

ارزیابی مقاومت ژنوتیپ‌های لوبیا (*Phaseolus vulgaris L.*) به ویروس موزائیک خیار
(*Cucumber mosaic virus: CMV*)

Evaluation of Resistance of Bean (*Phaseolus vulgaris L.*)
Genotypes to *Cucumber mosaic virus: CMV*

سیدامین انجوی امیری^۱، محمد رضا بی‌همتا^۲، سasan قاسمی^۳،

محمد مجتبی کامل‌منش^۴ و امین افضلی‌فر^۵

۱- دانشجوی سابق کارشناسی ارشد، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، واحد کرج، دانشگاه آزاد اسلامی، کرج.

۲- استاد، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشگاه تهران، کرج.

۳ و ۴- استادیار، گروه گیاه‌پزشکی دانشکده کشاورزی، واحد شیراز، دانشگاه آزاد اسلامی، شیراز.

۵- دانشجوی دکتری گروه علوم کشاورزی، دانشگاه پیام نور، تهران.

تاریخ دریافت: ۱۳۹۶/۷/۲۸ تاریخ پذیرش: ۱۳۹۶/۷/۲

چکیده

انجوی امیری، س. ا.، بی‌همتا، م. ر.، قاسمی، س.، کامل‌منش، م. م. و افضلی‌فر، ا. ۱۳۹۶. ارزیابی مقاومت ژنوتیپ‌های لوبیا (*Phaseolus vulgaris L.*) به ویروس موزائیک خیار (*Cucumber mosaic virus: CMV*). مجله بهنژادی نهال و بذر ۱۳۹۶-۳۹۹: ۳۳-۳۷۳. [10.22092/spij.2017.116685](https://doi.org/10.22092/spij.2017.116685)

به منظور ارزیابی مقاومت برخی از ژنوتیپ‌های لوبیا به بیماری ویروسی موزائیک خیار (CMV) آزمایشی در گلخانه تحقیقاتی دانشکده کشاورزی دانشگاه آزاد اسلامی شیراز انجام شد. چهل و نه ژنوتیپ مختلف لوبیا از گروه‌های لوبیا قرمز، لوبیا چیتی و لوبیا سفید در قالب طرح مربع لاتیس با دو تکرار مورد ارزیابی قرار گرفتند. ویروس موردنظر از مزارع لوبیا سبز در شیراز جمع آوری، خالص‌سازی و با آزمون الایزا تأیید شد. ویروس خالص شده روی گیاهچه‌های رقم حساس لوبیا تکثیر و به صورت مکانیکی با پودر کاربوراندوم برای آلوهه‌سازی ژنوتیپ‌ها مورد استفاده قرار گرفت. در این بررسی درصد آلودگی ظاهری، درصد آلودگی واقعی (با آزمون الایزا) و میزان کلروفیل و سطح برگ ژنوتیپ‌ها اندازه گیری شد. بر اساس نتایج به دست آمده از این تحقیق، ژنوتیپ‌های لوبیا قرمز کمترین مقاومت را به این بیماری نشان دادند. همبستگی بالائی بین صفات مورد ارزیابی مشاهده شد که حاکی از تأثیر مثبت ویروس بر دستگاه فتوستنتزی و متعاقب آن تأثیر غیرمستقیم بر درصد آلودگی بود. بر اساس واکنش به ویروس، ژنوتیپ‌ها به چهار گروه مقاوم، نیمه مقاوم، نیمه حساس و حساس گروه‌بندی شدند. ژنوتیپ‌های Capsoli و Ks 31137، Ks 21414، Ks 21191، Ks 41125، Cardinal، Dehghan و Ks 31137 به ترتیب بالاترین سطح مقاومت را داشتند.

واژه‌های کلیدی: لوبیا، ژنوتیپ‌ها، ویروس موزائیک خیار، آزمون الایزا.

“مجله بهنژادی نهال و بذر” جلد ۱، شماره ۳، سال ۱۳۹۶

تلفن: ۰۲۶۳۲۲۴۶۰۷۴

نویسنده مسئول: ghanadha@ut.ac.ir

مقدمه

به این گیاه خسارت می‌زنند
Bean common mosaic virus: BCMV
Bean yellow mosaic virus: BYMV
Cucumber mosaic virus: CMV
و *Southern bean mosaic virus:* SBMV
BCMNV و *Tobacco streak virus:* TAV
هستند.

تمام این ویروس‌ها برای ایجاد بیماری و خسارت گیاه زراعی دارای پتانسیل مطلوب هستند اما شیوع آن‌ها بستگی به وجود ناقل‌ها، نوع رقم و زمان بسیار مهم آلودگی دارد (Spence and Walkey, 1995). ویروس موزائیک خیار، یک گونه از جنس *Bromoviridae* در خانواده *Cucumovirus* است که یکی از رایج‌ترین ویروس‌های گیاهی شناخته شده است که بیش از ۱۳۰۰ گونه را در سرتاسر جهان آلوده می‌کند (García-Arenal and Palukaitis, 2008). ویروس موزائیک خیار (CMV) برای اولین بار در سال ۱۹۴۱ به عنوان یک عامل بیماریزا روی لوبیا معمولی مشاهده شده است. سویه‌ای از این ویروس به نام سویه لوبیا (CMV-B) از منطقه نیویورک و مهم‌تر از آن سویه بقولات (CMV-Le) از ژاپن، توانایی تولید بیماری‌های مخربی را روی بسیاری از ارقام لوبیا دارند. این ویروس بزرگ‌ترین دامنه میزبانی را نسبت به سایر ویروس‌های گیاهی به خود اختصاص داده و تعداد گونه‌های گیاهی که به عنوان میزبان این

لوبیا (L.) (*Phaseolus vulgaris*) یکی از مهم‌ترین حبوبات خوراکی ایران و جهان (Broughton *et al.*, 2004)؛ از جمله بسیاری از بخش‌های آفریقا، آسیا و آمریکای لاتین بوده و به دلیل مقدار پروتئین زیاد به عنوان منبع اولیه ماده غذایی برای میلیون‌ها نفر محسوب می‌شود (Hall, 1991) که سهم عمده‌ای در رژیم غذایی انسان دارد و تأمین کننده بخش مهمی از پروتئین مورد نیاز انسان است. علاوه بر رژیم غذایی انسان، بقولات برای تغذیه حیوانات و تولید صنعتی اسید سیتریک نیز استفاده می‌شوند (Todorovic *et al.*, 2008). مقدار پروتئین حبوبات حدود ۲ تا ۴ برابر غلات و ۱۰ تا ۲۰ برابر گیاهان غده‌ای است. بر اساس آمار موجود، سطح زیر کشت حبوبات در ایران در حدود ۱۰۷۴۱۵ هکتار بوده و مجموع تولید آن در حدود ۲۲۹۹۴۱ تن دانه است (Anonymous, 2016). غالباً کاهش عملکرد در لوبیا، به اثر آن بر اجزای عملکرد از جمله تعداد نیام در گیاه، تعداد دانه در نیام و غیره نسبت داده می‌شود (Gebeyehu, 2006).

بقولات همانند دیگر گیاهان زراعی مورد حمله بیماری‌های مختلف ویروسی، قارچی و باکتریایی قرار می‌گیرند (Graham and Vance, 2003). لوبیا میزبان تعداد زیادی از عوامل بیماریزا ویروسی (Etebarian, 2002؛ Hall, 1991) است و مهم‌ترین ویروس‌هایی که

García-Arenal and Palukaitis, 2008)؛
میزان افت عملکرد (Palukaitis *et al.*, 1992
گیاه می‌شود، به طوری که در سال ۱۹۷۸ در
آمریکا به میزان ۱۴٪ به محصول لوبيا خسارت
وارد کرد (Pio-Riberio *et al.*, 1978). از
علائم ناشی از CMV می‌توان به روخشمی بارز
برگ که منجر به موzaïek می‌شود، پیچیدگی
برگ، پیسک سبز یا سبز-زرد، تاول،
رگه نواری سبز تیره و چین دار زیپ مانند
در امتداد رگ برگ اصلی اشاره کرد
؛ Kostova *et al.*, 2007)
روش‌های کنترل CMV (Taiwo *et al.*, 2001
نیز مانند ویروس‌های گیاهی دیگر گوناگون
است، که از جمله آن‌ها می‌توان از روش‌های
تکثیر منابع عاری از ویروس، از بین بردن
گیاهان آلوده، جلوگیری از فعالیت
ناقلین و استفاده از ارقام مقاوم یاد کرد.
اما به دلیل دامنه میزبانی گسترده CMV
(Edwardson and Christie, 1991)، فراوانی
انتقال از طریق بیش از ۸۰ گونه
شته (Palukaitis *et al.*, 1992) و شکسته
(Edwardson and Christie, 1991
شدمنابع ژنتیکی مقاومت به CMV توسط
نژادهای جدید (Palukaitis *et al.*, 1992)،
نمی‌توان CMV را مانند ویروس‌های دیگر به
طور مؤثر کنترل کرد. کنترل شته‌های انتقال
دهنده ویروس‌های لوبيا به وسیله حشره کش‌ها
کاربردی نیست، به طوری که شته‌ها چرخه
زندگی خود را در گیاهان دیگر از قبیل یونجه،

ویروس شناسایی شده‌اند در ۶۰ سال اخیر مرتبأ
رو به افزایش بوده است (Galitelli, 2000؛
Palukaitis *et al.*, 1992
ویروس موzaïek خیار ویروسی است
چندجزئی که از سه RNA تک رشته‌ای ژنومی
تشکیل شده است که هر کدام از آن‌ها به طور
تکی در یک ذره با قطر ۲۸ نانومتر قرار
می‌گیرند. این بیماری به وسیله شته‌ها به صورت
ناپایا منتقل می‌شود (Gildow *et al.*, 2008)
Tomlinson and Karter, 1970
از دیگر راه‌های انتقال (Yang *et al.*, 1997
این ویروس به صورت مکانیکی می‌باشد که
بیشتر بر مبنای عدم رعایت نکات اساسی توسط
کارگران و یا استفاده از ماشین‌ها و ابزارهای
آلوده به این ویروس رخ می‌دهد. انتقال بذری
CMV در ارقام حساس لوبيا بیش از ۴۹٪ است
(Davis and Hampton, 1986) و در بذر برای
حدود ۲۷ ماه در طول ذخیره‌سازی باقی می‌ماند
نژادهای CMV (Bos and Matt, 1974)
ابتدا عمدها براساس دامنه میزبانی، علائم، ناقلین،
خصوصیات سرولوژیکی و توالی اسید هسته‌ای
مشخص می‌شدند (Palukaitis *et al.*, 1992)
اما در حال حاضر به دو گروه اصلی (زیرگروه ۱
و زیرگروه ۲) براساس تشابهات سرولوژیکی و
توالی تقسیم می‌شوند (Hong *et al.*, 2007)
حسارت به وجود آمده از حمله ویروس‌های
بیماریزا در درجه اول به شکل کاهش
عملکرد، کیفیت محصول و درنهایت
از بین رفتن گیاهان آلوده است

و چیتی و بررسی تأثیرپذیری صفات
مورفولوژیک لوبيا از ويروس موزائیک
خیار (CMV).

مواد و روش‌ها

اين تحقيق در گلخانه دانشكده کشاورزی
دانشگاه آزاد شيراز انجام شد. برای نجام اين
تحقيق، ۴۹ ژنوتیپ لوبيا از انواع مختلف لوبيا
قرمز (۹ رقم و ۶ لاین)، لوبيا چیتی (۱۳ رقم و
۷ لاین) و لوبيا سفید (۹ رقم و ۵ لاین) از
ايستگاه تحقيقات لوبيا واقع در خمين دريافت و
مورد مطالعه قرار گرفتند. اين آزمایش در قالب
طرح مربع لاتيس پياده شد، که پس از محاسبه
سودمندي نسبی، محاسبات در قالب طرح
بلوک‌های كامل تصادفی با ۴۹ تیمار (ژنوتیپ)
و دو تكرار انجام شد. هر كرت آزمایش از دو
گلدان با قطر دهانه ۵ سانتي متر با نسبت ۱:۱
خاک و کود (خاک برگ) تشکيل می شد که
هر گلدان شامل پانزده بذر از ژنوتیپ
مربوطه بود. در هر گلدان پس از سبز
شدن بوته‌ها تعداد آنها با تنک کردن به
ده بوته کاهش يافت. به منظور ايجاد
شرایط ايده‌آل در گلخانه از پنکه‌های مکشی
برای کاستن رطوبت هوا، کولر برای کاهش
دمای هوا و حصیر برای تنظيم ميزان نور لازم
استفاده شد. همچنین درجه حرارت بين
۲۱-۲۳ درجه سانتي گراد و رژيم نوری هشت
 ساعت تاريکي و شانزده ساعت روشناني
تنظيم شد.

کاهو، کرفس كامل می‌کند
Nault et al., 2004)؛ Rist and Lorbeer, 1991
کاربردي برای اين مساله ترکيب مقاومت گیاه
میزبان (لوبيا) است، بنابراین نياز به ارزیابی ارقام
مقاوم لوبيا برای غله بر اين مشکل بیماری است.
ژن *RT4-4*، يك ژن مقاومت شناسایي شده در
رقم *Othello* لوبيا معمولی است که نشان
دهنده مقاومت به ويروس موزائیک کوتولگی
لوبيا بود (Wang et al., 1999) و همچنین نشان
داد که اين ژن عامل مقاومت به ويروس‌های
ديگری همانند CMV است (Seo et al., 2006).
عدادي از ژن‌های ديگر مقاوم به CMV در ديگر گونه‌ها شناسایي شدند.
Ncm-1، يك ژن مقاومت غالباً در
گونه‌های *lupin* شناسایي شده است (Jones and Latham, 1996).
ژن غالباً يافت شده در اکوتیپ *C24* گیاه
Arabidopsis thaliana، عامل مقاومت
به يك نژاد زرد از CMV است (Takahashi et al., 2002).

به دليل اهميت اين موضوع و عدم
وجود تحقيقات مورد نياز در اين زمينه،
پژوهش حاضر به منظور دستيابي به اهداف
زير انجام شد: ارزیابي مقاومت ژنوتیپ‌های
مختلف لوبيا به ويروس موزائیک خیار
(CMV)، مقایسه مقاومت و حساسيت
به اين ويروس بين ژنوتیپ‌های لوبيا قرمز، سفید

برای تکثیر به صورت *Chenopodium quinoa* مکانیکی به گیاهچه‌های حساس لوبيا در مرحله دو برگی مایه‌زنی شد. خلوص ویروس با استفاده از آنتی سرم مربوطه (اهدایی دکتر SCRI Torrance CMV از LW ویروس سرم از واکنش سویه Lupin و W ساخته شده است که L مربوط به ویروس این ویروس از آن جا گرفته شده است. این آنتی سرم به سویه‌های LS FNY از ویروس CMV واکنش نشان می‌دهد.

ارزیابی آلودگی ظاهری
بیست و یک روز بعد از مایه‌زنی مکانیکی برگ‌های هر کرت به منظور اندازه‌گیری آلودگی ظاهری ارزیابی شد و اعداد مربوطه یادداشت شد. برای این کار از فرمول زیر استفاده شد. این فرمول برای هر کرت به طور جداگانه مورد استفاده قرار گرفت:

$$\text{آلودگی ظاهری} = \frac{\text{درصد آلودگی}}{\text{تعداد بوتهای آلوده}} \times 100$$

ارزیابی کلروفیل و سطح برگ
در این آزمایش میزان کلروفیل برگ هر نمونه با دستگاه اسپکتروفوتومتر اندازه‌گیری شد. میزان کلروفیل همین نمونه‌ها، با استفاده از دستگاه هنساتک (Hansatech) مدل CL-01 نیز اندازه‌گیری شد. چون اعداد حاصله از دو دستگاه برای هر نمونه (به طور مجزا) همبستگی

تئیه خالص‌سازی و تکثیر ویروس و نحوه آلوده‌سازی

از مزارع لوبيا سبز ظفرآباد واقع در پشت فرودگاه شيراز، ویروس CMV از بوتهای آلوده، ضمن اطمینان از آلوده بودن به ویروس موردنظر (از طریق علائم مربوط به ویروس موزائیک خیار) شناسائی شد. از هر بوته به صورت جداگانه برگ‌ها جدا و درون پلاستیک انتقال داده شد و روی پلاستیک‌ها شماره مربوطه یادداشت شد. نمونه‌ها به صورت جداگانه عصاره گیری شدند و سپس میزان آلودگی آن‌ها از طریق آزمون PTA-ELISA با استفاده از آنتی سرم پلی کلونال CMV مورد اندازه‌گیری قرار گرفت و نمونه شماره ۶ که بیشترین میزان جذب نوری را از طریق دستگاه ELISA-Reader داشت، برای آلوده‌سازی نمونه‌ها انتخاب شد. این ویروس پس از خالص‌سازی بیولوژیکی از طریق استفاده از میزبان لکه موضعی روی

ضمناً معیار آلودگی هر بوته، مشاهده علائم موزائیک بود. به دلیل این که در هر کرت دو گلدان در نظر گرفته شده بود، از درصد آلودگی دو گلدان هر کرت، میانگین گرفته و عدد حاصله به عنوان درصد آلودگی آن کرت در نظر گرفته شد.

تعیین درصد آلودگی با آزمون الیزا (آلودگی واقعی)

برای تعیین درصد آلودگی واقعی با استفاده از آزمون الیزا از روش PTA-ELISA استفاده شد. این روش با استفاده از داووسون و میوهات (۱۹۸۷) و با استفاده از PBS- بافرهای آنتی ژن، بافر (۱۰X)، بافر شستشو (Phosphate Buffer Salin)، (Phosphate Buffer Salin-Tween) PBS-T بافر PBS-TPM و بافر زمینه (Substrate Buffer) انجام شد. این آزمون به ترتیب براساس مراحل عصاره‌گیری، طراحی نقشه پلیت الیزا و لود کردن پلیت، شستشو و خشک کردن، لود کردن آنتی بادی اختصاصی Anti Rabbit Conjugated CMV، لود کردن ماده زمینه (سبسترا) متنج و در نهایت لود کردن ماده زمینه (سبسترا) به داده‌های بیماریزایی روی نمونه‌های گیاهی شد. تعداد نمونه ارزیابی شده برای هر ژنوتیپ شانزده عدد بود (هر ژنوتیپ دارای دو تکرار و از هر تکرار چهار نمونه و هر نمونه در دو چاهک). پس از ثبت میزان جذب نور چاهک‌های پلیت توسط دستگاه الیزا ریدر، میانگین جذب نور شش چاهک شاهد (نمونه‌های شاهد) محاسبه شد. نمونه‌هایی که جذب نور بیش از میانگین شاهد به علاوه سه برابر انحراف معیار (نمونه‌های شاهد) داشتند به عنوان نمونه‌های مثبت و آن‌هایی که کمتر از این میزان جذب نور داشتند به عنوان نمونه‌های منفی ثبت شدند. تجزیه داده‌ها با استفاده از

بالایی داشتند، تمام نمونه‌ها با استفاده از دستگاه هنساتک اندازه گیری شد. برای این منظور، از هر بوته هر تکرار به طور تصادفی دو برگ انتخاب و از چهار قسمت مختلف هر برگ اندازه گیری انجام شد. سپس از هشت عدد مربوط به هر بوته میانگین گرفته و عدد به دست آمده به عنوان میزان کلروفیل بوته مربوطه ثبت شد.

از طرفی چون احتمال این موضوع وجود داشت که با حمله ویروس به برگ گیاه، رشد برگ گیاه محدود شود. بنابراین سطح برگ هر نمونه نیز با استفاده از کاغذ شترنجی اندازه گیری شد. برای انجام این کار از هر کرت ده برگ به صورت تصادفی انتخاب و در نهایت با میانگین گرفتن از این اعداد، عدد مربوط به کرت موردنظر ثبت شد.

تهیه و تکثیر ویروس و نحوه آلوده‌سازی

ویروس مورد نظر از مزارع لوییای سبز شیراز جداسازی و پس از خالص سازی بیولوژیکی جهت تکثیر به صورت مکانیکی به گیاهچه‌های حساس لوییا در مرحله دوبرگی مایه زنی شد. خلوص ویروس با استفاده از آنتی سرم مربوطه (اهدایی دکتر Lesley Torrance از موسسه تحقیقات زراعی اسکاتلند SCRI) تائید شد. آلوده سازی هفده روز پس از کاشت در دو مرحله (برای اطمینان بیشتر) به فاصله یک هفته به صورت مکانیکی و با استفاده از پودر کاربوراندوم انجام شد.

صفات مورفولوژیک در دو شرایط آزمایش (نتایج نشان داده نشده است) به خوبی نشان دهنده این مطلب بود که هر ژنوتیپ نسبت به ژنوتیپ‌های دیگر متفاوت بود، این موضوع به دلیل بدیهی است: اول این که ژنوتیپ‌ها از سه نوع رنگ نوع لوبيا و دارای تنوع بالايي بودند. تنوع ژنتيکي برای مقاومت به بيمارگر به طور معمول در جمعيتهای گياهی يافت می‌شود (Liu and Ekramoddoullah, 2003; Koskela et al., 2002; Thrall et al., 2001; Chiang et al., 2002 Morrison, 1996). گرچه اين موضوع ممکن است جامعيت نداشته باشد (Simms and Triplett, 1994).

عوامل بسيار زيادي وجود دارند که در لوبيا بر حفظ تنوع ژنتيکي مقاومت اثر دارند. يكى از اين عوامل تفاوت مقاومت ژنوتیپ‌های مختلف در مقابل ويروس موزائيک خيار است، چون هر ژنوتیپ ممکن است دارای ژنهای مقاومت خاص و منحصر به فرد و يا فاقد ژن مقاومت باشند. اين موضوع با تحقيقی که روی بيماري‌های BCMV و BCMNV انجام شده بود نشان داده شد که بيماري BCMV در گياهانی که دارای ژن غالب I بودند سبب حساسيت به دما، فوق حساسيت و اغلب باعث نکروز مرگبار در گيهام مى‌شد (Mavric and Sustar-Vozlic, 2004).

در حالی که Collmer et al., 2000 فقط باعث ايجاد علامت موزائيک در

نرمافزارهای SPSS و SAS انجام شد.

نتایج و بحث

نام و منشاء و نوع ارقام و لاین‌های لوبيای مورد بررسی در اين تحقيق در جدول ۱ نشان داده شده است. نتایج حاصل از تعزيز وارييانس ساده بر روی صفات مورد ارزیابی در اين آزمایش نشان داد (جدول ۲) که ژنوتیپ‌ها برای تمامی صفات به جزء سطح برگ قبل از آلدگی در سطح احتمال ۱٪ اختلاف معنی‌دار داشتند. اين موضوع نشان دهنده تنوع زياد در بين ژنوتیپ‌های مورد ارزیابی است. با توجه به اين که آلدگی مصنوعی توسط ويروس موزائيک خيار در مرحله دو برگی (V2) انجام شد، بنابراین اين گونه استنباط مى‌شود که معنی‌دار شدن اختلاف بين ژنوتیپ‌ها در مرحله سه برگی (V3) در شرایط آلدگی و عدم معنی‌دار شدن آن‌ها در شرایط بدون آلدگی در اين مرحله شايد به دليل شوك و تنش ابتدائي وارد شده به وسيله ويروس باشد که واکنش متفاوت ژنوتیپ‌ها را در شرایط آلدگی به همراه داشته است. اين نتیجه مطابق با نتایج كاملمنش (Kamelmanesh, 2006) بود. با مقایسه ميانگين ژنوتیپ‌ها (جدول ۳) مشاهده شد که تأثير CMV بر ژنوتیپ‌های Cardinal، Local Khomein و Capsoli نتایج مشابهی را با تحقيق مهربان و همكاران (Mehraban et al., 2003) داشت. مشاهده نتایج به دست آمده از مقایسه ميانگين‌های

جدول ۱- ارقام و لاین های لویبا مورد مطالعه در این تحقیق، همراه با مبدأ و نوع آنها

Table 1. Bean cultivars and lines studied in the present investigation together with their origin and type

شماره ژنوتیپ Genotype No.	نام ژنوتیپ Genotype name	مبدأ Origin	نوع Type			
1	Capsoli	کپسولی	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Kidney-bean	قرمز
2	Naz	ناز	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Kidney-bean	قرمز
3	Derakhshan	درخشنان	CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
4	Sayyad	صیاد	CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
5	Akhtar	اختر	CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
6	Keshavarz	کشاورز	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Kidney-bean	قرمز
7	Goli	گلی	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Kidney-bean	قرمز
8	D81083		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
9	A195		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
10	Ks 31107		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
11	Ks 31125		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
12	Ks 31128		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
13	Ks 31131		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
14	Ks 31137		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
15	AND-1007		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Kidney-bean	قرمز
16	Dehghan	دهقان	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Mung-bean	سفید
17	Daneshkadeh	دانشکده	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Mung-bean	سفید
18	Sadaf	صفد	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Mung-bean	سفید
19	G5710		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
20	Cifem cabe		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
21	74 Emerson	۷۴ امرسون	CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
22	Wa4502-1		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
23	G11867		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
24	Jules	جولز	CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
25	KS 41124		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
26	KS 41125		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
27	KS 41126		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
28	KS 41128		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Mung-bean	سفید
29	11805		Turkey	ترکیه	Mung-bean	سفید
30	Local Ahar	بومی احر	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Chiti-bean	چیتی
31	Local Aligoudarz	بومی الیگودرز	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Chiti-bean	چیتی
32	Talash	تلاش	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Chiti-bean	چیتی
33	Khomein-5	خمین-۵	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Chiti-bean	چیتی
34	Local Khomein	بومی خمین	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Chiti-bean	چیتی
35	Ghalaf Sefide sarab	غلاف سفید سراب	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Chiti-bean	چیتی
36	Khomein-2	خمین-۲	Breed in Iran	اصلاح شده در ایران	Chiti-bean	چیتی
37	Cos16		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
38	G 14088		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
39	Cardinal	کاردینال	CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
40	G 01437		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
41	Tay107		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
42	Pinto	پینتو	CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
43	Ks 21193		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
44	KS 21371		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
45	KS 21383		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
46	KS 21470		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
47	KS 21481		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
48	Ks 21414		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی
49	Ks 21191		CIAT (Columbia)	سیات (کلمبیا)	Chiti-bean	چیتی

جدول ۲- تجزیه واریانس ساده صفات ژنوتیپ‌های لوبیا در اثر آلدگی به ویروس موزائیک خیار
Table 2. Simple ANOVA of traits of bean genotypes infected by *Cucumber mosaic virus*

S.O.V.	منج تغیرات	درجه آزادی df.	میانگین مربuat MS					
			آلدگی واقعی Real infection	آلدگی ظاهري Apparent infection	سطح برگ آلدده Infected leaf area	میزان کلروفیل Chlorophyll content	سطح برگ شاهد Control leaf area	میزان کلروفیل شاهد Control chlorophyll contents
Replication	تکرار	1	0.076	0.006	5.578	2.173	12.049	0.176
Treatment	تیمار	48	0.188**	0.136**	28.704**	1.894**	45.170**	2.951
Error	خطا	48	0.027	0.009	8.459	0.449	5.965	4.034
Total	کل	97						
CV%	درصد ضریب تغیرات		19.190	12.280	7.430	17.090	22.950	22.780

**: معنی دار در سطح احتمال ۰.۰۱.

**: Significant of 1% level of probability.

۳

جدول ۳- میانگین میزان کلروفیل و سطح برگ ژنوتیپ‌های لوبیا در تیمارهای آلدده و بدون آلدگی به ویروس موزائیک و درصد کاهش این صفات
Table 3. Mean chlorophyll contens and leaf area of bean genotypes in infected and non-infected treatments with *Cucumber mosaic virus* and decrease percentage of these traits

Trait	صفت	میانگین صفات Traits mean		
		بدون آلدگی	با آلدگی	درصد کاهش Percentage of decrease
Chlorophyll content	میزان کلروفیل	32.97	4.29	6.40
Leaf area	سطح برگ	18.80	12.01	14.79

اعمال فیزیولوژیک گیاه در نهایت سبب کاهش کیفی و کمی محصول می‌شود و با توجه به این که کلروفیل و سطح برگ گیاه دو عامل اساسی در تولید فرآورده‌های گیاهی هستند، این میزان تغییر در کلروفیل و سطح برگ به راحتی می‌تواند به صورت مستقیم عملکرد گیاه را تحت تأثیر قرار دهد. با توجه به شرایط کنترل شده آزمایش می‌توان به این نکته پی‌برد که در شرایط مزرعه و در صورت انتشار این بیماری خسارت قابل توجهی به محصول وارد خواهد شد. میشل و همکاران (Michelle *et al.*, 2007) با بررسی روی یک جمعیت RIL از ۱۲۱ خانواده F_3 لوبيا سبز مشاهده کردند که CMV و *Clovr yellow vein virus* (CYVV) مهم‌ترین عوامل ضرر و زیان‌های اقتصادی مربوط به کیفیت غلاف از جمله ناهنجاری‌های غلاف و نکروز درونی و بیرونی غلاف هستند، همچنین نقش مهم این ویروس‌ها بر گیاه توسط لارسن و همکاران (Larsen *et al.*, 2008) و جرمن و همکاران (German *et al.*, 2004) گراو و همکاران (Grau *et al.*, 2001) در مورد ویروس‌های *Alfalfa mosaic virus* (AMV)، CYVV، CMV، همیدا (Hemida, 2005) در بررسی بیماری V. *faba* و *BYMV* روی چند ژنوتیپ *P. vulgaris* مشاهده کردند آلدگی در *P. vulgaris* سبب تشکیل مکانیسم‌های دفاعی زیر می‌شود: ۱) رنگدانه‌ها و کربوهیدرات‌ها به

ارقام لوبيای حساس شده بود اما توانست نکروز را در ارقام با ژن غالب I در دمای بیش از ۳۰ درجه سانتی گراد القاء کند (Mavric and Sustar-Vozlic, 2004) کامل‌منش (Kamelmanesh, 2009) با تحقیق روی وراثت‌پذیری و نحوه عمل ژن دخیل در مقاومت به ویروس موزائیک معمولی لوبيا در چهار تلاقي بین ژنوتیپ‌های مختلف لوبيا قرمز در نتیجه تجزیه میانگین نسل‌ها و تجزیه واریانس نسل‌ها دریافتند که اجزای افزایشی و اپیستازی در صفت مقاومت به BCMV تأثیر دارد، که معنی دار شدن اثر اپیستازی و تخمین ژن‌های در حال تفرق در والدین نشان‌دهنده این بود که بیش از یک ژن در کنترل این وضعیت در این تلاقي‌ها دخالت داشته است. همچنین تحقیق روی ژنتیک آلدگی CMV در ارقام کلم نشان داد که در توارث مقاومت حداقل دو لوسای با اثر مستقیم و تعداد چند لوسای با اثر غیرمستقیم دخیل بوده و روی سرعت رشد و قدرت بقای کلی کلم تأثیر می‌گذارد (Pink, 1987).

با توجه به درصد کاهش صفات در اثر آلدگی CMV در تمامی ژنوتیپ‌ها (جدول ۳) مشخص شد که دو صفت میزان کلروفیل و سطح برگ پس از آلدگی دارای کاهش بوده و ویروس موزائیک خیار میزان کلروفیل را نسبت به میزان سطح برگ بیشتر تحت تأثیر قرار داده است.

از آنجایی که عدم تعادل در فرایندها و

بیشترین تغییرات باشند را برای تکثیر و خالص سازی ویروس و ژنوتیپ‌هایی که کمترین تغییرات را داشتند را برای پروژه‌های بهنژادی و انتقال ژن مقاومت به بیماری مورد استفاده قرار داد.

بر اساس نتایج جدول ۶ ژنوتیپ‌های شماره ۵، ۶، ۸، ۱۱، ۱۲، ۱۳، ۱۴، ۱۵، ۲۰، ۲۲، ۲۴، ۲۵، ۳۲، ۳۳، ۳۵، ۴۰، ۴۱، ۴۲، ۴۵ و ۴۸ بیشترین میزان آلودگی ظاهری (۱۰۰٪) را دارا بودند که در میان آن‌ها ارقام Akhtar, Keshavarz و Sayyad Ks 31107 Pinto و به عبارتی مقاومت این ژنوتیپ‌ها به CMV بسیار پائین بود. چهار ژنوتیپ از پنج ژنوتیپ نامبرده شده در گروه لوییا قرمز قرار داشتند، پس می‌توان به حساسیت بالای ژنوتیپ‌های لوییا قرمز به ویروس موزائیک خیار پی برد. همچنین می‌توان استنباط کرد که لوییا قرمز مورد بررسی دارای حساسیت بالاتری نسبت به دو نوع دیگر لوییا بودند.

با توجه به نتایج تعزیزیه همبستگی بین صفات (جدول‌های ۷ و ۸) تمام صفات مورد ارزیابی دارای همبستگی معنی دار بودند که حاکی از این است که با حضور ویروس در داخل گیاه، سیستم فتوستتر و سیستم تکثیر سلول‌های برگ مورد تهاجم ویروس قرار گرفته بودند. همبستگی صفت میزان افت کلروفیل و میزان افت سطح برگ بسیار بالا بود. این موضوع به خوبی بیانگر رابطه موجود بین این دو صفت است و به عبارت دیگر هر چه میزان سطح برگ

صورت موازی نسبت به همدیگر، با گذشت زمان کاهش داشتند (۲) کلروفیل b، کربوهیدرات‌ها و آمینواسیدهای آزاد در زمان حفظ محتوای پروتئین افزایش داشتند. بنابراین مکانیسم‌های دفاعی گیاه در مقابل آلودگی ویروسی به نظر به پروتئین‌ها و برخی برگ‌سترش یافتن اسیدهای آمینه وابسته است. اسری و استوا و همکاران (Srivastava *et al.*, 2005) تأیید کرد که فوق حساسیت به آلودگی ویروسی در فلفل منجر به تجمع حداقل سه ترکیب پروتئینی محلول در بافت برگ‌ها شد. کاهش محتوای کلروفیل در بسیاری از گیاهان آلوده شده با ویروس‌های مختلف نیز گزارش شده است (Pineda, 2008; Arora, 2009; Pandey and Joshi, 1989). (Funayama, 2006).

نتایج به دست آمده از درصد تغییرات صفت سطح برگ (جدول‌های ۴ و ۵) نشان داد زمانی که ویروس به گیاه وارد می‌شود ابتدا برگ‌های ژنوتیپ‌های حساس را تحت تأثیر قرار داده و رشد آن‌ها را نسبتاً یا کلاً متوقف می‌کند. کاهش سطح برگ به منزله کاهش جذب نور تلقی می‌شود، در نتیجه میزان فتوستتر کاهش یافته و با توجه به این که گیاه در چه مرحله‌ای از رشد، گیاه به ویروس آلوده شده است، میزان خسارت وارد شده متفاوت است. پس ژنوتیپ‌های با تغییرات بیشتر دارای حساسیت بیشتر به این ویروس هستند، از این رو در مطالعات آتی می‌توان ژنوتیپ‌هایی را که دارای

جدول ۴- درصد تغییرات میزان سطح برگ در ارقام و لاین های مختلف لوپیا در اثر آلودگی با CMV
Table 4. Variation percentage of leaf area in different cultivars and lines of bean with CMV infection

شماره ژنوتیپ	نام ژنوتیپ	بدون آلودگی	با آلودگی	درصد تغییرات	شماره ژنوتیپ	نام ژنوتیپ	بدون آلودگی	با آلودگی	درصد تغییرات
Genotype No.	Genotype name	Without infection	With infection	Variation percentage	Genotype No.	Genotype name	Without infection	With infection	Variation percentage
1	D81083	12.56	9.47	24.60	26	KS 21470	13.03	8.05	38.22
2	Daneshkadeh	13.24	10.99	16.99	27	Ks 31137	15.03	13.89	7.58
3	KS 21481	17.07	15.68	8.14	28	Cardinal	7.67	7.37	3.91
4	Cifem cabe	10.04	8.35	16.83	29	KS 41126	18.40	16.51	10.27
5	Sayyad	12.75	8.53	33.10	30	Tay107	18.27	16.15	11.60
6	Pinto	20.92	16.93	19.07	31	Sadaf	11.65	9.61	17.15
7	G 01437	14.97	13.30	11.16	32	Ks 31107	8.69	6.43	26.01
8	Khomein-2	17.37	15.09	13.13	33	KS 41124	13.52	9.68	28.40
9	G 14088	18.24	17.61	3.45	34	KS 21371	12.19	9.32	23.54
10	Jules	14.82	11.06	25.37	35	Khomein-5	14.95	12.05	19.40
11	Akhtar	18.37	12.13	33.97	36	Local Ahar	16.91	14.98	11.41
12	Ks 21193	10.26	9.43	8.09	37	Talash	12.47	11.43	7.86
13	Ks 31131	13.27	9.46	12.71	38	AND-1007	12.76	11.73	8.07
14	Ghalaf sefide sarab	18.06	15.84	12.29	39	KS 41125	10.66	9.44	11.44
15	11805	18.97	15.68	17.34	40	Ks 31128	19.82	17.14	13.52
16	Ks 21414	10.92	10.58	3.11	41	Cos16	26.70	8.87	36.79
17	Ks 31125	8.38	7.55	9.90	42	Keshavarz	26.37	11.23	57.41
18	Capsoli	10.96	9.74	11.13	43	G5710	20.44	17.13	16.19
19	Ks 21191	10.82	9.03	16.54	44	Dehghan	8.63	6.46	25.14
20	Wa4502-1	7.14	5.49	23.11	45	Goli	21.06	16.59	21.23
21	Local Aligoudarz	13.17	11.45	13.06	46	Derakhshan	15.57	13.66	12.23
22	KS 21383	11.94	9.74	18.43	47	KS 41128	4.21	2.67	16.82
23	G11867	18.27	16.50	9.69	48	Naz	17.27	14.13	18.18
24	A195	22.41	19.61	12.49	49	Local Khomein	17.25	14.28	28.81
25	74 Emerson	17.27	15.15	12.28					

ویروس موzaيك خيار، هيج كدام از ژنوتیپ های لوپیا قرمز نبودند.

براساس جدول ۱۰ گروه بندی ژنوتیپ ها براساس واکنش به CMV انجام شد.
ژنوتیپ هایی که دارای درصد آلودگی واقعی کمتر از ۵۰٪ و درصد آلودگی ظاهری کمتر از ۵۰٪ هستند، مقاوم ارزیابی شدند. ژنوتیپ های Capsoli، Ks 31125، Ks 21414، D81083، Cardinal، Ks 31137، Ks 21191، AND-1007، Talash، Ks 21371، Local Khomein و Dehghan، Ks 41125 در این گروه قرار گرفتند.

کاهش یابد میزان کلروفیل نیز کاهش می یابد. از طرف دیگر، همبستگی بالای بین دو صفت افت سطح برگ و کلروفیل با درصد آلودگی ظاهری تعیین کننده تأثیر زیاد این ویروس روی بوته های آلوده بود.

نتایج جدول ۹ به خوبی بیانگر آلودگی یا عدم آلودگی ژنوتیپ های لوپیا در آزمون Plate-Trapped Antigen-(PTA-ELISA (Enzyme Linked Immunosorbent Assay بود. در این جدول ژنوتیپ هایی که دارای واکنش مثبت بودند بیان کننده آلودگی ژنوتیپ به ویروس بود. ژنوتیپ های فاقد آلودگی به

جدول ۶- درصد آلدگی واقعی و ظاهری ارقام و لاین‌های مختلف لوبیا در اثر آلدگی با CMV
Table 6. Real and apparent infection percentage of different cultivars and lines of bean with CMV infection

شماره ژنوتیپ Genotype No.	نام ژنوتیپ Genotype name	در صد آلدگی ظاهری Apparent infection percentage	در صد آلدگی واقعی Real infection percentage	شماره ژنوتیپ Genotype No.	نام ژنوتیپ Genotype name	در صد آلدگی ظاهری Apparent infection percentage	در صد آلدگی واقعی Real infection percentage
1	D81083	0.250	0.086	26	KS 21470	1.000	0.438
2	Daneshkadeh	0.750	0.134	27	Ks 31137	0.125	0.000
3	KS 21481	0.875	0.104	28	Cardinal	0.000	0.000
4	Cifem cabe	0.625	0.261	29	KS 41126	0.875	0.175
5	Sayyad	1.000	0.700	30	Tay107	0.750	0.064
6	Pinto	1.000	0.789	31	Sadaf	0.625	0.201
7	G 01437	0.625	0.333	32	Ks 31107	1.000	0.708
8	Khomein-2	1.000	0.528	33	KS 41124	1.000	0.619
9	G 14088	0.750	0.106	34	KS 21371	0.125	0.094
10	Jules	0.750	0.436	35	Khomein- Local △har	1.000	0.160
11	Akhtar	1.000	0.958	36	Talash	0.875	0.388
12	Ks 21193	1.000	0.202	37	AND- 1007	0.125	0.050
13	Ks 31131	1.000	0.489	38	KS 41125	0.250	0.028
14	Ghalaf sefide sarab	1.000	0.317	39	Ks 31128	1.000	0.687
15	11805	1.000	0.050	40	Cos16	1.000	0.599
16	Ks 21414	0.000	0.075	41	keshavarz	1.000	0.972
17	Ks 31125	0.375	0.067	42	G5710	0.750	0.192
18	Capsoli	0.125	0.025	43	Dehghan	0.000	0
19	Ks 21191	0.000	0.031	44	Goli	1.000	0.345
20	Wa4502-1	1.000	0.573	45	Derakhsha	0.625	0.330
21	Local △1:andamani	0.625	0.083	46	KS 41128	0.875	0.175
22	KS 21383	1.000	0.367	47	Naz	1.000	0.288
23	G11867	0.625	0.346	48	Local Khomein	0.375	0.069
24	A195	1.000	0.375	49			
25	74 Emerson	1.000	0.400				

واقعی کمتر از ۵۰٪ و درصد آلدگی ظاهری بیشتر از ۵۰٪ داشتند، ۴۰، ۳، ۲۳ و بودند. این موضوع در مورد ژنوتیپ‌هایی است که علائم ویروسی مشاهده شده، با علائم مربوط به ویروس دیگر اشتباه گرفته شده است. ژنوتیپ‌هایی که دارای درصد آلدگی واقعی بیشتر از ۵۰٪ و درصد آلدگی ظاهری بیشتر از

ژنوتیپ‌هایی که دارای درصد آلدگی واقعی بیشتر از ۵۰٪ و درصد آلدگی ظاهری کمتر از ۵۰٪ بودند نیمه مقاوم ارزیابی شدند. ژنوتیپ‌های شماره ۱۷، ۴۷، ۲۰، ۴۳، ۲۴، ۳۸، ۲۰، ۴۷، ۹، ۳۱، ۱۳، ۳۵، ۲۹، ۷، ۱۹، ۳۳، ۴۱، ۲۷، ۱۸، ۴۵، ۳۱، ۲۷، ۱۸، ۴۵، ۲۱، ۳۰، ۲، ۴۶ و ۲۸ در این گروه قرار گرفتند. ژنوتیپ‌هایی که دارای درصد آلدگی

جدول ۷- ضریب همبستگی بین صفات اندازه گیری شده در گروههای مختلف لوبیا به طور مجزا تحت تاثیر آلودگی به ویروس CMV

Table 7. Correlation coefficients of measured traits in different groups of bean as affected by CMV infection

نوع لوبیا Bean type	Trait	صفت	درصد آلودگی حقیقی Real infection percentage	تغییرات میزان کلروفیل Variation of chlorophyll content	تغییرات میزان سطح برگ Variation of leaf area amount
لوبیا چیتی Chiti-bean	Apparent infection percentage	درصد آلودگی ظاهری	0.923**	0.627*	0.444**
	Real infection percentage	درصد آلودگی حقیقی		0.599**	0.404**
	Variation of chlorophyll content	تغییرات میزان کلروفیل			0.313
لوبیا سفید Mung-bean	Apparent infection percentage	درصد آلودگی ظاهری	0.932**	0.698*	0.346
	Real infection percentage	درصد آلودگی حقیقی		0.581*	0.321
	Variation of chlorophyll content	تغییرات میزان کلروفیل			0.308
لوبیا قرمز Kidney-bean	Apparent infection percentage	درصد آلودگی ظاهری	0.934**	0.859**	0.786**
	Real infection percentage	درصد آلودگی حقیقی		0.871**	0.790**
	Variation of chlorophyll content	تغییرات میزان کلروفیل			0.680**

* و **: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۱ درصد و ۵ درصد.

* and **: Significant at 1% and 5% levels of probability, respectively.

بیماری CMV عامل محدود کننده‌ای در لوبیا سبز است (Nault *et al.*, 2006), به طوری که در سال ۲۰۰۵ در نیویورک بیش از صد درصد از گیاهان در برخی از مزارع لوبیای سبز به CMV آلوده شدند (Nault *et al.*, 2006). تأثیر CMV بر عملکرد لوبیا سبز می‌تواند شدید باشد اما به طور قابل توجهی به رقم (Taylor *et al.*, 2006), شرایط محیطی و زمان آلودگی نسبت به مراحل رشد گیاه بستگی دارد. با توجه به نتایج به دست آمده از این آزمایش در مورد کاهش دو صفت میزان کلروفیل و سطح برگ پس از آلودگی و با

۵۰٪ بودند، گروه حساس نامیده شدند. ژنوتیپ‌های شماره ۴، ۵، ۳۶، ۴۲، ۲۲، ۱۰، ۲۵، ۳۷ و ۶ در این گروه قرار گرفتند. ژنوتیپ‌های گروه دوم به این دلیل نیمه مقاوم ارزیابی شدند که ویروس به داخل آنها نفوذ داشته ولی نتوانسته بر ژنوتیپ‌های مذکور اثری بگذارد. از این دسته ژنوتیپ‌ها می‌توان به ۲۹ (آلودگی واقعی ۱۰۰٪ و آلودگی ظاهری ۲۹٪) و ۳۸ (آلودگی واقعی ۷۵٪ و آلودگی ظاهری ۱۰۶٪) اشاره کرد که بر اساس گزارش مرکز تحقیقات لوبیا در خمین نیز به آزمون الیزا پاسخ مثبت داده‌اند. پس می‌توان گفت که این ژنوتیپ‌ها احتمالاً متحمل بوده‌اند.

جدول ۸- ضریب همبستگی بین صفات اندازه گیری شده در ژنوتیپ‌های لوبیا تحت تاثیر آلودگی به CMV

Table 8. Correlation coefficients between measured traits in bean genotypes as affected by CMV infection

صفت Trait	درصد آلودگی ظاهری Apparent infection percentage	تغییرات میزان سطح برگ Variation of leaf area amount	تغییرات میزان کلروفیل Variation of chlorophyll content
Real infection percentage	0.685**	0.347*	0.725**
Apparent infection percentage		0.632***	0.745***
Variation of leaf area amount			0.484***

* و **: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۱ درصد و ۵ درصد.

* and **: Significant at 1% and 5% levels of probability, respectively.

ابتدایی رشد گیاه میزان کلروفیل a، کلروفیل b و بتاکاروتون‌ها در برگ‌های آلوده در مقایسه با برگ‌های بدون آلودگی کاهش یافته و درنتیجه میزان فتوستتر و خسارت به گیاه افزایش می‌یابد (Bushra *et al.*, 2011). نتایج مشابهی توسط آکاندا و همکاران (Akanda *et al.*, 1998) از کاهش کلروفیل و بتاکاروتون در آلودگی گیاه بامیه و گوجه‌فرنگی به ترتیب با ویروس‌های CMV و YVMV به دست آمده است. بررسی‌های دیگر نیز تائید کننده کاهش محتوای کلروفیل توسط ویروس‌های مختلف در گیاهان آلوده شده است (Arora *et al.*, 2009). Pineda *et al.*, 2008؛ Srivastava *et al.*, 2005؛ Milavec *et al.*, 2001 علاوه بر فتوستتر روی تنفس نیز نقش دارد به طوری که سبب افزایش تولید پروتئین‌های غیرطبیعی جهت سنتز اجزای ویروسی مورد نیاز خود شده و در نهایت منجر به کاهش تولید سطح کربوهیدرات‌های برگ

مرور منابع تائید شد که در بررسی گیاهان خیار در دو شرایط آلودگی و عدم آلودگی به وسیله ویروس CMV (Shakeel *et al.*, 2016) میزان کلروفیل در ارقام مقاوم معنی دار نبوده است. همچنین در تحقیقی روی *V. faba* آلوده شده با BYMV رنگدانه‌ها و کربوهیدرات‌ها به ترتیب با گذشت زمان نشان‌دهنده کاهش و افزایش بودند. همچنین بررسی دیگری بر روی آلودگی BYMV با *P. vulgaris* (یان کننده ۱) کاهش در رنگدانه‌ها و کربوهیدرات‌ها با گذشت زمان نسبت به این بیماری و ۲ ثابت بودن پروتئین، مقدار کلروفیل b، کربوهیدرات‌ها و آمینواسیدهای آزاد بود که تائید کننده نتایج تحقیق حاضر است. با بررسی گیاهان هویج آلوده شده به CMV در ۱۲ و ۱۸ روز پس از کاشت مشخص شده است که کلروفیل گیاهانی که زودتر تحت تنش بیماری قرار گرفته‌اند نسبت به گیاهانی که دیرتر تحت تنش بیماری قرار گرفته بودند کاهش داشتند و این موضوع بدان مفهوم است که با حمله ویروس در مراحل

جدول ۹- واکنش ژنتیپ‌های لوبیا به آزمون PTA-ELISA

Table 9. Reaction of bean genotypes to PTA-ELISA

شماره ژنتیپ Genotype No.	واکنش به الیزا Reaction to ELISA	شماره ژنتیپ Genotype No.	واکنش به الیزا Reaction to ELISA	شماره ژنتیپ Genotype No.	واکنش به الیزا Reaction to ELISA	شماره ژنتیپ Genotype No.	واکنش به الیزا Reaction to ELISA
1	+	14	+	27	+	40	+
2	+	15	+	28	-	41	+
3	+	16	-	29	-	42	+
4	+	17	+	30	+	43	+
5	+	18	+	31	+	44	-
6	+	19	-	32	+	45	+
7	+	20	+	33	+	46	+
8	+	21	+	34	+	47	-
9	+	22	+	35	+	48	+
10	+	23	+	36	+	49	+
11	+	24	+	37	+		
12	+	25	+	38	+		
13	+	26	+	39	-		

+ Positive reaction

- Negative reaction

+ واکنش مثبت

- واکنش منفی

سطح برگ، کاهش کلروفیل، کاهش روزنه‌ها شده و سبب ایجاد علائم بیماری در برگ‌های گیاه می‌شود، همچنین TYMV در کلم چینی سبب کاهش واکنش روزنه‌ها به شدت نور شده که خود عامل کاهش تعرق است (Bedbrook and Mathews, 1973) تفاسیر آلودگی ویروسی می‌تواند سبب تغییرات فیزیولوژیکی وسیعی در اکثر گیاهان میزبان از جمله تغییرات محتوای آب بافت‌ها، سنتز و انتقال متابولیت‌ها شود (Hull, 2002). آلودگی با CMV نشان دهنده افزایش مقدار آب بافت‌های سطح زمین است که این نگهداری آب با کاهش باز شدن روزنه‌ای و سرعت کم تعرق در گیاهان آلوده شده به ویروس مرتبط است. این مطلب در تائید نتایج به دست آمده

گیاه می‌شود (Goodman *et al.*, 2008); Handford and Carr, 2007؛ Goncalvez *et al.*, 2005؛ Goncalvez *et al.*, 2005). کاهش مقدار کربوهیدرات‌ها می‌تواند به دلیل کاهش و یا شکسته شدن سریع کربوهیدرات‌ها به واسطه افزایش تنفس و تبدیل کربوهیدرات‌ها به آمینواسیدها باشد که برای سنتز پروتئین به مقدار بسیار زیادی مورد استفاده قرار می‌گیرد. کاهش کربوهیدرات‌ها توسط آلودگی ویروسی می‌تواند به دلیل افزایش آسیب به وجود آمده در کلروفیل به واسطه افزایش یافتن دوره و زمان آلودگی در گیاه باشد (Murphy *et al.*, 2001). برای مثال CMV در تعرق گیاه باعث ایجاد تغییراتی از قبیل کاهش

جدول ۱۰- واکنش ژنوتیپ‌های لوبیا به ویروس موزائیک خیار (CMV)

Table 10. Response of bean genotypes to *Cucumber mosaic virus*: CMV

شماره ژنوتیپ Genotype No.	نوع لوبیا Bean type	واکنش Response	شماره ژنوتیپ Genotype No.	نوع لوبیا Bean type	واکنش Response	
1	Kidney-bean	قرمز	R	26	Mung-bean	سفید
2	Kidney-bean	قرمز	MR	27	Mung-bean	سفید
3	Kidney-bean	قرمز	MR	28	Mung-bean	سفید
4	Kidney-bean	قرمز	S	29	Mung-bean	سفید
5	Kidney-bean	قرمز	S	30	Chiti-bean	چیتی
6	Kidney	قرمز	S	31	Chiti-bean	چیتی
7	Kidney	قرمز	MR	32	Chiti-bean	چیتی
8	Kidney	قرمز	R	33	Chiti-bean	چیتی
9	Kidney	قرمز	MR	34	Chiti-bean	چیتی
10	Kidney	قرمز	S		Chiti-bean	چیتی
11	Kidney	قرمز	R	36	Chiti-bean	چیتی
12	Kidney	قرمز	S	37	Chiti-bean	چیتی
13	Kidney	قرمز	MR	38	Chiti-bean	چیتی
14	Kidney	قرمز	R	39	Chiti-bean	چیتی
15	Kidney	قرمز	R	40	Chiti-bean	چیتی
16	Mung-bean	سفید	R	41	Chiti-bean	چیتی
17	Mung-bean	سفید	MR	42	Chiti-bean	چیتی
18	Mung-bean	سفید	MR	43	Chiti-bean	چیتی
19	Mung-bean	سفید	MR	44	Chiti-bean	چیتی
20	Mung-bean	سفید	MR	45	Chiti-bean	چیتی
21	Mung-bean	سفید	MR	46	Chiti-bean	چیتی
22	Mung-bean	سفید	S	47	Chiti-bean	چیتی
23	Mung-bean	سفید	MR	48	Chiti-bean	چیتی
24	Mung-bean	سفید	MR	49	Chiti-bean	چیتی
25	Mung-bean	سفید	S			

R: Resistant

مقاوم

MS: Moderately Susceptible

نیمه حساس

MR: Moderately Resistant

نیمه مقاوم

S: Susceptible

حساس

سالیسیلیک که ترکیبی دفاعی است و باعث افزایش تحمل گیاه به تنفس خشکی می‌شود است (Singh and Usha, 2003). سبب CMV. تحریک مسیر اسید سالیسیلیک شده و منجر به مقاومت سیستمیک در بسیاری از گیاهان می‌شود (Murphy *et al.*, 2001). القای این مسیر سبب تولید ترکیباتی از قبیل گلیکولیز

توسط (Bedbrook and Mathews, 1973) و دیگر محققان (Keller *et al.*, 1989; Lindsey and Gudauskas, 1975; Hall and Loomis, 1972) نیز هست. یکی دیگر از واکنش‌های فیزیولوژیک بیماری افزایش سطوح گلوکز، فروکتوز و ساکاروز، کاهش اندازه (Hull, 2002) و افزایش اسید

واکنش‌های متفاوت ژنوتیپ‌ها را در شرایط آلودگی به همراه داشته است. از بین رفتن عملکرد ارقام در شرایط آلودگی، نتیجه‌ای از کاهش تعداد و وزن غلاف‌ها و دانه‌های تولید شده توسط گیاه است. نتایج مشابهی کاهش مقدار و تعداد میوه‌ها را در گاوبنیه (Cowpea) آلوده به BYMV و BCMV گزارش شده است (Hampton *et al.*, 1997).

انتشار CMV در مزارع لویبا می‌تواند به شدت انتشار ناقل اصلی بیماری یعنی شته A. *glycines* مرتبط باشد (Shah *et al.*, 2006; Gildow *et al.*, 2008) در نتیجه یکی از راه‌های کنترل این بیماری می‌تواند استفاده از حشره‌کش‌های سیستمیک باشد که در نهایت با شکست مواجه می‌شود (Nault and Taylor, 2003) راهکار دیگر شاید اسپری کردن حشره‌کش‌ها بر روی برگ‌های گیاه باشد که سطوح انتشار بیماری CMV را کاهش دهد، اما این مورد در آزمایش‌های مزرعه‌ای لویبا در ویسکانسین آمریکا کاهش این بیماری را نشان نداد (Wyman and Chapman, 2004). شدت بیماری‌های ویروسی در اندازه وسیع را مقدار مایه تلقیح و زمان آلودگی تعیین می‌کند. مقدار مایه تلقیح خود تابعی از گیاهان میزبان باقیمانده از زمستان سال قبل است که این گیاهان می‌توانند ویروس و ناقلین ویروس‌ها را به فصل بعد منتقل کنند (Irwin *et al.*, 2000; Jayasena and Randles, 1994) پس کنترل

ایریدوئید می‌شود که در اکثر گیاهان باعث در امان ماندن گیاه از حمله‌های عوامل بیماریزا می‌شود (Marak *et al.*, 2002; Bowers *et al.*, 1992).

آلودگی در مراحل اولیه رویشی گیاه سبب از دست رفتن بیشتر عملکرد نسبت به آلودگی در ابتدای مرحله زایشی می‌شود (Walkey, 1991; Jones *et al.*, 2008) مشابه دیگری تأیید کننده این مطالب هستند (Ittah, 2006) کامل منش و همکاران (Kamelmanesh *et al.*, 2012) درباره آلودگی بیماری BCMV در ژنوتیپ‌های لویبا بیان کردند که این بیماری کاهش دوره رویشی (Ittah, 2006) و عدم تأثیر بر روی دوره زایشی گیاه داشته است. همچنین آلودگی گیاهان در ابتدای مرحله رشد معمولاً به ظهور شدید علائم SMV بیماری در ویروس‌های PLRV (Schulz *et al.*, 1983) BCMV (Storch and Manzer, 1985) (Kamelmanesh *et al.*, 2009) (Gupta and Chowfla, 1987) آلودگی BCMV در مراحل اولیه گیاه نسبت به ژنوتیپ‌های مورد ارزیابی در شرایط بدون تنش در بررسی انجام شده توسط کامل منش و همکاران (Kamelmanesh *et al.*, 2012, 2008) نشان‌دهنده معنی‌دار شدن تفاوت بین ژنوتیپ‌ها بود که این موضوع می‌تواند به دلیل شوک ابتدایی وارد توسط ویروس باشد که

یا چند بیماری مقاوم هستند، خواه مقاومت مونوژنیک باشد یا الیگوژنیک (Nadernejad and Gupta, 2010). بدین منظور لاین‌های مولتی ژن CMV مختلفی با تلاقی بین نمونه‌های بسیار زیاد لوییا از قبیل *P. coccineus* و *Scarlet Runner* و همچنین *P. vulgaris* انجام و اصلاح شده است که تا کنون در بین لاین‌های تجاری برای بهبود خصوصیات و صفات زراعی مورد تلاقی برگشتی قرار می‌گیرند. تا زمانی که ارقام مقاوم و تجاری در دسترس باشند، شناسایی ارقام نیمه حساس به CMV برای کاهش دادن عملکرد بالقوه از دست رفته می‌تواند مفید باشد (Griffiths, 2007)، اما در صورت عدم وجود منابع و ذخایر گیاهی القاء کننده مقاومت با پایداری و سطح بالا در برابر بسیاری از بیماری‌ها، تلاش‌های بهنژادی نمی‌تواند نتایج مطلوبی را در برداشته باشد. این موضوع کاملاً مشابه با مقاومت در برابر آفات و حشرات مهم است که تاکنون موفقیت چندانی در آن به دست نیامده است (Nadarajan and Gupta, 2010).

کردن موارد ذکر شده در بالا نیز می‌تواند یکی از راههای کنترل این بیماری باشد. در نهایت به منظور مبارزه با بیماری‌های ویروسی استفاده از ارقام مقاوم به دلیل عدم مشکلات آلودگی محیط زیست و مقرنون به صرفه بودن، امروزه بسیار مورد توجه است (Shah *et al.*, 2006). برای پذیرش ارقام جدید توسط زارعین و جهت توجیه تلاش‌های به نژادی برای تولید ارقام نیمه حساس به تنفس، لاین‌های اصلاح شده برای یک منطقه به خصوص باید در شرایط تنفس و بدون تنفس دارای عملکرد پایدار و بیش از ارقام مورد کشت زراعی باشد (Bagheri *et al.*, 2001). هم اکنون مشخص شده است که ارقام با ژن‌های مقاومت مختلف دارای مقاومت‌های متفاوتی در برابر طیف وسیعی از سویه‌های ویروس هستند و با توجه به این که ویروس‌ها به عنوان یکی از عوامل کاهش دهنده محصول (عملکرد) در لوییا شناخته می‌شوند باید نسبت به کنترل آن‌ها توجه خاصی را مبذول داشت. اصلاح و تهیه ارقام مقاوم به یکی از راههای و اساسی برای کنترل بیماری‌های مهم حبوبات است به طوری که ارقامی در جبویات توسعه یافته‌اند که به یک

References

- Akanda, A. M., Alam, N., Khair, A., and Muquit, A., 1998.** Altered metabolism of tomato leaves due to *Cucumber mosaic virus*. Bangladesh Journal Science Research 16(1): 1-6.

Anonymous 2016. Agricultural Crops Statistics of Iran. Ministry of Agricultural Jihade, Tehran, Iran (in Persian).

Arora, R., Joshi, U. M., Gupta, P. P., and Singh. J. V. 2009. Effect of *Yellow mosaic virus* on pathogenesis related enzymes and chlorophyll content in mothbean (*Vigna aconitifolia*). *Acta Phytopathologica Entomologica Hungarica* 44: 49-60.

Ashraf, M., and Zafar, Z. U. 2000. Patterns of free carbohydrate and starch accumulation in leaves of cotton (*Gossypium hirsutum* L.) cultivars differing in resistance to *Cotton leaf curl virus*. *Archive of Agronomy Soil. Sciences* 45: 1-9.

Bagheri, A., Mahmudi, A., and Ghezeli, F. 2001. Common Beans: Research for Crop Improvement. Jihad-e-Daneshgahi, University of Mashhad, Mashhad, Iran. 556pp. (in Persian).

Bedbrook, J. R., and Mathews, R. E. F. 1973. Change in the flow of early products of photosynthetic carbon fixation associated with replication of TYMV. *Virology* 53: 84-91.

Bos, L., and Matt, D.Z. 1974. A strain of *Cucumber mosaic virus*, seed transmitted in beans. *Netherlands Journal of Plant Pathology* 80:113-23.

Bowers, M. D., Stamp, N. E., and Collinge, S. K. 1992. Early stage of host range expansion by a specialist herbivore, *Euphydryas phaeton* (Nymphalidae). *Ecology* 73: 526-536.

Broughton, W. J., Hernandez, G., Blair, M., Beebe, S., Gepts, P., and Vanderleyden, J. 2004. Beans (*Phaseolus* spp.) model food legumes. *Plant and Soil* 252: 55-128.

Bruckart, W. L., and Lorbeer, J. W. 1976. *Cucumber mosaic virus* in weed hosts near commercial fields of lettuce and celery. *Phytopathology* 66: 253-239.

Bushra, A., Gulfishan, G., Baghel, G., Fatma, M., Akil Khan, A., and Naqvi, Q. A. 2011. Molecular detection of a virus infecting carrot and its effect on some cytological and physiological parameters. *African Journal of Plant Science* 5(7): 407-411.

Chiang, Y., Ge, C., Chou, X. J., Wu, C. H., and Chiang, W. L. 2002. Nucleotide sequence diversity at the methionine synthase locus in endangered *Dunnia sinessis* (Rubiaceae): an evaluation of the positive selection hypothesis. *Molecular Biology Evolution* 19: 1367-1375.

- Collmer, C. W., Marston, M. F., Taylor, J. C., and Jahn, M. 2000.** The I gene of bean: A dosage-dependent allele conferring extreme resistance, hypersensitivity resistance or spreading vascular necrosis in response to the potyvirus Bean common mosaic virus. *Molecular Plant-Microbe Interaction* 13: 1266-1270.
- Davis, R. F., and Hampton, R. O. 1986.** *Cucumber mosaic virus* isolates seed borne in *Phaseolus vulgaris*: serology, host pathogen relationships and seed transmission. *Phytopathology* 76: 999-1004.
- Edwardson, J. R., and Christie, R. G. 1991.** *Comoviruses*. Handbook of Viruses Infecting Legumes, CRC, Boca Ratin, Florida, USA.
- Etebarian, H. R. 2002.** Diseases of Vegetables and Summer Crops and Their Control Methods. University of Tehran Publications, Tehran, Iran. 600 pp. (in Persian).
- Funayama-Noguchi, S., and Terashima, I. 2006.** Effects of *Eupatorium yellow vein virus* infection on photosynthetic rate, chlorophyll content and chloroplast structure in leaves of *Eupatorium makinoi* during leaf development. *Functional Plant Biology* 33: 165-175.
- Gallitelli, D. 2000.** The ecology of *Cucumber mosaic virus* and sustainable agriculture. *Virus Research* 71: 9-21.
- García-Arenal, F., and Palukaitis, P. 2008.** *Cucumber mosaic virus*. In: García-Arenal, F., Palukaitis, P., Mahy, B. W. J., and Van Regenmortel, M. H. V. (eds). Encyclopedia of Virology, 3rd ed. Academic Press, Oxford, UK.
- Gebeyehu, S., Simane, B., and Kirkby, R. 2006.** Genotype cropping system interaction and climbing bean (*Phaseolus vulgaris* L.) grown as sole crop and in association with maize (*Zea mays* L.) *European Journal of Agronomy* 24: 396-403.
- German, T. L., Thompson, A., and Willis, D. K. 2004.** State wide distribution of virus problems on processing beans. In: Proceedings of the 2004 Wisconsin Fertilizer, Aglime and Pest Management Conference, USA, 43: 291-293.
- Gildow, F.E., Shah, D.A., Sackett, W.M., Betzler, T., Nault, B.A., and Fleischer, S.J. 2008.** Transmission efficiency of *Cucumber mosaic viruses* by aphids associated with virus epidemics in snap-bean. *The American Phytopathological Society* 98 (11): 1233-1241.

- Goncalves, M. C., Vega, J., Oliveira, J. G., and Gomes, M. H. A. 2005.** Sugarcane yellow leaf virus infection leads to attentions in photosynthetic efficiency and carbohydrate accumulation in sugarcane leaves. *Fitopatologia* 30: 10-16.
- Goodman, P.J., Watson, M.A., and Hill, A.R.C. 2008.** Sugar and fructosan accumulation in virus-infected plants: rapid testing by circular-paper chromatography. *Annals of Applied Biology* 56: 65-72.
- Graham, P. H., and Vance, C. P. 2003.** Legumes: importance and constraints to greater use. *Plant Physiology* 131:872-877.
- Grau, C. R., Mondjana, A., and Stevenson, W. R. 2001.** Status of virus-like problems on processing snap beans in Wisconsin during 2000. In: 2001 Midwest Food Processor Association, Inc. Processing Crops Manual and Proceedings 13: 43-48.
- Griffiths, P. 2007.** Breeding snap bean resistant to aphid transmitted viruses. pp. 171-173. In: Proceedings of the 2007 Empire State Fruit and Vegetable EXPO, Cornell Coop. Exten., Syracuse, NY, USA.
- Gupta, Y., and Chowfla, S. C. 1987.** Susceptibility of French Bean to bean mosaic virus in relation to plant age, population and age of *Mycus persica*. *Indian Journal of Mycology and Plant Pathology* 17: 93-94.
- Hall, A. E., and Loomis, R. S. 1972.** An explanation for the difference in phytosynthetic capabilities of healthy and beet yellows virus-infected sugar beets (*Beta vulgaris* L.). *Plant Physiology* 50: 576-580.
- Hall, R. 1991.** Compendium of Bean Diseases. APS Press, St. Paul, Minnesota, USA.
- Hampton, R. O., Thottapilly, G., and Rossel, H. W. 1997.** Viral disease of cowpea and their control by resistance-conferring genes. pp. 159-175. In: Advanced In Cowpea Research. Co-Publication of IITA and Japan IR center for Agriculture Science, (JIRCAS). IITA, Ibadan Nigeria.
- Handford, M. G., and Carr, J. P. 2007.** A defect in carbohydrate metabolism ameliorates symptom severity in virus-infected *Arabidopsis thaliana*. *Journal of General Virology*, 88: 337-341.
- Hemida, S. K. 2005.** Effect of Bean yellow mosaic virus on physiological agricultures of *Vicia faba* and *Phaseolus vulgaris*. *International Journal of Agriculture and Biology* 7(2): 154-157.

- Hong, J. S., Ohnishi, S., Masuta, C., Choi, J. K., and Ryu, K. H. 2007.** Infection of soybean by cucumber mosaic virus as determined by viral movement protein. *Archive of Virology* 152: 321-328.
- Hull, R. 2002.** Evolution of the magnitude and timing of inbreeding depression in plants. *Evolution* 50: 54-70.
- Irwin, M. E., Ruesink, W. G., Isard, S. A., and Kampmeier, G. E. 2000.** Migration epidemics caused by non-persistently transmitted aphid-borne viruses: The role of the plant environment. *Virus Research* 71: 185-211.
- Ittah, M. A. 2006.** Relationship between yield and some yield components in cowpea varieties infected with two cowpea potyvirus. *Global Journal of Pure and Applied Sciences* 12(1): 11-17.
- Jayasena, K. W., and Randles, J. W. 1994.** Patterns of spread of the non-persistently transmitted subterranean *Clover red leaf virus* in *Vicia faba*. *Annals of Applied Biology* 104: 249-260.
- Jones, R. A. C., Coutts, B. A., Latham, L. J., and McKirdy, S. J. 2008.** *Cucumber mosaic virus* infection of chickpea stands: temporal and spatial patterns of spread and yield limiting potential. *Plant Pathology* 57: 842-853.
- Jones, R. A. C., and Latham, L. J. 1996.** Natural resistance to *Cucumber mosaic virus* in lupin species. *Annals of Applied Biology* 129: 523-42.
- Kamelmanesh, M. M. 2006.** Resistance genetic and damage methods of *Common bean mosaic virus* (BCMV) in bean (*Phaseolus vulgaris* L.). Ph.D. Thesis, College of Agriculture and Natural Resources, Science and Research Branch, Islamic Azad University, Tehran, Iran (in Persia).
- Kamelmanesh, M. M., Dorri, H. R., Ghasemi, S., Bihamta, M. R., and Darvish, F. 2008.** Gene action for resistance to *Bean common mosaic virus* (BCMV) in common bean (*Phaseolus vulgaris* L.). *Iranian Journal of Filed Crops Research* 6(2): 363-370.
- Kamelmanesh, M. M., Ghasemi, S., and Namayandeh, A. 2009.** Path analysis between grain yield and some agronomical traits in bean (*Phaseolus vulgaris* L.) under control and infection condition by *Common bean mosaic virus* (BCMV). *Phytopathology Journal* 1(1): 57-70.

- Kamelmanesh, M.M., Namayandeh, A., Dorri, H. R., and Bihamta, M.R. 2012.** Effects on *Bean common mosaic virus* on seed yield, yield components and phenological phases on common bean (*Phaseolus vulgaris* L.) under field conditions. *Seed and Plant Improvement Journal* 28-1(1): 39-52.
- Keller, P., Luttge, U., Wang, X-C., and Buttner, G., 1989.** Influence of rhizomania disease on gas exchange and water relations of a susceptible and tolerant sugar beets variety. *Physiological and Molecular Plant Pathology* 34: 379-392.
- Koskela, T., Puustinen, S., Salonen, V., and Mutikainen, P. 2002.** Resistance and tolerance in a host plant holoparasitic plant interaction: genetic variation and costs. *Evolution* 56: 899-908.
- Kostova, Z., Tsai, Y. C., and Weissman, A. M. 2007.** Ubiquitin ligases, critical mediators of endoplasmic reticulum-associated degradation. *Semin. Cell Biology* 18: 770-779.
- Larsen, R. C., Mikals, P. N., Eastwell, K. C., and Grau, C. R. 2008.** A strain of *Clover yellow vein virus* that cause several pod necrosis diseases in snap bean. *Plant Disease* 92: 1026-1032.
- Lindsey, D. W., and Gudauskas, R. T. 1975.** Effect of *Maize dwarf virus* on water relation of corn. *Phytopathology* 65: 434-440.
- Liu, J. J., and Ekramoddoullah, A. K. M. 2003.** Isolation, genetic variation and expression of TIR-NBS-LRR resistance gene analogs from Western pie (*Pinus monticola* Dougl. Ex. D. Don.). *Molecular Genetics Genomics* 270: 432-441.
- Marak, H. B., Biere, A., and Van Damme, J. M. M. 2002.** Systemic genotype-specific induction of herbivore-deterrant iridoid glycosides in *Plantago lancealata* L. in response to fungal infection by *Diaporthe adunca* (Rob.) Niesel. *Journal of Chemical Ecology* 28: 2429-2448.
- Mavarie, I., and Sustar-vozilic, J. 2004.** Virus diseases and resistance to *Bean common mosaic* and *Bean common mosaic necrosis potyvirus* in common bean (*Phaseolus vulgaris* L.). *Acta Agriculturae Slovenica* 83: 181-190.
- Mehraban, A. H., Pourdavai, H., Beyzaiem, A., Mostaed, M., and Bananj, K. 2003.** Genetic resources detection of bean resistance to three important viruses of bean (CMV, BYMV and BCMV). Proceedings of the 15th Iranian Plant Protection Congress, pp. 516, Kermanshah, Iran. Page 516 (in Persian).

- Michell, E., German, T., and Nienhuis, J. 2007.** Introgression of CMV resistance into snap bean. Annual Report of the Bean Improvement Cooperative. Volume 50. The Fifth Anniversary Report of the Bean Improvement Cooperative.
- Milavec, M., Ravnikar, M., and Kovac, M. 2001.** Peroxidases and photosynthetic pigments in susceptible potato infected with potato virus TNTY. Plant Physiology, Biochemical, 39: 891-898.
- Morrison, J. A. 1996.** Infection of *Juncus dichotomus* by the smut fungus *Cintractiajunci*: an experimental field test of the effects of neighboring plants, environment and host plant genotype. Journal of Ecology 84: 691-702.
- Murphy, A. M., Gilliland, A., Engwong, C., West, J., Singh, D. P., and Carr J. P. 2001.** Signal transduction in resistance to plant viruses. European Journal of Plant Pathology 107: 121-128.
- Nadarajan, N., and Gupta, G. 2010.** Role pf classical breeding improvement of pulse crops. Electronic Journal of Plant Breeding 1(4): 1099-1106.
- Nault, B. A., Shah, A., and Taylor, A. G. 2006.** Viruses and aphids everywhere in New York snap bean fileds in 2005, pp. 74-76. In: Processings of the 2006 Empire State Fruit and Vegetable EXPO, Cornell Cooperation, Extension, Syracuse, NY, USA.
- Nault, B. A., Shah, D. A., Dillard, H. R., and McFaul, A. C. 2004.** Seasonal and spatial dynamics of alate aphid dispersal in snap bean fields in proximity to alfalfa and implications for virus management. Environment Entomology 33: 1593-601.
- Nault, B. A., and Taylor, A. G. 2003.** Evaluation of seed treatment and foliar sparys to control leafhoppers and the incidence of viruses in snap bean, pp. 79-83. In: Proceeding of the 2003 New York State Vegetable Conference, Cornell Cooperation, Extension And NY State Veg. Growers Assoc., Liverpool. NY, USA.
- Palukaitis, P., Roossinck, M. J., Dietzgen, R. G., and Francki, R. I. B. 1992.** *Cucumber mosaic virus*. Advanced Virus Research 41: 281-348.
- Pandey, S., and Joshi, R. D. 1989.** Effect of cucumis virus-3 infection on chlorophyll content, chloroplast number and chlorophyllase activity on bitter gourd. Indian Phytopathology 42: 549-550.
- Pineda, M., Soukupova, J., Matius, K., Nedbal, L., and Baron, M. 2008.** Conventional and combinatorial chlorophyll fluorescence imaging of tomato virus-infected plants. Photosynthetica 46: 441-451.

- Pink, D. A. C. 1987.** Genetic control of resistance to *Cucumber mosaic virus* in *Cucurbita pepo*. Annals of Applied Biology 111: 425-432.
- Pio-Ribeiro, G., Wyatt, S. D. A., and Kuhn, C. W. 1978.** Cowpea stunt: a disease caused by a synergistic interaction of two viruses. Phytopathology 68: 1260-1265.
- Rist, D. L., and Lorbeer, J. W. 1991.** Relationships of weed reservoirs of *Cucumber mosaic virus* (CMV) and *Broad bean wilt virus* (BBWV) to CMV and BBWV in commercial lettuce fields in New York. Phytopathology 81: 367-71.
- Schulz, G. A., Irwin, M. E., and Goodman, R. M. 1983.** Factors affecting aphid acquisition and transmission of *Soybean mosaic virus*. Annals of Applied Biology 103: 87-96.
- Seo, Y. S., Rojas, M. R., Lee, J. Y., Lee, S. W., Jeon, J. S., Ronald, P., Lucas, W. J., and Gilbertson, R. L. 2006.** A viral resistance gene from common bean functions across plant families and is up-regulated in a non-virus specific manner. Proceedings of the National Academic Science, USA 103: 11856-11861.
- Shah, D. A., Dillards, H. R., Mazumdar-Leighton, S., Gonsalves, D., and Nault, B. A. 2006.** Incidence spatial patterns and association among viruses in snap bean and alfalfa in New York. Plant Disease 90: 203-210.
- Shakeel, M. T., Amer, M. A., Al-Saleh, M. A., Ashfaq, M., and Haq, M. I. 2016.** Changes in chlorophyll, phenols, sugars and mineral contents of cucumber plants infected with *Cucumber mosaic virus*. Journal of Phytopathology and Pest Management 3(1): 1-11.
- Simms, E. L., and Triplett, J. 1994.** Costs and benefits of plant responses to diseases: resistance and tolerance. Evolution 48: 1973-1985.
- Singh, B., and Usha, K. 2003.** Salicylic acid induced physiological and biochemical changes in wheat seedling under water stress. Plant Growth Regulation 39: 137-141.
- Spence, N. J., and Walkey, D. G. A. 1995.** Variation for pathogenicity among isolates of *Bean common mosaic virus* in Africa and a reinterpretation of the genetic relationship between cultivars of *Phaseolus vulgaris* and pathotypes of BCMV. Plant Pathology 44: 527-46.
- Srivastava, A. K., Shukla A., Srivastava, G., Ansari, A., Mishra, V. A., and Tiwari, J. P. 2005.** Influence of a mosaic virus on chlorophyll content on chilli (*Capsicum annuum*). Vegeto 18(1,2): 161-162.

- Storch, R. H., and Manzer, F. E. 1985.** Effect of times and date of inoculation, plant age and temperature on translocation of *Potato leaf roll virus* into potato tubers. *Annuals Potato Journal*, 62: 137-144.
- Taiwo, K. A., Angersbach, A., Ade-Omowayer, B. I. O., and Knorr, D. 2001.** Effects of parameters on the diffusion kinetics and some quality parameters of osmotically dehydrated apple slices. *Journal of Agriculture Food Chemistry* 49: 2804-2811.
- Takahashi, H., Miller, J., Nozaki, Y., Sukamto, T. M., Shah, J., Hase, S., Ikegami, M., Ehara, Y., and Dinesh-Kumar, S. P. 2002.** *RCY1*, an *Arabidopsis thaliana* RPP8/HRT family resistance gene, conferring resistance to *Cucumber mosaic virus* requires salicylic acid, ethylene and a novel signal transduction mechanism. *Plant Journal* 32: 655-67.
- Thrall, P. H., Burdon, J. J., and Young, A. 2001.** Variation in resistance and virulence among demes of a plant host-pathogen meta-population. *Journal of Ecology* 89: 736-748.
- Todorovic, J., Vasic', M., and Todorovic', V. 2008.** Dry and Spring Bean. Grafomark, Institute of Field and Vegetable Crops, Novi Sad, Faculty of Agriculture, Banja Luka, Serbia and BiH.
- Tomlinson, J. A., and Karter, A. L. 1970.** Studies on the seed transmission of *Cucumber mosaic virus* in chickweed (*Stellaria media*) in relation to the ecology of the virus. *Annals of Applied Biology* 66: 381-386.
- Walkey, D. 1991.** Applied Plant Virology, 2nd ed. Hapman and Hall, New York, USA.
- Wang, H. L., Sudarshana, M. R., Gilbertson, R. L., and Lucas, W. J. 1999.** Analysis of cell-to-cell and long-distance movement of a *Bean dwarf mosaic geminivirus-green* fluorescent protein reporter in host and nonhost species: identification of sites of resistance. *Molecular Plant Microbe Interaction* 12: 345-355.
- Wyman, J., and Chapman, S. 2004.** Insecticide seed treatments for snap bean (<http://www.soils.wisc.edu/extension/FAPM/2004proceedings/Wyman2.pdf>).
- Yang, Y., Kim, K.S., and Anderson, E.J. 1997.** Seed transmission of *Cucumber mosaic virus* in spinach. *Phytopathology* 87: 924-31.