

ارزیابی مقاومت نسبی ژنوتیپ‌های گلرنگ (*Carthamus tinctorius* L.) به بیماری بوته‌میری فوزاریومی در استان اصفهان

Evaluation of Relative Resistance of Safflower (*Carthamus tinctorius* L.) Genotypes to Fusarium Root Rot Disease in Isfahan Province

عباس ناصحی^۱، شعبان شفیع زاده^۲، سعید رضایی^۳ و محمدرضا شهسواری^۴

۱ و ۳- به ترتیب دانشجوی سابق کارشناسی ارشد بیماری‌شناسی گیاهی و استادیار، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد علوم و تحقیقات، تهران

۲ و ۴- به ترتیب استادیار و مریمی، مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی اصفهان

تاریخ دریافت: ۱۳۸۷/۱۱/۲۶ تاریخ پذیرش: ۱۳۸۸/۹/۲۶

چکیده^۵

ناصحی، ع.، شفیع زاده، ش.، رضایی، س.، و شهسواری، م. ر. ۱۳۸۸. ارزیابی مقاومت نسبی ژنوتیپ‌های گلرنگ (*Carthamus tinctorius* L.) به بیماری بوته‌میری فوزاریومی در استان اصفهان. مجله بهنژادی نهال و بذر ۱۳۸۸: ۶۳۴-۶۲۳.

بوته‌های آلوده به بیماری بوته‌میری از مزارع گلرنگ در استان اصفهان جمع‌آوری و از آن‌ها شش جدایه قارچ *Fusarium solani* جداسازی و بیماری‌زایی آن‌ها در گلخانه اثبات شد. بیست و یک ژنوتیپ گلرنگ به منظور بررسی واکنش آن‌ها به بیماری بوته‌میری در یک آزمایش فاکتوریل در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در شرایط آزمایشگاه و گلخانه مورد ارزیابی قرار گرفتند. آلودگی مصنوعی در آزمایشگاه با قرار دادن بذرهای جوانه زده داخل تستک پتری حاوی کشت یک هفتاهی قارچ روی محیط کشت PDA انجام شد. یک هفته بعد از مایه‌زنی طول زخم ایجاد شده روی ریشه اندازه‌گیری شد. آلودگی مصنوعی در گلخانه با قرار دادن دانه‌های گندم حاوی مایه قارچ در کنار طوفه گیاهچه‌های چهار برگی انجام شد. تعداد بوته‌های زنده در دو مرحله، یکی پس از بوته‌میری ۵۰٪ ژنوتیپ حساس (۷ روز پس از مایه‌زنی) و دیگری ۴۵ روز بعد از مایه‌زنی یادداشت برداری شد. نتایج آزمایش نشان داد که تفاوت معنی‌داری بین ژنوتیپ‌ها از نظر واکنش به بیماری در شرایط آزمایشگاه و گلخانه وجود دارد. بین میانگین طول زخم روی ریشه و تعداد بوته‌های زنده در گلخانه همبستگی منفی بالایی وجود داشت ($r = -0.72$). مقاومت‌ترین ژنوتیپ به بیماری لاین خالص KW11 با میانگین طول زخم ۹/۳۱ میلی‌متر در آزمایشگاه و میزان بوته زنده ۸۰٪ و ۶۲٪ به ترتیب ۷ و ۴۵ روز پس از مایه‌زنی بود. رقم کوسه (رقم رایج منطقه) و لاین‌های خالص KW2 و KW3 به ترتیب با میانگین طول زخم ۱۳/۲۹، ۱۲/۲۲ و ۱۲/۱۳ میلی‌متر و میزان بوته زنده ۵۸٪، ۶۱٪ و ۶۵٪ پس از ۷ روز و ۲۵٪ و ۲۸٪ و ۲۸٪ پس از ۴۵ روز به عنوان ژنوتیپ‌های حساس ارزیابی شدند. در گروه‌بندی انجام شده با روش LSD، پس از ۷ روز ۱۴ ژنوتیپ بالای ۷۰٪ و ۷ ژنوتیپ بین ۳۰ تا ۷۰٪ و پس از ۴۵ روز ۱۸ ژنوتیپ بین ۳۰ تا ۷۰٪ و ۳ ژنوتیپ کمتر از ۳۰٪ بوته زنده داشتند.

واژه‌های کلیدی: گلرنگ، بوته‌میری فوزاریومی، ژنوتیپ، لاین خالص.

نویسنده مسئول: abbasnasehi@yahoo.com

مقدمه

سطح زیر کشت این محصول به ۲۴۷۱ هکتار کاهش یافت*. مناطق کشت گلنگ در استان عمدتاً شهرستان‌های اصفهان، اردستان، مبارکه و شهرضا هستند.

علاوه بر بیماری بوته‌میری روی ریشه گیاهان به صورت نکروز و تغییر رنگ ریشه‌های اصلی به قرمز قهوه‌ای مشخص است. شکاف‌های عمودی در جهت طولی ریشه پیدا می‌شود و ریشه‌های فرعی از بین می‌روند. در اندام‌های هوایی رشد گیاه دچار تأخیر شده و نهایتاً سبزخشکی و بوته‌میری عارض می‌گردد (Agrios, 1988).

بیماری بوته‌میری گلنگ ابتدا در مزارع آزمایشی دانشکده کشاورزی کرج روی گلنگ رقم فریو (Frio) مشاهده و عامل آن Phytophthora drechsleri گزارش شد (Aleagh, 1970). قارچ‌های F. oxysporum و Rhizoctonia solani از دزفول و رامین اهواز به عنوان عوامل بیماری بوته‌میری گلنگ معرفی شده‌اند (Ershad, 1995). در استان فارس یک فرم اختصاصی از F. solani به عنوان عامل بوته‌میری گلنگ گزارش شد (Abdollahi and Fassihiani, 1995).

اصفهان نیز قارچ F. solani عامل بوته میری گلنگ جداسازی و معرفی شد (Sharifnabi and Saeidi, 2004). در ایران علاوه بر این گونه‌ها، گونه‌های مختلف جنس Pythium ultimum به عنوان عامل بیماری نیز گزارش شده است

(Carthamus tinctorius L.) گیاهی یکساله از تیره Compositeae است. جنس Carthamus دارای ۲۵ گونه مهم است که تنها C. tinctorius گونه زراعی آن در دنیا محسوب می‌شود (Foruzan, 1999). موطن اصلی آن کشورهای آسیای شرقی و احتمالاً هند، ترکیه و ایران است. کشت آن از ۳۵۰۰ سال پیش در مصر مرسوم بوده است (Alyari and Shekari, 1990). این گیاه یک ساله شاخ و برگ و جثه خارداری به ارتفاع ۱۵۰-۳۰ سانتی متر دارد که دانه‌های آن حاوی (Naseri, 1991) ۴۵ درصد روغن است.

علاوه بر روغن کشی، در صنایع رنگرزی، دارویی، غذایی و تغذیه دام و طیور نیز مورد استفاده قرار می‌گیرد. وجود انواع تیپ‌های وحشی گلنگ که در سراسر ایران پراکنده است نشان از سازگاری بالای این گیاه روغنی با آب و هوای کشور دارد که این ویژگی از امتیازات ارزشمند آن به حساب می‌آید (Foruzan, 1999).

در حال حاضر گلنگ یکی از گیاهان مهم صنعتی در استان اصفهان به شمار می‌آید. سطح زیر کشت آن در استان از حدود ۱۰۰ هکتار در سال زراعی ۱۳۷۷ به حدود ۳۰۰۰ هکتار در سال ۱۳۸۱ رسید* و پس از آن به دلائل مختلفی از جمله شیوع بیماری بوته‌میری، یک سیر نزولی داشته است به طوری که در سال زراعی ۱۳۸۵

* <http://www.esfahan.agrijahad.ir/modiriat/tarh/amar%20nameh/index.htm>

بیماری مدنظر بوده و در این زمینه تحقیقاتی انجام شده است؛ Kalpana Sastry and Ramachandram, 1992) (Sharifnabi and Saeidi, 2004

با توجه به افزایش سطح زیر کشت گلنگ در استان، شرایط آب و هوایی خشک منطقه که برای این بیماری مناسب است و خسارت شدید بیماری به طور مستقیم و غیر مستقیم، شناسایی و کاشت ارقام مقاوم یا متتحمل به عنوان بهترین و مؤثرترین روش برای کاهش خسارت ناشی از بیماری ضروری به نظر می‌رسید. این بررسی با هدف ارزیابی مقاومت نسبی ژنوتیپ‌های مختلف گلنگ به قارچ عامل بیماری بوته‌میری گلنگ (Fusarium solani) در شرایط استان اصفهان انجام شد.

مواد و روش‌ها

در بهار و تابستان سال ۱۳۸۶ از مزارع گلنگ در مناطق مختلف استان (شهرضا، اردستان، مبارکه و روستاهای شرق اصفهان شامل هلارته، اسلام‌آباد و شریف‌آباد) بازدید به عمل آمد و نمونه‌هایی از بوته‌های مشکوک به بیماری و خاک‌های اطراف آن انتخاب و به طور جداگانه در پاکت‌هایی قرار داده شد و پس از ثبت محل نمونه برداری و رقم جداسازی شده که عمدتاً رقم کوسه بودند، به آزمایشگاه منتقل شدند.

جداسازی عامل بیماری به دو صورت انجام شد. جداسازی از بوته‌های آلوده

(Ershad, 1995). در کشورهای دیگر نیز گونه‌های مختلف از جنس *Phytophthora* و *Rhizoctonia* *solani* قارچهای *Sclerotinia sclerotiorum* و *Verticillium albo-atrum* و *F. oxysporum* f. sp. *carthami* عوامل بوته میری گلنگ ذکر شده‌اند (Farr et al., 1989). خسارت ناشی از بیماری بوته میری گلنگ در استان اصفهان حدود ۱۰٪ و یا بیشتر برآورد شده است (Behdad, 1980).

ارزیابی و شناسایی ژنوتیپ‌های مقاوم گلنگ به پوسیدگی فوزاریومی و تولید ارقام مقاوم تجاری همواره مورد توجه محققین بوده است. تحقیقات نشان داده که تنوع ژنتیکی در ژنوتیپ‌های گلنگ برای مقاومت به بیماری‌ها از جمله پوسیدگی فوزاریومی وجود دارد. به همین دلیل برخی از لاین‌های مقاوم به بیماری پژمردگی فوزاریومی گلنگ از خاورمیانه انتخاب و به عنوان منبع مقاومت در برنامه‌های به نزدیکی برای تولید ارقام مقاوم مورد استفاده قرار گرفته‌اند (Klisiewicz, 1980). پس از بررسی مقاومت ارقام مختلف گلنگ (اکثراً از کشورهای خاورمیانه از جمله ایران)، حساسیت بالای ارقام US-10 و Gila و مقاومت رقم N-6 گزارش شد (Knowles et al., 1968). در کشورهای هند و ایران (استان اصفهان) نیز مقاومت ژنوتیپ‌های گلنگ به عامل بیماری بوته‌میری گلنگ به عنوان یکی از روش‌های کنترل

قارچ عامل بیماری منتقل شد. به منظور شناسایی جدایه‌های قارچ عامل بیماری، مشخصات مورفولوژیکی جدایه‌های فوزاریوم روی محیط کشت PDA و (Corn Meal Agar) CMA ثبت شد. با توجه به کلید شناسایی (Booth 1971) جدایه‌ها شناسایی شدند.

برای ارزیابی مقاومت، تعداد ۲۱ ژنوتیپ گلنگ شامل ۱۵ لاین خالص شده و ۶ رقم رایج مورد استفاده در استان شامل پدیده، گلداشت، زرقان، زرقان، ۲۷۹، ورامین و کوسه (تهیه شده از بخش تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر اصفهان) برای واکنش به بیماری بوته‌میری فوزاریومی گلنگ مورد ارزیابی قرار گرفتند. از رقم کوسه که در منطقه به طور وسیع کاشته می‌شود، به عنوان شاهد استفاده شد. ارزیابی ژنوتیپ‌ها در شرایط آزمایشگاه و گلخانه با استفاده از آزمایش فاکتوریل در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار (گلدان) انجام شد. از شش جدایه قارچ عامل بیماری که از مناطق مختلف استان (شهرضا، اردستان، مبارکه و روستاهای شرق اصفهان) جداسازی و شناسایی شده بودند و در آزمون اثبات بیماریزایی روی گلنگ رقم کوسه بیشترین بیماریزایی را داشتند، به صورت جداگانه برای ارزیابی مقاومت ژنوتیپ‌ها استفاده شد. تیمار شاهد بدون مایه‌زنی قارچ هم با سه تکرار از هر ژنوتیپ قرار داده شد. در شرایط آزمایشگاه ارزیابی مقاومت ژنوتیپ‌ها با روش (Yang 1994) که توسط شریف نبی و

گلنگ به روش کشت مستقیم بافت طوفه و ریشه میزبان روی محیط کشت اختصاصی Peptone PCNB Agar و استفاده از روش (Soil Dilution Plating) برای جداسازی قارچ از خاک انجام شد (Tuite, 1969). خالص‌سازی با روش تک اسپور (Single spore) انجام شد.

برای اثبات بیماریزایی جدایه‌ها از روش سینگلتون و همکاران (Singleton *et al.*, 1992) استفاده شد. در این بررسی در گلدان‌های به قطر ۱۵ سانتی‌متر حاوی خاک سترون، ده عدد بذر ضدغفونی شده گلنگ رقم کوسه (رقم رایج در استان) کاشته شد و در مرحله چهار برگی در هر گلدان پنج گیاهچه نگهداری و بقیه حذف شدند. برای هر جدایه قارچ به صورت جداگانه چهار تکرار (گلدان) در نظر گرفته شد. برای آلووده‌سازی، جدایه‌ها نخست روی دانه‌های گندم سترون کشت داده و سپس پنج عدد بذر گندم آلووده شده به وسیله قارچ عامل بیماری به عنوان مایه تلقیح در نزدیکی طوفه هر گیاهچه قرار داده شد. در ضمن چهار گلدان نیز بدون مایه قارچ (فقط گندم سترون) به عنوان تیمار شاهد در نظر گرفته شد. پس از ۱۵ روز علائم بیماری از جمله بوته‌میری، تغییر رنگ و پوسیدگی طوفه و ریشه در گیاهچه‌ها، مورد بررسی قرار گرفت. برای اطمینان از آلوودگی بوته‌ها به قارچ مورد نظر، قطعاتی از ریشه و طوفه آن‌ها، به محیط کشت PDA (Potato Dextrose Agar) برای جداسازی

ریشه و طوقه (نکروز) در شرایط گلخانه ظاهر شد. در آزمایشگاه علائم به صورت ایجاد زخم و سیاه‌شدگی ریشه بود.

شش جدایه قارچ جداسازی شده تقریباً دارای قدرت بیماریزایی بالایی بودند. در بین جدایه‌های مورد آزمایش، جدایه ۳ با٪۳۰ کمترین و جدایه ۶ با٪۵۵، بیشترین میزان بوته زنده را داشتند. جدایه‌های مورد بررسی با استفاده از روش LSD در گروه‌های مختلف قرار گرفتند. در این طبقه‌بندی تفاوت معنی‌داری بین تیمار شاهد و شش جدایه قارچ و بین خود جدایه‌های قارچ مورد آزمایش وجود داشت (جدول ۱).

پرگنهای قارچ به رنگ شیری و سفید خاکستری روی محیط کشت PDA مشاهده شدند. ریسه‌ها دارای دیواره عرضی و عرض ریسه‌ها بین ۵/۳۴-۲/۶۷ میکرومتر متغیر بود. ماکروکنیدهای قارچ به صورت خوش‌های بروی فیالیدهای تقریباً بلند تشکیل و اندازه آن‌ها ۳۵/۷۳×۵/۳۴ میکرومتر و دارای ۲ تا ۵ دیواره عرضی بودند. میکروکنیدهای به صورت انفرادی بر روی فیالیدهای بلند تشکیل شده و اندازه آن‌ها ۱۱/۰۱-۸/۹۲×۵/۳۴-۲/۶۷ میکرومتر و غالباً قادر دیواره عرضی بودند. کلامیدوسپورهای قارچ اغلب به صورت تکی و دوتایی و بندرت سه‌تایی دیده شدند و اندازه آن‌ها ۱۱/۴۳-۹/۳۵ میکرومتر بود. این اندازه‌گیری‌ها با مشخصات *F. solani* توصیف شده توسط (Booth, 1971) مطابقت داشت. از بین ۲۱ ژنوتیپی که مورد ارزیابی قرار

سعیدی (۲۰۰۴) نیز به کار برده شده بود، انجام شد با توجه به این که جدایه‌های بیماریزای فوزاریوم باعث ایجاد تغییر رنگ و زخم روی ریشه می‌شوند و طول زخم‌های ایجاد شده با حساسیت گیاه رابطه مستقیم دارد، بنابراین آلدگی ژنوتیپ‌ها از طریق قرار دادن بذرهای جوانه زده آن‌ها در تشتک پتری با قطر ۱۰ سانتی‌متر حاوی کشت یک هفتاهی قارچ روی PDA (در هر تشتک پتری ۲۰ عدد بذر جوانه زده) بررسی شد. یک هفتاه بعد از مایه‌زنی، میانگین طول زخم ایجاد شده روی ریشه ژنوتیپ‌های مختلف برای جدایه‌های مختلف اندازه‌گیری شد. آلدگی در شرایط گلخانه مشابه روش اثبات بیماری زایی انجام شد. تعداد بوته‌های زنده در دو مرحله، یکی پس از مبتلا شدن و از بین رفتن ٪۵۰ گیاهچه‌های ژنوتیپ حساس (که مصادف با روز هفتم بعد از مایه‌زنی بود) و دیگری ۴۵ روز پس از مایه‌زنی شمارش شد (Singleton *et al.*, 1990). در نهایت داده‌های به دست آمده با استفاده از نرم‌افزار آماری SAS مورد تجزیه واریانس قرار گرفتند. برای تعیین تفاوت‌های معنی‌دار بین ژنوتیپ‌ها از نظر میانگین طول زخم ریشه و تعداد بوته‌های زنده، در صورت معنی‌دار بودن F از آزمون حداقل تفاوت معنی‌دار (LSD) استفاده شد.

نتایج و بحث

در آزمایش اثبات بیماریزائی علائم بیماری به صورت بوته‌میری، پوسیدگی و تغییر رنگ

جدول ۱ - نتایج آزمون بیماریزایی جدایه‌های *F. solani*

Table 1. Pathogenicity test of *F. solani* isolates in the greenhouse on susceptible cultivar Koseh

جدایه Isolate	محل‌های جمع‌آوری Location	منبع Source	میانگین بوته‌های زنده Mean of alive seedlings	درصد بوته‌های زنده Alive seedlings percent
7 (control)	-	-	5.00 a	100
6	Sharif Abad	cv. Koseh	2.75 b	55
5	Mobarakeh	cv. Koseh	2.50 b	50
2	Halarteh	cv. Koseh	2.25 bc	45
1	Ardestan	cv. Koseh	1.75 cd	35
4	Shahreza	cv. Koseh	1.75 cd	35
3	Eslam Abad	cv. Koseh	1.50 d	30

میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند، با استفاده از آزمون LSD در سطح احتمال ۵٪ تفاوت معنی‌دار ندارند.

Means followed by at least one common letter are not significantly different at the 5% probability level, using LSD test.

Measured 15 days after inoculation.

اندازه‌گیری ۱۵ روز پس از مایه‌زنی.

مایه‌زنی، جدایه‌های ۱ و ۳ و ۴ گونه *F. solani* باعث مرگ و میر ۵۰٪ بوته‌های مورد آزمایش در رقم حساس کوسه شدند.

ژنوتیپ‌های مورد ارزیابی همگی بالای ۳۰٪ بوته زنده داشتند. چهارده ژنوتیپ مورد ارزیابی بالای ۷۰٪ و هفت ژنوتیپ پایین ۷۰٪ بوته زنده داشتند. لاین KW15 با ۸۲/۸٪ بیشترین (مقاوم‌ترین) و رقم کوسه با ۵۸٪ کمترین (حساس‌ترین) تعداد بوته زنده را در بین ژنوتیپ‌ها داشتند. بین رقم کوسه با رقم ورامین (حساس‌ترین) تعداد بوته زنده را در KW3 تفاوت معنی‌داری از نظر تعداد بوته زنده وجود نداشت (جدول‌های ۲ و ۳).

در ارزیابی ژنوتیپ‌ها ۴۵ روز بعد از مایه‌زنی، ۱۸ ژنوتیپ بین ۳۰٪ تا ۷۰٪ و ۳ ژنوتیپ کمتر از ۳۰٪ بوته زنده داشتند. در ضمن در این مرحله هیچ کدام از ژنوتیپ‌ها بالای ۷۰٪ بوته زنده نداشتند. ژنوتیپ KW11 با ۶۲/۸٪ بیشترین (مقاوم‌ترین) و رقم کوسه با ۲۵/۶٪

گرفتند رقم کوسه و لاین و KW11 به ترتیب با میانگین ۱۳/۲۹ و ۹/۳۱ میلی‌متر بیشترین (حساس‌ترین) و کمترین (مقاوم‌ترین) طول زخم را روی ریشه داشتند. ژنوتیپ‌ها بر اساس روش LSD در ۱۱ گروه مختلف طبقه‌بندی شدند. بین رقم کوسه با لاین‌های خالص KW2 و KW3 تفاوت معنی‌داری از نظر میانگین طول زخم روی ریشه وجود نداشت (جدول‌های ۲ و ۳). در تجزیه کلاستر (دندروگرام) انجام شده ژنوتیپ‌ها در پنج گروه مشخص از جمله گروه‌های مقاوم (۳ ژنوتیپ)، نسبتاً مقاوم (۵ ژنوتیپ)، متحمل (۶ ژنوتیپ)، نسبتاً حساس (۵ ژنوتیپ) و حساس (۲ ژنوتیپ) تفکیک شدند. در این طبقه‌بندی رقم کوسه و لاین خالص KW2 ژنوتیپ‌های حساس و رقم گلدهشت و لاین‌های خالص KW11 و KW15 از ژنوتیپ‌های مقاوم به بیماری بودند (شکل ۱). در آزمایش گلخانه، هفت روز بعد از

جدول ۲- تجزیه واریانس طول زخم روی ریشه پس از یک هفته و تعداد بوته‌های زنده ۷ روز و ۴۵ روز پس از مایه‌زنی

Table 2. Analysis of variance for the lesion length on roots after one week and the number of alive seedlings 7 and 45 days after inoculation

S.O.V.	منابع تغییرات	درجه آزادی d.f.	میانگین مریعات M.S.		
			میانگین طول زخم Mean of lesion length	تعداد بوته زنده Number of alive seedlings	
				7 days	45 days
Isolate (I)	جدا به	6	1405.94 **	71.00 **	24.13 **
Genotype (G)	ژنوتیپ	20	22.58 **	6.45 **	1.97 **
Replication	تکرار	2	395.09 **	0.02 ns	0.11 ns
I × G	اثر مقابله جدایه و رقم	120	4.67 ns	0.96 **	0.79 **
Error	خطای آزمایش	292	4.42	0.30	0.46
Corrected total	مجموع کل	440			

**: معنی دار در سطح احتمال ۱٪.

ns: Not significant.

غير معنی دار.

جدول ۳- مقایسه میانگین طول زخم روی ریشه‌ها پس از یک هفته و تعداد بوته‌های زنده ۷ روز و ۴۵ روز پس از مایه‌زنی در ژنوتیپ‌های مختلف گلرنگ

Table 3. Mean comparison of the lesion length on roots after one week and the number of alive seedlings 7 and 45 days after inoculation in different genotypes of safflower

ژنوتیپ‌ها Genotypes	میانگین بوته‌های زنده				میانگین طول زخم Mean of lesion length (mm)	
	Mean of alive seedlings					
	45 days	7 days	تعداد	درصد		
	Number	Percent	Number	Percent		
KW11	3.14a	62.80	4.00ab	80.00	9.31a	
KW15	3.09ab	61.80	4.14a	82.80	9.65ab	
Zarghan 297	3.04abc	60.80	3.90ab	78.00	9.94abc	
KW16	3.04abc	60.80	3.95ab	79.00	10.07abc	
KW13	3.00abc	60.00	3.85abc	77.00	10.36abcd	
Goldasht	2.95abc	59.00	3.85abc	77.00	9.55ab	
KW9	2.90abcd	58.00	3.71bcd	74.20	10.78bcde	
KW10	2.85abcd	57.00	3.71bcd	74.20	10.29abc	
KW8	2.80bcd	56.00	3.66bcde	73.20	11.16cdef	
Padideh	2.80bcd	56.00	3.66bcde	73.20	10.25abc	
KW14	2.76cde	55.20	3.61bcde	72.20	10.80bcde	
Zarghan	2.76cde	55.20	3.66bcde	73.20	11.07cdef	
KW12	2.76 cde	55.20	3.66bcde	73.20	11.01cdef	
KW4	2.76cde	55.20	3.61bcde	72.20	11.65efg	
KW7	2.61def	52.20	3.47cdef	69.40	11.59defg	
KW5	2.47ef	49.40	3.33def	66.60	11.16cdef	
KW6	2.47ef	49.40	3.47cdef	69.40	11.71efg	
Varamin 295	2.33f	46.60	3.28efg	65.60	11.62defg	
KW2	1.42g	28.40	3.09fg	61.80	12.72gh	
KW3	1.42g	28.40	3.28efg	65.60	12.13fgh	
Koseh	1.28g	25.60	2.90g	58.00	13.29h	

میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند، با استفاده از آزمون LSD در سطح احتمال ۵٪ تفاوت معنی دار ندارند.

Means followed by at least one common letter are not significantly different at the 5% probability level , using LSD Test.



شکل ۱- دندروگرام مربوط به گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مختلف گلرنگ بر اساس طول زخم روی ریشه روز بعد از مایه‌زنی در شرایط آزمایشگاه

Fig. 1. Dendrogram for grouping different genotypes of safflower based on lesion length on roots 7 days after inoculation in laboratory condition

آن‌ها در مزارع آلووده مطمئن‌ترین روش است (Thomas and Zimmer, 1971). وقت‌گیر بودن آزمایش‌ها، نیاز به فضای زیاد و هزینه سنگین باعث شده است تا تلاش‌هایی برای ارزیابی ارقام در گلخانه و آزمایشگاه انجام شود. در این تحقیق مشخص شد که بین اندازه زخم روی ریشه ژنتیپ‌های گلنگ در اثر عامل بیماری بوته‌میری فوزاریومی در آزمایشگاه با درصد بوته‌های زنده در گلخانه همبستگی منفی بالای وجود دارد ($r = -0.72$). از آنجایی که شرایط محیطی از قبیل نور، رطوبت و حرارت در آزمایشگاه قابل کنترل بوده و این عوامل در گلخانه تقریباً غیر قابل کنترل است، واکنش ژنتیپ‌ها به بیماری و بیماری‌زایی جدایه‌های قارچ در آزمایشگاه و

کمترین (حساس ترین) تعداد بوتۀ زنده را در بین ژنوتیپ‌های مختلف داشتند. بین رقم کوسه با لاین‌های KW2 و KW3 تفاوت معنی داری از نظر تعداد بوتۀ زنده وجود نداشت (جدول‌های ۲ و ۳). در تجزیه کلاستر انجام گرفته (دندروگرام) ژنوتیپ‌ها در ۴ گروه مشخص از جمله گروه‌های مقاوم (۵ ژنوتیپ)، متحمل (۱۰ ژنوتیپ)، نسبتاً حساس (۳ ژنوتیپ) و حساس (۳ ژنوتیپ) تفکیک شدند. در این طبقه‌بندی رقم کوسه و لاین‌های خالص KW2 و 3 از ژنوتیپ‌های حساس و لاین‌های KW11، KW13، KW15، KW16 و رقم ۲۷۹ از ژنوتیپ‌های مقاوم به بیماری ارزیابی شدند (شکل ۲).

برای ارزیابی تحمل نسبی ارقام، کاشت



شکل ۲- دندروگرام مربوط به گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مختلف گلرنگ بر اساس درصد بوته‌های زنده روز بعد از مایه‌زنی ۴۵

Fig. 2. Dendrogram for grouping different genotypes of safflower based on percentage of alive seedling 45 days after inoculation in greenhouse condition

II-13-2A و VI-92-4-2, 237550 مقاوم‌ترین و دو رقم Manjira و Tara و حساس‌ترین لاین‌ها به بیماری پوسیدگی فوزاریومی تعیین شدند (کالپاناساستری و Weiss, 2000). ویس (Weiss, 1992). معتقد است که ژن‌های مسئول مقاومت به بیماری بوته‌میری فوزاریومی در ذخایر ژنتیکی گلرنگ وجود دارد و استفاده از آن‌ها در تولید ارقام مقاوم تجاری انجام شده است. از ارقام تجاری که در حال حاضر در سطح وسیعی کشت می‌شوند می‌توان به (Bergman et al., 2005) Montola 2003 و (Bergman et al., 2006) Montola 2004 اشاره کرد (Singh et al., 2001) NARI-38 که این ارقام علاوه بر خصوصیات زراعی مناسب دارای مقاومت خوبی به پوسیدگی فوزاریومی هستند. تناوب زراعی با سایر

گلخانه در بعضی از موارد اختلاف داشت. نتایج این بررسی نشان داد که تفاوت معنی‌داری بین ژنوتیپ‌ها از نظر واکنش به بیماری در شرایط آزمایشگاه و گلخانه وجود دارد. بررسی‌های انجام شده توسط سایر محققین نشان داده که تنوع ژنتیکی در گلرنگ برای مقاومت به بیماری پوسیدگی فوزاریومی وجود دارد (Knowles et al., 1968). در اصفهان پس از بررسی بر روی ۶۰ ژنوتیپ گلرنگ، نشان داده شد که مقاوم‌ترین و حساس‌ترین ژنوتیپ‌ها لاین‌های اصلاحی IUTE14310 و IUTC121 با میانگین نکروزه شدن ۹/۶۷ و ۲۸/۳۳ میلی‌متر و میزان مرگ و میر ۳۲ و ۷۰٪ بودند. در این بررسی رقم کوسه نیز از ژنوتیپ‌های حساس به بیماری ارزیابی شد (شریف نبی و سعیدی، ۲۰۰۴). در یک بررسی دیگر چهار لاین ۸۶-۹۳-۳۶A،

زراعی از قبیل عملکرد روغن و دانه بالا و درصد روغن مناسب علیرغم مقاومت پائین تر، در برنامه های اصلاحی توصیه می شود (Omidi *et al.*, 2008).

با توجه به نتایج به دست آمده در این تحقیق، لاین های خالص KW15، KW16، KW11، KW13، ZRCAN ۲۷۹ و به ویژه لاین KW3 مقاوم و لاین های خالص KW2 و KW3 و رقم کوسه حساس به بیماری بودند. به بررسی های انجام شده بر روی خصوصیات زراعی لاین های خالص KW15، KW16، KW11 و KW13 نشان داده که علاوه بر مقاومت بالا به بیماری بوته میری این ژنوتیپ ها دارای خصوصیات مطلوب زراعی نیز هستند (امیدی و شهسواری، گزارش منتشر نشده) بنابراین می توان آن ها را برای کاشت در مناطق گرم و خشک بالاخص استان اصفهان توصیه کرد. البته برای شناسائی دقیق تر ژنوتیپ های مقاوم یا متحمل نیاز به ادامه مطالعات و انجام آزمایش های مزرعه ای و کشت این ژنوتیپ ها در مزارع مناطق آلووده است که باید این موضوع در تحقیقات آینده مدنظر قرار گیرد.

سپاسگزاری

از مسئولین بخش تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر استان اصفهان به خاطر در اختیار گذاشتن بذر ژنوتیپ ها و همچنین مسئول بخش تحقیقات گیاهپزشکی که در اجرای این تحقیق نهایت همکاری را داشتند، تشکر و قدردانی می شود.

گیاهان، کاشت مناسب و استفاده از بذر های سالم می تواند در کاهش میزان خسارت ناشی از بیماری های مختلف از جمله پوسیدگی ریشه گلنگ مؤثر باشد، ولی استفاده از ارقام مقاوم در برنامه کنترل تلفیقی (IPM) می تواند گامی بسیار مؤثرتر باشد (Kaffka and Kearney, 1998).

با توجه به آب و هوای گرم و خشک استان اصفهان (شرایط مناسب جهت پیشرفت و گسترش بیماری) و با توجه به آنکه رقم رایج منطقه، رقم کوسه، حساسیت بالایی نسبت به پوسیدگی فوزاریومی ریشه دارد، استفاده از ژنوتیپ های مقاوم یا متحمل و تولید ارقام مقاوم به این بیماری بسیار حائز اهمیت است و باید مورد توجه قرار گیرد. در ضمن بعضی از لاین های مقاوم به بیماری ممکن است به تنها ی از نظر میزان مقاومت مورد نظر در سطح قابل قبول نباشند، ولی با توجه به سایر خصوصیات زراعی از جمله میزان عملکرد، میزان روغن، دیررسی و زودرسی، نیاز آبی و کودی و سایر خصوصیات می توانند پایه ژنتیکی مناسبی را برای ایجاد مقاومت در برنامه های اصلاحی فراهم نمایند (Bergman *et al.*, 2006).

KW11 که در این بررسی دارای مقاومت نسبتاً بالائی به بیماری بودند، می توانند به عنوان منابع ژنتیکی متحمل مورد توجه قرار گیرند. از طرفی استفاده از برخی ژنوتیپ ها مثل رقم پدیده، KW3، KW7، KW9 و به خصوص لاین 6 KW6 به دلیل داشتن خصوصیات مطلوب

References

- Abdollahi, M., and Fassihiani, A. 1995.** A new form of *Fusarium solani* from safflower. Proceedings of the 12th Iranian Plant Protection Congress, Karaj, Iran, Page 143 (in Farsi).
- Agrios, G. N. 1988.** Plant Pathology. 3rd ed. Academic Press. 803 pp.
- Aleagha, N. 1970.** Safflower root rot (*Phytophthora drechsleri*). Proceedings of the 3rd. Iranian Plant Protection Congress, Shiraz, Iran. Page 9 (in Farsi).
- Alyari, H., and Shekary, F. 1990.** Oil Seeds. Physiology and Agronomy, Amidi Press. Tabriz, Iran. 182 pp. (in Farsi).
- Behdad, E. 1980.** Diseases of Field Crops. Neshat Press. Isfahan, Iran. 419 pp. (in Farsi).
- Bergman, J. W., Riveland, N. R., Flynn, C. R., Carlson, G. R., Wichman, D. M., and Kephart, K. D. 2005.** Registration of Montola 2003 Safflower. Crop Science 45: 801-802.
- Bergman, J. W., Riveland, N. R., Flynn, C. R., Carlson, G. R., Wichman, D. M., and Kephart, K. D. 2006.** Registration of Montola 2004 Safflower. Crop Science 46:1818-1819.
- Booth, C. 1971.** The Genus *Fusarium*. Commonwealth Mycological Institute. Kew, Surrey. England. 237 pp.
- Ershad, D. 1995.** Fungi of Iran. Second ed. Publications of Agricultural Research, Education and Extension Organization. 874 pp. (in Farsi).
- Farr, D. F., Bills, G. P., Chamuris, G. P., and Rossman, A. Y. 1989.** Fungi on Plants and Plant Products in the United State. American Phytopathological Society, St. Paul, Minnesota. 1252 pp.
- Foruzan, K. 1999.** Safflower. Oil Seeds Company Press, Tehran, Iran. 150 pp. (in Farsi).
- Kaffka, S. R., and Kearney, T. E. 1998.** Safflower Production in California. Publication No. 21565, University of California, Davis, Division of Agriculture and Natural Resources, USA.
- Kalpana Sastry, R., and Ramachandram, M. 1992.** Differential genotypic response to progressive development of wilts in safflower. Journal of Oil Seeds Research 9: 297–305.

- Klisiewicz, J. M. 1980.** Safflower germplasm resistant to Fusarium wilt. Plant Disease 64: 876-877.
- Knowles, P. F., Klisiewicz, J. M., and Hill, A. B. 1968.** Safflower introductions resistant to Fusarium wilt. Crop Science 8: 636-637.
- Naseri, F. 1991.** Oil Seeds, Astan Ghods Razavi Press. Mashhad, Iran. 823 pp. (in Farsi).
- Omidi, A. H., Shahsavari, M. R., Alhani, A., and Pasban Islam, B. 2008.** Padide, a new safflower cultivar. Seed and Plant 24: 215-219 (in Farsi).
- Sharifnabi, B., and Saeidi, G. 2004.** Preliminary evaluation of different genotypes of safflower to Fusarium root rot disease. Journal of Science and Technology of Agriculture and Natural Research 8: 227-234 (in Farsi).
- Singh, V., Galande, M. K., Deshpande, M. B., and Nimbkar, N. 2001.** Inheritance of wilt (*Fusarium oxysporum* f. sp. *carthami*) resistance in safflower. pp 127-131. In: Bergman, J. W., Mundel, H. H., Jensen, J. L., Flynn, C. R., Grings, E. E., Tanaka, D. L., Riveland, N. R., Johnson, R. C., and Hill, A. B. (eds.) Proceedings of Vth International Safflower Conference, Williston, North Dakota and Sidney, Montana, USA.
- Singleton, L. L., Mirial, J. D., and Rush, L. M. 1992.** Methods for Research on Soilborne Phytopathogenic Fungi. American Phytopathological Society. St. Paul, Minnesota. 266 pp.
- Thomas, C. A., and Zimmer, D. E. 1971.** Registration of USB safflower germplasm. Crop Science 11: 606.
- Tuite, J. 1969.** Plant Pathological Methods, Fungi and Bacteria. Burgess Publishing, Minneapolis, Minnesota. 239 pp.
- Weiss, E. A. 2000.** Oil Seed Crops. Blackwell Science Ltd., London. 364 pp.
- Yang, Z. 1994.** Breeding for resistance to Fusarium head blight of wheat in the mid to lower Yangtze river Valley of China. Wheat Special Report No. 27. CIMMYT, Mexico D. F. 16 pp.