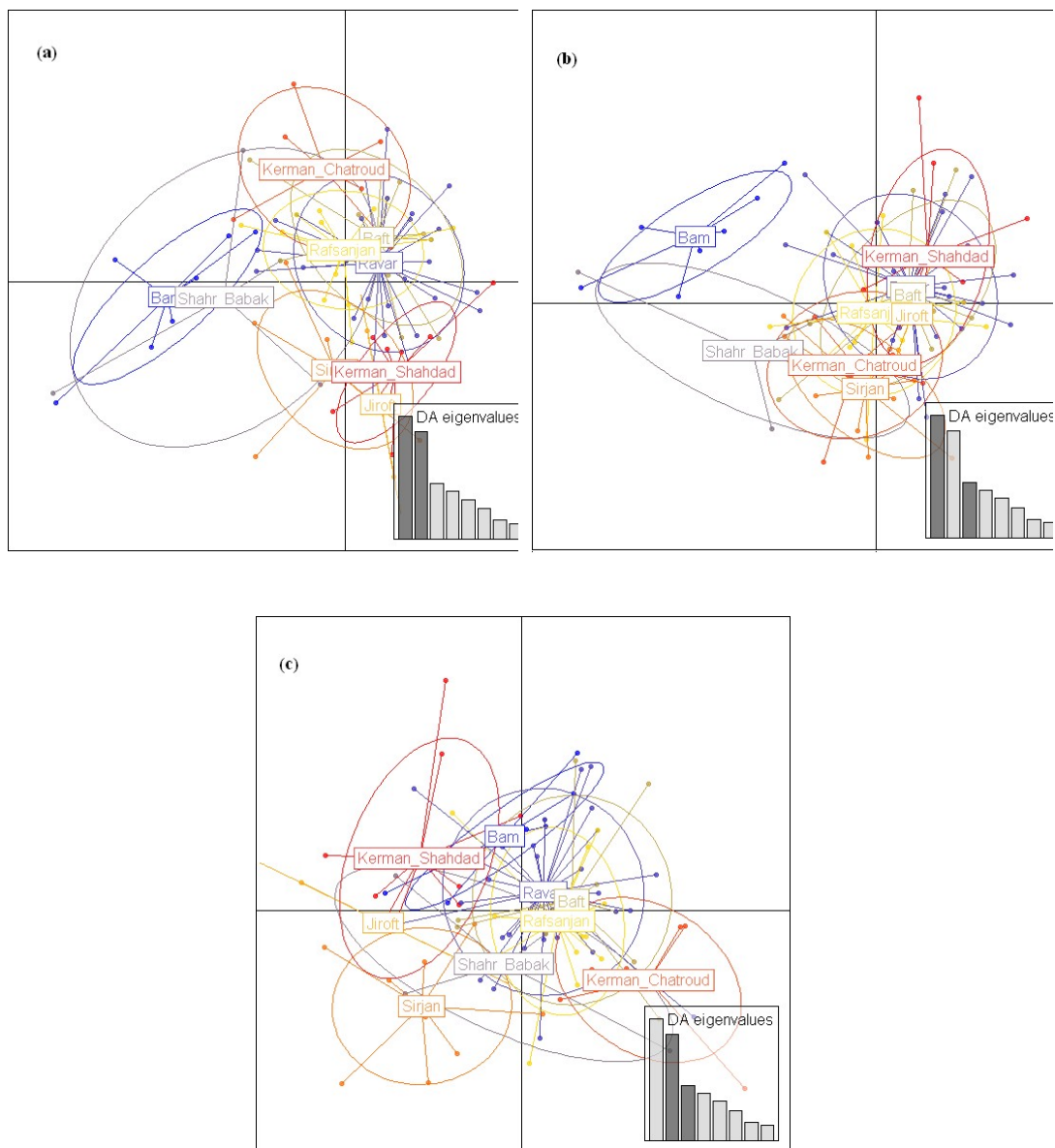
نتایج نشان داد که در $k = 10$ ، حداقل میزان اطلاعات بیزی (BIC) حاصل می‌شود (شکل ۶a). بررسی حضور ژنوتیپ‌ها در گروه‌های مختلف براساس نواحی منشاء آنها (شکل ۶b) نشان دهنده توزیع ژنوتیپ‌های هر ناحیه جغرافیایی در گروه‌های مختلف بود و

باکس مربوط به ژنوتیپ‌های جیرفت بالاتر از سایر باکس‌ها قرار گرفت که نشان‌دهنده فواصل بیشتر ژنوتیپ‌های این ناحیه جغرافیایی نسبت به سایر نواحی می‌باشد. طول باکس‌های مربوط به نواحی راور، بافت و رفسنجان بیشتر از سایر باکس‌ها بود که نشان می‌دهد این نواحی به لحاظ ژنتیکی نسب به برخی از نواحی مشابهت بیشتر دارند در حالی که طول کمتر باکس‌ها حاکی از فاصله ژنتیکی یکسان از سایر نواحی می‌باشد (شکل ۴a).

منشاء ژنوتیپ‌های مورد بررسی با استفاده از دندورگرام به پنج گروه تقسیم شدند. راور، رفسنجان و بافت در یک گروه قرار گرفتند. همچنین جیرفت و شهداد نیز در یک گروه و شهر بابک و بم در گروهی جداگانه واقع شدند. نواحی سیرجان و چترود هر یک بطور انفرادی در دندورگرام قرار گرفتند (شکل ۴b).

ارتباط منشاء ژنوتیپ‌های مورد بررسی همچنین با استفاده از تجزیه تشخیصی مورد مطالعه قرار گرفت (شکل ۵). در بای پلات مبتنی بر دو تابع تشخیصی اول (شکل ۵a) نواحی منشاء در طول محور تابع تشخیصی دوم تا حدودی از یکدیگر تفکیک شدند. چترود و جیرفت بترتیب با بیشترین و کمترین مقدار عددی در تابع تشخیصی دوم، بطور مجزا از سایر نواحی قرار گرفت. سپس بافت، رفسنجان و راور در مرکز بای پلات در مجاورت یکدیگر واقع شدند. شهر بابک و بم براساس هر دو

گروهی که اختصاصاً ژنوتیپ‌های یک ناحیه را شامل شود، شناسایی نشد. این نتایج در تطابق با

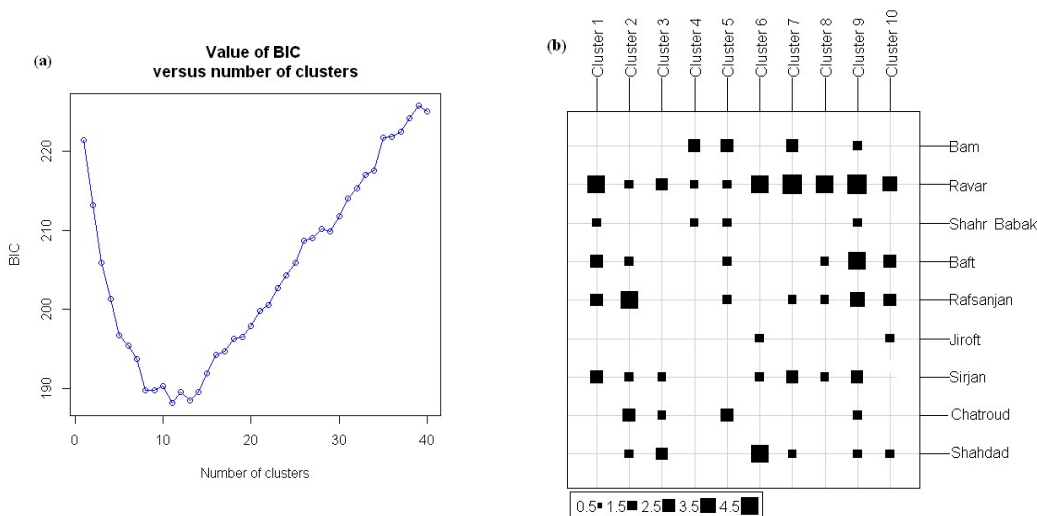


شکل ۵- تفکیک نواحی منشأ ژنوتیپ‌های انار استان کرمان براساس محورهای اول و دوم (a)، اول و سوم (b) و دوم و سوم (c) از تجزیه تابع تشخیص مؤلفه‌های اصلی

Fig. 5. Origin differentiation of pomegranate genotypes of Kerman based on first and second (a), first and third (b) and second and third (c) coordinates of discriminant analysis of principal components

منشاء ژرم پلاسما مورد ارزیابی را در برگرفت بطوری که فقط شامل ژنوتیپ‌های بم، راور و شهربابک بود. گروه نهم نیز به عنوان

نتایج تجزیه توابع تشخیصی مبنی بر اختلاط ژنتیکی بین نواحی می‌باشد. گروه چهارم بطور اختصاصی تر نسبت به سایر گروه‌ها، نواحی



شکل ۶- روند تغییرات شاخص اطلاعات بیزی (BIC) با انتخاب متوالی تعداد گروه‌های متفاوت از ژنوتیپ‌های انار استان کرمان در روش تجزیه خوشه‌ای به روش K means (a) و نمایش حضور ژنوتیپ‌ها در گروه‌ها براساس نواحی منشاء آنها (b)

Fig. 6. Trend of Bayesian information criterion (BIC) by successive selection of different number of clusters of pomegranate genotypes of Kerman province using K means clustering approach, and distribution of genotypes of different origins within the groups (b)

راور، شیرین پوست کلفت بافت و گرو ترش راور واقع شدند. در این گروه صفات شکل کروی میوه (۱)، شکل تقریباً بیابینی (نزدیک به حدواسط زاویه دار و پهن) بخش تحتانی میوه (۲)، طول معمولی (غیربلند) تاج میوه (۲)، شکل نامتقارن میوه (۳)، فقدان برآمدگی در بخش تحتانی میوه (۱)، رنگ قرمز مایل به زرد پوست میوه (۳)، رنگ قرمز تیره دانه (۷)، رنگ قرمز دمبرگ (۱)، بدون غده انتهایی برگ (۱)، نسبت بالای طول به پهنای برگ (۷)، نسبت متوسط طول دمبرگ به طول رگبرگ میانی (۳)، موقعیت جانبی گل (۱)، محل تشکیل گل بیشتر روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت بارآوری

عمومی‌ترین گروه شناسایی شد و بجز جیرفت، سایر نواحی منشاء را شامل شد. همچنین از بین نواحی منشاء، ژنوتیپ‌های راور در تمام گروه‌ها توزیع شدند و ژنوتیپ‌های جیرفت فقط در گروه‌های ششم و دهم حضور داشتند. ویژگی هر یک از گروه‌های تشکیل شده توسط تجزیه خوشه‌ای با استفاده از آماره نما مورد بررسی قرار گرفت (جدول ۴). در گروه اول ۱۱ نمونه شامل ژنوتیپ‌های میخوش پوست کلفت، سک پوست سفید شهربابک، دبه‌ای سرچنگل، آبدندان شیرین راور، سکنجینی سیرجان، سرخ پوست وحشی، شیرین پوست سفید رفسنجان، دم لک چترود، درپایه ریز

جدول ۴- صفات گروه‌های تشکیل شده ژنوتیپ‌های انار کرمان براساس تجزیه خوشه‌ای به روش K means مبتنی بر مؤلفه‌های اصلی

Table 4. Traits of the groups developed by K means clustering approach based on principal components for pomegranate genotypes of Kerman province

Trait	صفت	گروه Cluster									
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Fruit shape	شکل میوه	1*	2	1	1	2	2	3	1	2	1
Shape of fruit base	شکل بخش تحتانی میوه	2	1	3	3	4	1	2	2	1	3
Shape of fruit apex	شکل تاج میوه	2	2	2	2	1	1	1	2	1	2
Fruit symmetry	تقارن میوه	3	1	5	5	1	5	3	5	5	5
Dome at fruit base	طول تاج میوه	1	1	3	3	1	2	1	1	1	2
Skin color	رنگ پوست میوه	3	3	3	3	3	4	5	3	4	4
Seed color	رنگ دانه	7	3	3	3	7	5	3	5	5	3
Petiole color	رنگ دم‌برگ	1	1	1	2	1	1	1	1	1	1
Apical nectar gland	وضعیت غده انتهایی	1	1	1	3	1	3	1	1	1	1
Leaf length to width ratio	نسبت طول به پهنای برگ	7	5	7	5	5	5	5	5	7	5
Relative length of petiole to leaf middle vein	نسبت طول دم‌برگ به رگبرگ میانی	3	2	3	2	3	2	2	2	2	2
Position of flowers	موقعیت گل	1	3	1	1	1	3	1	3	1	3
Bearing habit	عادت بارآوری	1	1	1	3	1	1	1	1	1	1
Regularity of flowering	عادت گلدهی	3	1	3	1	3	1	3	1	3	1
Growth habit	عادت رشد	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
Vigor of tree	بنیه درخت	3	2	1	2	3	1	3	1	2	2
Suckering tendency	تمایل پاجوش دهی	3	3	3	3	3	7	3	7	3	3
Wood surface	وضعیت سطح چوب	3	3	3	1	3	3	3	3	3	3
Thorniness	وجود خار روی چوب	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
Color of one-year-old shoot	رنگ شاخه یکساله	2	2	2	2	2	2	2	2	2	2
Shape of leaf apex	شکل جوانه برگ	1	3	3	3	3	3	3	3	3	3
Intensity of leaf green color	شدت سبزی رنگ برگ	3	3	3	3	3	3	3	5	3	3

* به منظور شناسایی صفات بارز هر گروه از آماره نما استفاده شده است.

* Mode statistics has been used to determine main features of each group.

میخوش چترود، بمی سیرج شهاداد، ترش دورگ داوران، شیرین دانه قرمز رفسنجان، بی هسته دانه سفید راور، شاهی ترش چترود، شیرین گرچ سیرجان و ترش کم بار خبر بافت در گروه دوم قرار گرفتند (جدول ۴). وجه مشخصه این گروه براساس آماره نما عبارت از صفات شکل بیضی میوه (۲)، شکل بینابینی (حدواسط زاویه‌دار و پهن) بخش تحتانی میوه (۱)، طول معمولی (غیربلند) تاج میوه (۲)، شکل

نامنظم (۳)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه قوی درخت (۳)، تمایل کم به پاجوش دهی (۳)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل گرد نوک برگ (۱) و شدت پایین رنگ سبز برگ (۳) دارای بیشترین فراوانی بودند (جدول ۴).
تعداد ۱۰ نمونه شامل ژنوتیپ‌های قاسم مندلی رفسنجان، میخوش پوست قرمز رفسنجان،

(۱)، عادت باروری بیشتر روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت گلدهی نامنظم (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه ضعیف درخت (۱)، تمایل کم به پاجوش‌دهی (۳)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و شدت پایین رنگ سبز برگ (۳) بود.

گروه چهارم از چهار نمونه شامل ژنوتیپ‌های کیوانی سرچنگل بم، سک پوست قرمز شهربابک، گلابی پوست نازک سرچنگل بم و بافتی دانه قرمز راور تشکیل شد. در این گروه صفات شکل کروی میوه (۱)، شکل باریک بخش تحتانی میوه (۳)، طول معمولی (غیربلند) تاج میوه (۲)، شکل بدون برجستگی و متقارن میوه (۵)، وجود برآودگی در بخش تحتانی میوه (۳)، رنگ پوست قرمز مایل به زرد میوه (۳)، رنگ صورتی-زرد دانه (۳)، رنگ زرد دم‌برگ (۲)، وضعیت توسعه یافته غده انتهایی برگ (۳)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت کوتاه طول دم‌برگ به طول رگبرگ میانی (۲)، موقعیت جانبی گل در گل‌آذین (۱)، عادت باروری بیشتر روی شاخه‌های چندساله (۳)، عادت بارآوری (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه متوسط درخت (۲)، تمایل کم به پاجوش‌دهی (۳)، وضعیت سطح چوب صاف (۱)، فقدان وجود خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه

مقارن پنج ضلعی میوه (۱)، فقدان برآمدگی در بخش تحتانی میوه (۱)، رنگ قرمز مایل به زرد پوست میوه (۳)، رنگ صورتی-زرد دانه (۳)، رنگ قرمز دم‌برگ (۱)، بدون غده انتهایی برگ (۱)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت پایین طول دم‌برگ به طول رگبرگ میانی (۲)، موقعیت گل انتهایی در گل‌آذین (۳)، عادت باروری بیشتر روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت بارآوری منظم (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه متوسط درخت (۲)، تمایل کم به پاجوش‌دهی (۳)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان وجود خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و شدت پایین رنگ سبز برگ (۳) بود (جدول ۴).

گروه سوم نمونه، شامل ژنوتیپ‌های ترش درجه دو راور، ملس دانه سفید سیرجان، کیوانی چترود، گلابی پوست قرمز راور، شیرین هسته ریز شهاداد (ژنوتیپ‌های شماره ۷۷ و ۸۸) را در بر گرفت. ویژگی این گروه صفات شکل کروی میوه (۱)، شکل باریک بخش تحتانی میوه (۳)، طول معمولی (غیربلند) تاج میوه (۲)، شکل متقارن و بدون برجستگی میوه (۵)، وجود برآمدگی در بخش تحتانی میوه (۳)، رنگ قرمز مایل به زرد پوست میوه (۳)، رنگ صورتی-زرد دانه (۳)، رنگ قرمز دم‌برگ (۱)، بدون غده انتهایی برگ (۱)، نسبت بالای طول به پهنای برگ (۷)، نسبت متوسط طول دم‌برگ به طول رگبرگ میانی (۳)، موقعیت جانبی گل

برگ (۳) و شدت پایین رنگ سبز برگ (۳) دارای بیشترین فراوانی بودند.

در گروه پنجم هشت نمونه شامل ژنوتیپ‌های سابی سرچنگل بم، میخوش پوست نازک شهر بابک، دمبکوه سرچنگل بم، طائی پوست سفید چترود، سبز پوست داوران، پوست قرمز راور، شیرین پوست نازک بافت و شاهی ترش چترود قرار گرفتند. در این گروه صفات شکل بیضی میوه (۲)، شکل فراخ بخش تحتانی میوه (۴)، تاج بلند میوه (۱)، شکل متقارن پنج ضلعی میوه (۱)، فقدان برآمدگی در بخش تحتانی میوه (۱)، رنگ پوست میوه قرمز مایل به زرد (۳)، رنگ صورتی روشن دانه (۷)، رنگ قرمز دمبرگ (۱)، فقدان غده انتهایی برگ (۱)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت متوسط طول دمبرگ به طول رگبرگ میانی (۳)، موقعیت جانبی گل (۱)، عادت بارآوری بیشتر روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت بارآوری منظم (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه ضعیف درخت (۱)، تمایل زیاد به پاجوش دهی (۷)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و (۳) و شدت پایین رنگ سبز برگ (۳) بود.

راور، بافتی پوست سفید راور، ترش دانه قرمز شهداد، شیرین خاص سیرچ شهداد و وحشی نرگ شهداد را در برگرفت. وجه مشخصه این گروه عبارت از صفات شکل بیضی میوه (۲)، شکل بینایی (حدواسط زاویه دار و پهن) بخش تحتانی میوه (۱)، تاج بلند میوه (۱)، شکل متقارن و بدون برجستگی میوه (۵)، برآمدگی کوتاه در بخش تحتانی میوه (۲)، رنگ قرمز پوست میوه (۴)، رنگ قرمز روشن دانه (۵)، رنگ قرمز دمبرگ (۱)، وضعیت توسعه یافته غده انتهایی (۳)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت پایین طول دمبرگ به طول رگبرگ میانی (۲)، موقعیت انتهایی گل در گل‌آذین (۳)، عادت باروری بیشتر روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت بارآوری منظم (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه ضعیف درخت (۱)، تمایل زیاد به پاجوش دهی (۷)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و (۳) و شدت پایین رنگ سبز برگ (۳) بود.

گروه هفتم از ۱۱ عضو شامل ژنوتیپ‌های دمبکوه پوست قرمز بم، گلابی پوست نازک بم، درپایه دانه ریز راور، شیرین پوست قرمز راور، ترش پوست پیازی راور، میخوش صورتی سیرجان، بافتی دورگ راور، میخوش دانه سیاه رفسنجان، دبه‌ای پوست قرمز راور، میخوش هسته ریز شهداد و کیانی سیرجان تشکیل شد. ویژگی این گروه صفات شکل تخم مرغی میوه

(۳)، دارای بیشترین فراوانی بودند. گروه ششم ۱۰ نمونه شامل ژنوتیپ‌های وحشی بهرننگ جیرفت، پوست گندمی سیرجان، درپایه دانه سیاه راور، درپایه دانه قرمز راور، مرس خاص شهداد، درپایه درجه یک

(۵)، رنگ قرمز دمبرگ (۱)، فقدان غده انتهایی دمبرگ (۱)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت پایین طول دمبرگ به طول رگبرگ میانی (۲)، موقعیت انتهایی گل در گل‌آذین (۳)، عادت باروری روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت بارآوری منظم (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه ضعیف درخت (۱)، تمایل زیاد به پاجوش‌دهی (۷)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و شدت متوسط سبزی رنگ برگ (۵) دارای بیشترین فراوانی بودند.

در گروه نهم ژنوتیپ‌های پوست قرمز شهرباک، مرس سرچنگل بم، شیرین پوست قرمز رفسنجان، ترش پوست سفید شهاداد، میخوش پوست نازک بافت، مرس داوران رفسنجان، ترش دانه قرمز راور، شیرین هسته ریز بافت، نرک داوران رفسنجان، سفید پوست راور، میرزائی ترش راور، ترش درجه یک راور، شیرین شهوار سیرجان، شاهی دانه سیاه چترود، کیانی پوست کلفت، شیرین هسته دار خبر بافت، بی هسته شیرین خبر بافت و ترش سبز پوست سفید واقع شدند. در این گروه صفات شکل بیضی میوه (۲)، شکل بینابینی (حدواسط زاویه‌دار و پهن) بخش تحتانی میوه (۱)، تاج بلند میوه (۱)، شکل بدون برجستگی و متقارن میوه (۵)، فقدان برآمدگی در بخش تحتانی میوه (۱)، رنگ قرمز پوست میوه (۴)، رنگ قرمز روشن دانه (۵)، رنگ قرمز دمبرگ

(۳)، شکل تقریباً بینابینی (نزدیک به حدواسط زاویه‌دار و پهن) بخش تحتانی میوه (۲)، تاج بلند میوه (۱)، شکل نامتقارن میوه (۳)، فقدان برآمدگی در بخش تحتانی میوه (۱)، رنگ قرمز پررنگ پوست میوه (۵)، رنگ صورتی-زرد دانه (۳)، رنگ قرمز دمبرگ (۱)، فقدان غده انتهایی برگ (۱)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت کوتاه طول دمبرگ به طول رگبرگ میانی (۲)، موقعیت جانبی گل در گل‌آذین (۱)، محل تشکیل گل روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت گلدهی نامنظم (۳)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه قوی درخت (۳)، تمایل کم به پاجوش‌دهی (۳)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و شدت پایین رنگ سبز برگ (۳) بود.

گروه هشتم هفت نمونه عبارت از ژنوتیپ‌های زاغ پوست قرمز راور، خشک دانه قرمز راور، سکنجینی سیرجان، میخوش دانه قرمز رفسنجان، جازی پوست سفید، جازی پوست قرمز و خودرو وحشی خبر بافت را شامل شد. در این گروه صفات شکل کروی میوه (۱)، شکل تقریباً بینابینی (نزدیک به حدواسط زاویه‌دار و پهن) بخش تحتانی میوه (۲)، طول معمولی (غیربلند) تاج میوه (۲)، شکل بدون برجستگی و متقارن میوه (۵)، فقدان برآمدگی در بخش تحتانی میوه (۱)، رنگ قرمز مایل به زرد پوست میوه (۳)، رنگ قرمز روشن دانه

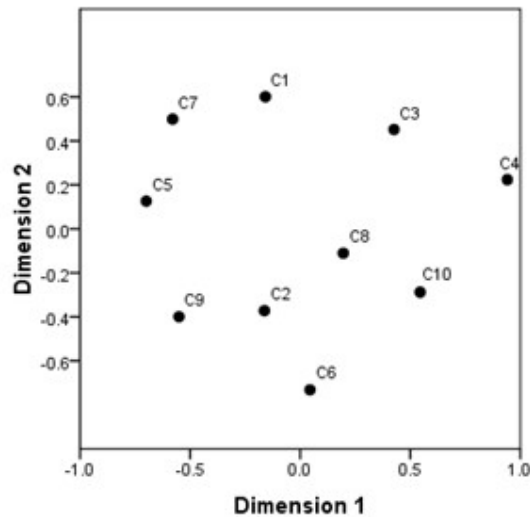
گلدهی منظم (۱)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه متوسط درخت (۲)، تمایل کم به پاجوش دهی (۳)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و شدت پایین سبزی رنگ برگ (۳) بود.

گروه‌های حاصل در بای پلات مقیاس بندی چند بعدی (شکل ۷) بصورت یکنواختی توزیع شدند که نشان‌دهنده وجود تنوع مناسب در ژرم پلاسم مورد بررسی می‌باشد. گروه‌های ۱ و ۶ دارای بیشترین و گروه‌های ۶ و ۹ دارای کمترین فاصله از یکدیگر بودند. با استفاده از این بای پلات می‌توان به انتخاب گروه‌هایی با حداکثر میزان تنوع اقدام کرد. به عنوان مثال همانطور که در بای پلات مشخص است، چنانچه انتخاب گروه‌هایی با حداکثر تفاوت با گروه یک مدنظر باشد، گروه‌های ۴ و ۶ و ۱۰ با داران بودن حداکثر فاصله با گروه یک، کاندیدای مناسبی بدین منظور خواهند بود و یا برای گروه دهم، انتخاب گروه‌های ۵، ۱ و ۷ منجر به حداکثر تفاوت خواهد شد.

نتایج این تحقیق ضمن اینکه توصیف جامعی از صفات ظاهری ژنوتیپ‌های تحت بررسی فراهم کرد، تنوع موجود در ژرم پلاسم را نیز به گروه‌هایی متمایزی تفکیک نمود. فواصل برآورد شده بین ژنوتیپ‌ها مورد ارزیابی، بازتابی از تفاوت ژنتیکی آنها می‌باشد. یکی از پدیده‌های رایج وجود اسامی مشابه برای ارقام محلی است. در این تحقیق نیز اسامی مشابهی در

(۱)، فقدان غده انتهایی دمبرگ (۱)، نسبت بالای طول به پهنای برگ (۷)، نسبت پایین طول دمبرگ به طول رگبرگ میانی (۲)، موقعیت جانبی گل در گل‌آذین (۱)، عادت باروری روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت بارآوری نامنظم (۳)، عادت رشد گسترده (۱)، بنیه متوسط درخت (۲)، تمایل کم به پاجوش دهی (۳)، سطح چوب ناصاف (۳)، فقدان خار روی چوب (۱)، رنگ سبز شاخه یکساله با نوارهای صورتی (۲)، شکل نوک تیز جوانه برگ (۳) و شدت پایین سبزی رنگ برگ (۳) دارای بیشترین فراوانی بودند.

گروه دهم، نه عضو شامل ژنوتیپ‌های طوق ملس درجه یک راور، بافتی پوست قرمز راور، سبز پوست وحشی جیرفت، ترش پوست قرمز رفسنجان، کیوانی راور، روده‌ای داوران، شاهی دانه قرمز، کدوئی ترش خیر بافت، شیرین دنده‌دار خیر بافت را در بر گرفت. ویژگی این گروه صفات شکل کروی میوه (۱)، شکل باریک بخش تحتانی میوه (۳)، طول معمولی (غیربلند) تاج میوه (۲)، شکل بدون برجستگی و متقارن میوه (۵)، برآمدگی کوتاه در بخش تحتانی میوه (۲)، رنگ قرمز پوست میوه (۴)، رنگ صورتی-زرد دانه (۳)، رنگ قرمز دمبرگ (۱)، فقدان غده انتهایی دمبرگ (۱)، نسبت متوسط طول به پهنای برگ (۵)، نسبت پایین طول دمبرگ به طول رگبرگ میانی (۲)، موقعیت انتهایی گل در گل‌آذین (۳)، عادت باروری روی شاخه‌های یکساله (۱)، عادت



شکل ۷- پراکنش گروه‌های حاصل از تجزیه خوشه‌ای به روش K means مربوط به ژنوتیپ‌های انار استان کرمان در بای پلات مبتنی بر تجزیه مقیاس بندی چند بعدی

Fig. 7. Distribution of the pomegranate groups of Kerman province developed by K means clustering method in the biplot of multidimensional scaling analysis

نشان دادند که کلکسیون انار یزد ممکن است حاوی ژنوتیپ‌های متفاوت با اسامی مشابه و یا ژنوتیپ‌های یکسان با اسامی متفاوت باشد.

نتایج این تحقیق در مجموع، امکان شناسایی و ثبت ژنوتیپ‌های ارزیابی شده را فراهم می‌آورد و در زمینه تمایز ژنتیکی و گروه‌بندی ژرم پلاسم، جهت انتخاب نمونه‌هایی با حداکثر میزان تمایز در مطالعات آینده، قابل بهره‌برداری خواهد بود.

سپاسگزاری

نگارندگان از مدیریت بخش تحقیقات

ژنوتیپ‌های مورد بررسی وجود داشت. به عنوان مثال ژنوتیپ‌های شاهی ترش چترود با دو شماره دسترسی متفاوت (۷۶ و ۷۹) نام یکسانی داشتند اما با اینحال در دندروگرام تجزیه خوشه‌ای در دو گروه متفاوت قرار گرفتند. گرچه ژنوتیپ‌های سکنجینی سیرجان (با شماره‌های دسترسی متفاوت ۲۱ و ۶۳) در دندروگرام تجزیه خوشه‌ای در گروه مشابهی قرار گرفتند، اما بررسی مقادیر ماتریس تشابه نشان داد که در زمره مشابه‌ترین ژنوتیپ‌ها نبودند بلکه ژنوتیپ‌هایی با نام‌های متفاوت از میزان تشابه بیشتری برخوردار بودند. کاظمی الموتی و همکاران نیز (Kazemi Alamuti et al., 2013)

ژنتیک و ذخائر توارثی گیاهی مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر و مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان یزد که در اجرای این تحقیق همکاری نمودند سپاسگزاری می کنند.

References

- Adabi Firouz Jaei, Z., Zamani, M., and Fatahi Moghadam, M. R. 2013.** Study of wild and commercial pomegranates genotypes from the North of Iran using morphological traits. *Journal of Plant Production* 20(3): 91-109 (in Persian).
- Beigi, F., Abdousi, V., and Ghasemi, A. A. 2012.** Evaluation of some Iranian pomegranate cultivars for processing industries. *Food Technology and Nutrition* 9(5): 85-95 (in Persian).
- Jombart, T., Devillard, S., and Balloux, F. 2010.** Discriminant analysis of principal components: a new method for the analysis of genetically structured populations. *BMC Genetics* 11: 94.
- Kazemi Alamuti, M., Ebrahimi, M. A., Zeinolabedini, M., Mardi, M., Roodbar Shojaie, T., Pezhman Mehr, M., and Poor Irandoost, H. 2013.** Genetic diversity of Iranian sour pomegranate (*Punica granatum* L.) germplasm based on microsatellite markers. *Seed and Plant Improvement Journal* 29(1): 179-197 (in Persian).
- Mars, M. 2000.** Pomegranate plant material: genetic resources and breeding, a review. *Options Méditerranéennes, Seri A, No. 42:* 55-62.
- Melgarejo Moreno, P., and Martinez, R. 1992.** *El Granado*, Ediciones Mundi-Prensa. Madrid. 163 pp.
- Melgarejo, P., Martinez, J., Martinez, F. R., Barrows, P., and Erez, A. 2004.** Kaolin treatment to reduce pomegranate sunburn. *Scientia Horticulturae* 100(1-4): 349-353.
- Rogers, J. S. 1972.** Measures of genetic similarity and genetic distance. *Studies in Genetics* 7: 145-153.
- Samadlouei, H., Azizi, M. H., and Barzagar, M. 2006.** Investigation of physicochemical properties of ten varieties of Yazd pomegranate seed. *Journal of Food Science and Technology* 3(9): 19-26 (in Persian).

- Shannon, C. E. 1948.** A mathematical theory of communication. Bell System Technical Journal 27: 379-423.
- Still, D. W. 2006.** Pomegranates: a botanical perspective. pp:199-209. In: Seeram, N. P., Schulman, R. N. and Heber, D. (eds.) pomegranates: ancient roots to modern medicine. CRC Press Taylor and Francis Group, Boca Raton, Florida,
- Tatari, M., Fotouhi Ghazvini, R., Ghasemnejad, M., Mousavi, S. A., and Tabatabaai, S. Z. 2011.** Morphological and biochemical characteristics of fruit in some pomegranate cultivars in climatical conditions of Saveh. Seed and Plant Improvement Journal 27(1): 69-87 (in Persian).
- UPOV. 2012.** Guidelines for the conduct of tests for distinctness, uniformity and stability: Pomegranate. International Union for the Protection of New Varieties of Plants, Geneva. 34 pp.
- Verma, N., Mohanty, A., and Lal, A. 2010.** Pomegranate genetic resources and germplasm conservation: a review. Fruit, Vegetable and Cereal Science and Biotechnology 4(Special Issue 2): 120-125.
- Zarei, M., and Azizi, M. 2010.** Evaluation of some physicochemical characteristics of six Iranian pomegranate (*Punica granatum* L.) cultivars at ripening stage. Journal of Horticultural Science 24(2): 175-183 (in Persian).