

تجزیه و تحلیل گرافیکی عملکرد دانه گندم و اجزای آن به روش تلاقی‌های دای آلل

Graphical Analysis for Grain Yield of Wheat and its Components Using Diallel Crosses

سید حسین محمدی^۱ و محمود خدام‌باشی امامی^۲

۱- دانشجوی سابق کارشناسی ارشد اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی دانشگاه شهرکرد

۲- استادیار، دانشکده کشاورزی دانشگاه شهرکرد

تاریخ دریافت: ۱۳۸۵/۱۰/۵ تاریخ پذیرش: ۱۳۸۶/۱۱/۲۵

چکیده

محمدی، س. ح.، و خدام‌باشی امامی، م. ۱۳۸۷. تجزیه و تحلیل گرافیکی عملکرد دانه گندم و اجزای آن به روش تلاقی‌های دای آلل. نهال و بذر ۲۴: ۴۸۶-۴۷۵.

به منظور تجزیه و تحلیل گرافیکی و برآورد پارامترهای ژنتیکی مربوط به عملکرد و اجزای آن، از تلاقی‌های دای آلل یک طرفه نه رقم گندم استفاده شد. در این بررسی نتایج حاصل از F_2 به همراه والدین در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار مورد ارزیابی قرار گرفتند. نتایج تجزیه واریانس حاکی از وجود تفاوت معنی‌دار بین ژنوتیپ‌ها برای کلیه صفات به جز تعداد پنجه بارور و وزن دانه در سنبله اصلی بود. نتایج آزمون مقدماتی جینکز و هیمن نشان داد که فرضیات مدل برای طول برگ پرچم، ارتفاع بوته، عملکرد دانه در بوته، طول سنبله اصلی و طول آخرین میانگره صادق هستند اما برای عرض برگ پرچم و وزن آخرین میانگره این فرضیات با حذف یک والد صادق شدند. با توجه به برآوردهای میانگین درجه غالبیت و نتایج تجزیه و تحلیل گرافیکی، عمل ژن برای طول برگ پرچم، عرض برگ پرچم، ارتفاع بوته، عملکرد دانه در بوته، طول سنبله اصلی، طول آخرین میانگره و وزن آخرین میانگره از نوع غالبیت نسبی بود.

واژه‌های کلیدی: گندم، پارامترهای ژنتیکی، عمل ژن، تلاقی‌های دای آلل.

مقدمه

با افزایش جمعیت جهان اهمیت غلات به خصوص گندم به عنوان منبع تامین کننده غذای مورد نیاز انسان رو به فزونی است. بالا بردن عملکرد گندم می تواند با به کار گرفتن اصول زراعی و همچنین استفاده از تحقیقات مربوط به اصلاح نباتات تحقق یابد.

عملکرد صفت کمی پیچیده ای است که تا حد زیادی تحت تاثیر حاصلخیزی خاک، نور، دما و بسیاری از عوامل محیطی قرار می گیرد. به دلیل تعداد زیاد ژن کنترل کننده عملکرد و تاثیر عوامل محیطی در آن ها، وراثت پذیری عملکرد پایین است (Farshadfar, 1991, 1997). برای افزایش عملکرد، در روش های اصلاحی انتخاب بر مبنای اجزای عملکرد اهمیت ویژه ای دارد. آگاهی از پارامترهای ژنتیکی کنترل کننده صفات از جمله وراثت پذیری، میانگین درجه غالبیت و نوع عمل ژن ها در انتخاب روش اصلاحی و مدیریت آن بسیار مهم است. یکی از معمول ترین روش های برآورد موارد ذکر شده طرح تلاقی های دال آلل است (Jinks and Hayman, 1953; Griffing, 1956 a,b).

استفاده از مفاهیم اثر افزایشی (D)، اثر غالبیت (H_1 و H_2) و کوواریانس اثر افزایشی و غالبیت (F) جینکز و هیمن (Jinks and Hayman, 1953) روشی را برای تجزیه و تحلیل تلاقی های دای آلل مطرح کردند. اطلاعات ژنتیکی در خصوص توزیع

آلل ها، میانگین درجه غالبیت، نوع عمل ژن، تعداد گروه های ژنی مؤثر، وراثت پذیری عمومی و خصوصی از طریق این روش قابل حصول هستند. ترسیم خط رگرسیون کوواریانس ردیف ها (Wr): کوواریانس نتاج F_2 هر والد با والدهای غیر مشترک) بر روی واریانس ردیف ها (Vr): واریانس نتاج F_2 هر والد) و سهمی محدود کننده و تجزیه گرافیکی آن نیز اطلاعات مفیدی را در اختیار به نژادگر قرار خواهد داد. قبل از استفاده از مدل جینکز و هیمن بایستی فرضیات مدل در مورد مواد ژنتیکی و صفات مورد ارزیابی صدق کند (Ehdaei and Ghaderi, 1971; Farshadfar, 1998).

از آن جا که تولید بذر در نسل F_2 به سهولت و در مقادیر بیشتر امکان پذیر است، محققین تجزیه و تحلیل دای آلل مربوط به نسل F_2 را مورد بررسی قرار داده و به وجود اختلاف آن با بررسی نسل F_1 اشاره کرده اند (Jinks and Perkins, 1970; Jinks, 1956). مثلاً در مطالعات مان و شارما (Mann and Sharma, 1995) بر روی نسل های F_1 و F_2 یک تلاقی دای آلل گندم، در هر دو نسل برای صفات تعداد پنجه، عملکرد دانه و در نسل F_2 برای طول سنبله و تعداد دانه در سنبله عمل فوق غالبیت ژن به دست آمد، همچنین برای تمام صفات به جز تعداد پنجه و عملکرد دانه وراثت پذیری متوسط به بالا گزارش شد. لانک و همکاران

توارث صفات تراکم بوته، تعداد دانه در سنبله، تعداد دانه در سنبلچه و وزن دانه در سنبله مشاهده شد، همچنین ژن‌های غالب در توارث صفات طول سنبله و تعداد دانه در سنبله ظهور کردند در حالی که در تراکم بوته ژن‌های مغلوب تظاهر داشتند.

هدف از این تحقیق نیز برآورد پارامترهای ژنتیکی مربوط به عملکرد دانه و اجزای آن در چند ژنوتیپ گندم و تعیین اثر ژنی کنترل‌کننده و تجزیه و تحلیل گرافیکی صفات در نسل F_2 تلاقی‌های دای آلل به روش مدل جینکز و هیمن بود.

مواد و روش‌ها

در این مطالعه نه ژنوتیپ گندم شامل سه رقم بومی به نام‌های سفید علی‌آباد، سفید صالح‌آباد و امام بوغداسی و شش رقم گندم اصلاح شده به نام‌های الوند، کراس آزادی، الموت، سبلان، روشن و بیات به همراه بذر ۳۶ ژنوتیپ نسل F_2 حاصل از تلاقی‌های دای آلل یک طرفه آن‌ها (جمعاً ۴۵ ژنوتیپ) در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در سه تکرار در مزرعه تحقیقاتی دانشگاه شهرکرد مورد ارزیابی قرار گرفتند.

صفت عملکرد دانه و صفات مرتبط با آن شامل طول برگ پرچم، عرض برگ پرچم، ارتفاع بوته، تعداد پنجه بارور، تعداد دانه در سنبله اصلی، طول سنبله اصلی، وزن دانه در سنبله اصلی، طول آخرین میانگره و وزن آخرین میانگره بر روی ده بوته در جمعیت‌های والد و

(Lonc *et al.*, 1993) نیز نوع عمل ژن در کنترل صفات مربوط به عملکرد در نسل F_2 را برای ارتفاع گیاه، طول سنبله اصلی و طول برگ پرچم افزایشی و برای تعداد پنجه بارور، عرض برگ پرچم، سطح برگ، تعداد سنبلچه در سنبله اصلی، تعداد و وزن دانه در سنبله اصلی و عملکرد دانه در بوته درجات متفاوتی از غالبیت ناقص گزارش کردند. با توجه به ضریب همبستگی بین ردیف والدینی غالبیت و مقدار والدینی، ارتفاع گیاه توسط ژن‌های غالب و عملکرد دانه در بوته توسط ژن‌های مغلوب افزایش می‌یافت. نتایج حاصل از تحقیق وبر (Weber, 1991) بر روی نسل‌های F_2 و F_3 گندم حاکی از آن بود که توارث صفات ارتفاع گیاه، تعداد پنجه و عملکرد سنبله اصلی از نوع غالبیت ناقص است. با کمک ضریب همبستگی بین (W_F+V_F) و Y_F مشخص شد که در مورد صفات ارتفاع گیاه، تعداد پنجه (در نسل F_3) و وزن دانه در سنبله (در نسل F_2) آلل‌های غالب باعث افزایش صفات فوق می‌شوند. لانک و زالوسکی (Lonc and Zalewski, 1996) در آزمایشی از نسل F_2 هفت لاین مختلف از ارقام گندم در قالب طرح دای آلل یک طرفه استفاده کردند. بعضی از لاین‌ها باعث عدول از فرضیات مدل جینکز و هیمن شدند، بنابراین پس از حذف آن‌ها مدل برای بقیه لاین‌ها صدق کرد. نتایج به دست آمده نشان داد که صفات ارتفاع گیاه، طول سنبله، وزن هزار دانه با عمل افزایشی ژن کنترل می‌شد. غالبیت نسبی در

دارای حداکثر تعداد ژن‌های غالب و رقم کراس آزادی با طول برگ پرچم ۲۳/۶۵ سانتی‌متر دورترین والد از مبداء مختصات و دارای حداکثر تعداد ژن‌های مغلوب بودند. قابلیت توارث عمومی و خصوصی، اهمیت اثر افزایشی را برای صفت طول برگ پرچم نشان داد (جدول ۱).

در مورد صفت عرض برگ پرچم میانگین درجه غالبیت (۰/۷۲) و نمودار خط رگرسیون (شکل ۲) دلالت بر عمل غالبیت نسبی ژن‌ها داشت. لانک و همکاران (Lonc *et al.*, 1993) و زیسویچ و همکاران (Zecevic *et al.*, 1997) هم در مورد صفت عرض برگ پرچم در نسل F_2 غالبیت نسبی را گزارش کرده‌اند. نسبت فراوانی آلل‌های غالب به مغلوب در جمعیت آزمایشی برای این صفت ۲ بودند. علامت منفی ضریب همبستگی ردیف والدینی غالبیت و مقدار Y_r و بررسی پراکنش والدها در طول خط رگرسیون مبین اثر افزایشی آلل‌های غالب برای این صفت بود. وراثت پذیری عمومی (۰/۸۲) و وراثت پذیری خصوصی (۰/۶۳) مبین آن بود که هر دو اثر افزایشی و غیرافزایشی در توارث صفت مؤثر هستند و سهم اثر افزایشی بیشتر از اثر غیر افزایشی است، بنابراین راندمان انتخاب برای این صفت نسبتاً بالاست (جدول ۱). حیدری (Heydari, 2001) هم در مطالعه نسل F_1 همین تلاقی‌ها چنین نتیجه‌ای را گزارش کرده است.

پنجاه بوته در جمعیت‌های نسل F_2 اندازه‌گیری و از میانگین داده‌ها برای تجزیه و تحلیل آماری استفاده شد.

در صورت وجود تنوع کافی برای برآورد پارامترهای ژنتیکی کنترل‌کننده صفات از تجزیه و تحلیل دای آلل بر اساس مدل جینکز و همین (Jinks and Hayman, 1953) استفاده شد.

در صورت صادق بودن فرضیات مدل خط رگرسیون رسم شده، پارامترها و شاخص‌های آماری برآورد شد و عمل ژن برای صفت موردنظر مشخص شد. در این تحقیق نرم‌افزارهای SAS، Excel و Diallel مورد استفاده قرار گرفتند.

نتایج و بحث

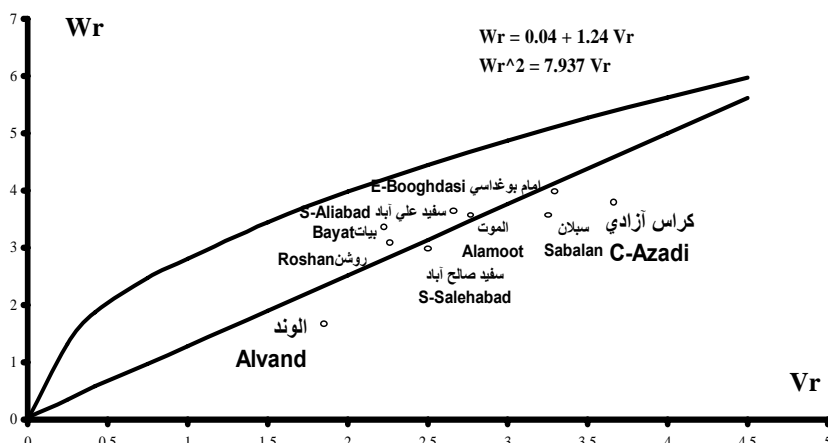
آزمون مقدماتی جینکز و همین برای صفت طول برگ پرچم نشان داد که ضریب خط رگرسیون به ترتیب واجد و فاقد اختلاف معنی‌دار با صفر و یک است (جدول ۱). با توجه به شکل ۱ این صفت تحت تأثیر عمل غالبیت ناقص ژن‌ها است. علامت جبری مثبت ضریب همبستگی ردیف والدینی غالبیت (W_r+V_r) و Y_r نشان داد که آلل‌های مغلوب در افزایش این صفت مؤثرند. این موضوع از بررسی خط رگرسیون هم نتیجه گرفته شد. ولی علامت مثبت F فراوانی بیشتر آلل‌های غالب را نشان داد. با توجه به پراکنش والدها در طول خط رگرسیون رقم الوند با طول برگ پرچم ۱۹/۰۳ سانتی‌متر نزدیک‌ترین والد به مبداء مختصات و

جدول ۱- برآورد پارامترهای ژنتیکی صفات مختلف ژنوتیپ‌های گندم به روش جینکز و هیمن

Table 1. Estimation of genetic parameters for different traits of wheat genotypes by Jinks and Hayman's method

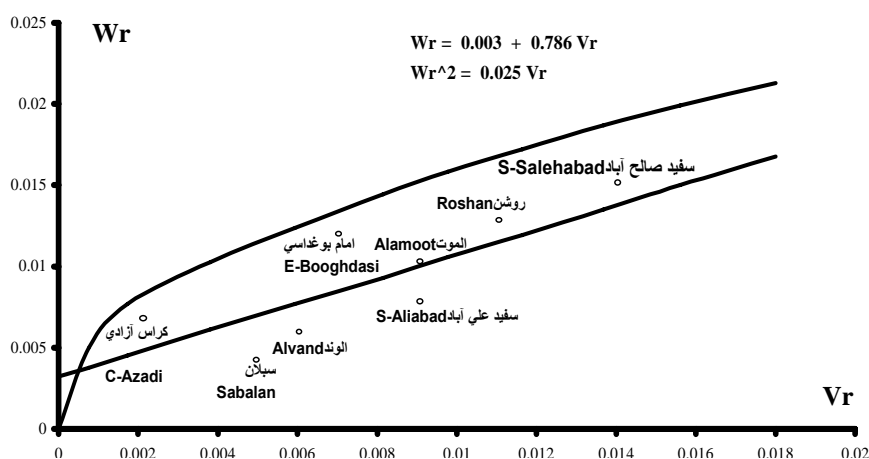
پارامترهای ژنتیکی Genetic parameters	طول برگ پرچم Flag leaf length	عرض برگ پرچم Flag leaf width	ارتفاع بوته Plant height	عملکرد دانه در بوته Grain yield per plant	طول سنبله اصلی Main spike length	طول آخرین میانگره Peduncle length	وزن آخرین میانگره Peduncle weight
D	6.77	0.023	88.16	8.48	0.61	15.40	0.0047
H ₁	-0.1	0.048	103.93	13.94	-0.04	18.55	-0.0020
H ₂	0.82	0.036	129.54	8.69	0.18	21.59	-0.0032
F	2.21	0.022	-75.56	8.49	0.04	-1.73	0.0076
h ²	-15.61	-0.027	-87.14	-26.49	-1.61	-23.67	-0.0217
₂ H-H ₁	-0.92	0.012	-25.61	5.25	-0.22	-3.04	0.0012
Average of dominance degree	-	0.720	0.54	0.64	-	0.54	-
4H ₂ /H ₁	-	0.180	0.21	0.15	-	0.24	-
Ratio of alleles frequency	-	2.000	0.43	2.28	-	0.90	-
Correlation coefficient between (W _r +V _r) and Y _r	0.30	-0.470	-0.71	0.36	-0.06	-0.78	-0.3800
H _b	0.70	0.820	0.80	0.63	0.71	0.65	0.2000
H _n	0.69	0.630	0.71	0.53	0.68	0.55	-

D : Additive variance; H₁ and H₂ : Dominance variance; F: Covariance of effects; h₂: Dominance effect



شکل ۱- خط رگرسیون W_r روی V_r ، سهمی محدودکننده و پراکنش والدین برای صفت طول برگ پرچم در گندم

Fig. 1. Regression between W_r and V_r , limiting parabola and distribution of parents for flag leaf length



شکل ۲- خط رگرسیون W_r روی V_r ، سهمی محدودکننده و پراکنش والدین برای صفت عرض برگ پرچم در گندم

Fig.2. Regression between W_r and V_r , limiting parabola and distribution of parents for flag leaf width

مختصات و با حداکثر ژن‌های مغلوب بودند، بنابراین پاکوتاهی رقم با فزونی آلل‌های مغلوب مرتبط است. نقش آلل‌های غالب در افزایش ارتفاع بوته قبلاً نیز توسط لانک و همکاران (Lonc *et al.*, 1993) گزارش شده است اما

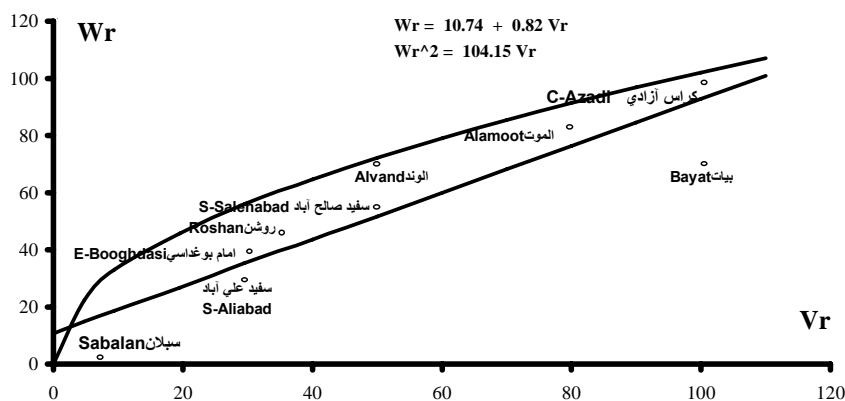
با توجه به شکل ۳ برای صفت ارتفاع بوته رقم سبلان (با ارتفاع ۳۳ / ۸۰ سانتی‌متر) نزدیک‌ترین والد به مبداء مختصات و دارای حداکثر ژن‌های غالب و رقم کراس آزادی (با ارتفاع ۷۱/۷۰ سانتی‌متر) دورترین والد به مبداء

روی V_T را برای این صفت نشان می دهد. خط رگرسیون محور W_T را در بالای مبداء مختصات قطع کرده است. پس عمل غالبیت نسبی ژن در کنترل این صفت مؤثر است. برخی مطالعات قبلی نیز به عمل غالبیت نسبی ژن برای این صفت اشاره کرده‌اند (Weber, 1991؛ Zecevic et al., 1997). پراکندگی والدها در طول خط رگرسیون نشان داد که رقم امام بوغداسی (با عملکرد ۹/۴۴ گرم در بوته) نزدیک ترین والد به مبداء مختصات است، بنابراین دارای حد اکثر تعداد ژن‌های غالب بود. رقم سفید علی آباد (با عملکرد ۱۶/۰۳ گرم در بوته) بیشترین فاصله را داشت و دارای حداکثر تعداد ژن‌های مغلوب بود، بنابراین افزایش عملکرد دانه در بوته با فزونی آلل‌های مغلوب میسر است. لانک و همکاران (Lonc et al., 1993) هم قبلاً به چنین نتیجه‌ای رسیده‌اند.

با توجه به ضریب همبستگی ($-0/062$) بین ردیف والدینی غالبیت (W_T+V_T) و Y_T و شکل ۵، برای صفت طول سنبله اصلی، آلل‌های غالب نقش افزایش‌دهنده دارند. در مطالعه لانک و زالوسکی (Lonc and Zalewski, 1996) هم چنین نتیجه‌ای به دست آمده است. وراثت‌پذیری خصوصی برابر با $0/68$ مؤید نقش اثر افزایشی است (جدول ۱). مان و شارما (Mann and Sharma, 1995) نیز وراثت‌پذیری متوسط تا بالائی را برای این صفت تأیید کردند ولی عبدالصبور و

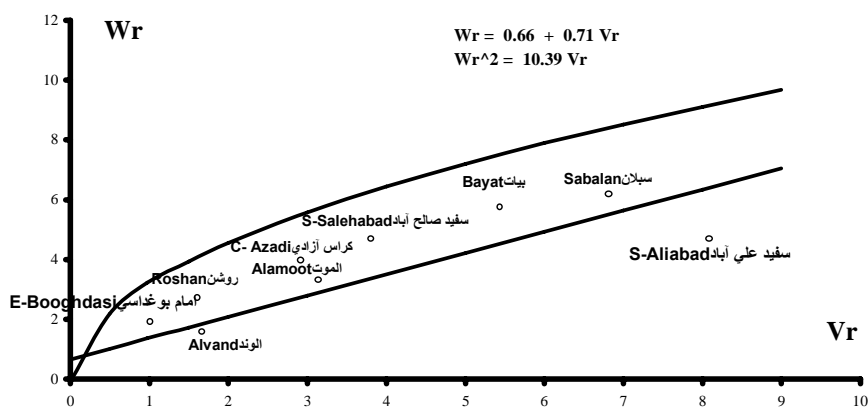
منون و شارما (Menon and Sharma, 1995) به نقش آلل‌های مغلوب در افزایش ارتفاع اشاره کرده‌اند. خط رگرسیون محور W_T را در بالای مبداء مختصات قطع کرد، پس غالبیت نسبی برای کنترل این صفت مؤثر است. مطالعات انجام شده دیگر نیز حاکی از عمل غالبیت نسبی ژن‌ها برای این صفت است (Weber, 1991؛ Zecevic et al., 1997).

از برآورد پارامترهای ژنتیکی برای صفت عملکرد دانه در بوته عمل غالبیت نسبی ژن‌ها، نقش آلل‌های مغلوب در افزایش عملکرد دانه در بوته و فراوانی بیش از ۲ برابر آلل‌های غالب در برابر آلل‌های مغلوب در جمعیت تحت آزمایش منتج شد. برآورد وراثت‌پذیری عمومی و خصوصی برای این صفت نشان داد که اولاً عوامل محیطی در قالب واریانس محیطی تأثیر قابل توجهی بر صفت فوق گذاشته ثانیاً با توجه به وراثت‌پذیری خصوصی، اثر افزایشی سهم عمده‌ای در واریانس ژنتیکی صفت عملکرد دانه در بوته داشته است (جدول ۱). مطالعات قبلی نیز مؤید وراثت‌پذیری پایین برای صفت عملکرد دانه در بوته بوده است (Menon and Sharma, 1995؛ Mann and Sharma, 1995). آزمون مقدماتی جینکز و هیمن برای صفت عملکرد دانه در بوته نشان داد که ضریب رگرسیون ($0/71$) به ترتیب واجد و فاقد اختلاف معنی‌دار با صفر و یک است بنابر این فرضیات مدل صدق می کند. شکل ۴ پراکنش والدها و خط رگرسیون W_T



شکل ۳- خط رگرسیون W_r روی V_r ، سهمی محدود کننده و پراکنش والد ها برای صفت ارتفاع بوته در گندم

Fig.3. Regression between W_r and V_r , limiting parabola and distribution of parents for plant height

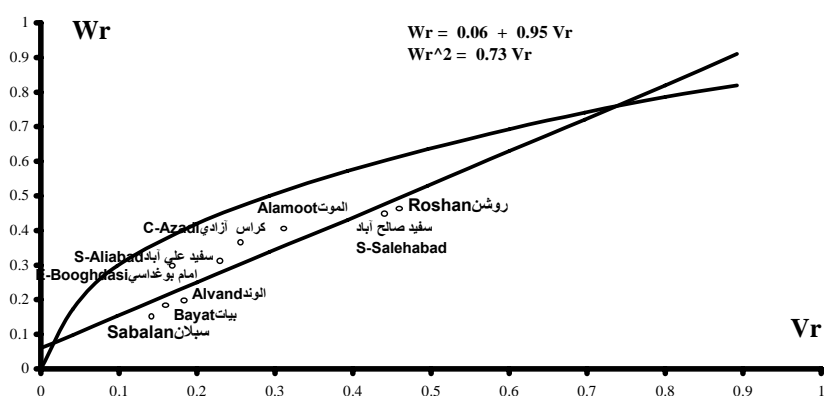


شکل ۴- خط رگرسیون W_r روی V_r ، سهمی محدود کننده و پراکنش والد ها برای صفت عملکرد دانه در بوته گندم

Fig.4. Regression between W_r and V_r , limiting parabola and distribution of parents for grain yield per plant

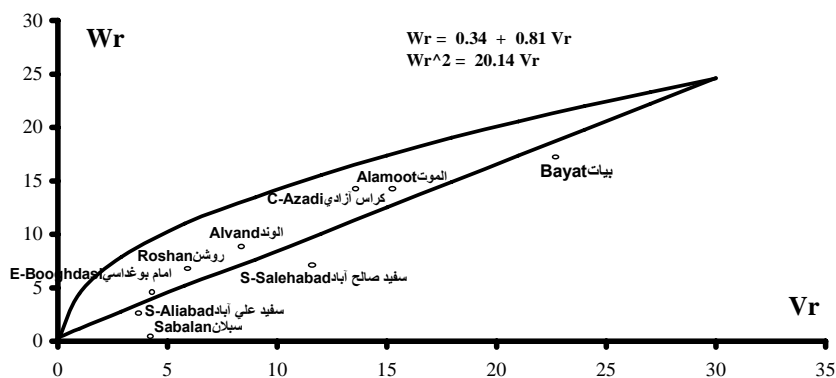
همکاران (Mann and Sharma , 1995) در مطالعه خود وراثت پذیری خصوصی پایینی را گزارش کرده اند. برای صفت طول سنبله اصلی، شکل ۵ نشان داد که خط رگرسیون محور W_r را بالای مبداء مختصات قطع کرده لذا عمل غالبیت نسبی ژن در کنترل این صفت مؤثر است. مان و شارما

به عمل فوق غالبیت ژن ها برای این صفت اشاره کرده اند. با توجه به شکل ۶ در مورد صفت طول آخرین میانگره، خط رگرسیون محور W_r را در بالای مبداء مختصات قطع کرد، بنابراین عمل



شکل ۵- خط رگرسیون W_r روی V_r ، سهمی محدود کننده و پراکنش والد‌ها برای صفت طول سنبله در گندم

Fig.5. Regression between W_r and V_r , limiting parabola and distribution of parents for main spike length



شکل ۶- خط رگرسیون W_r روی V_r ، سهمی محدود کننده و پراکنش والد‌ها برای صفت طول آخرین میانگره در گندم

Fig.6. Regression between W_r and V_r , limiting parabola and distribution of parents for peduncle length

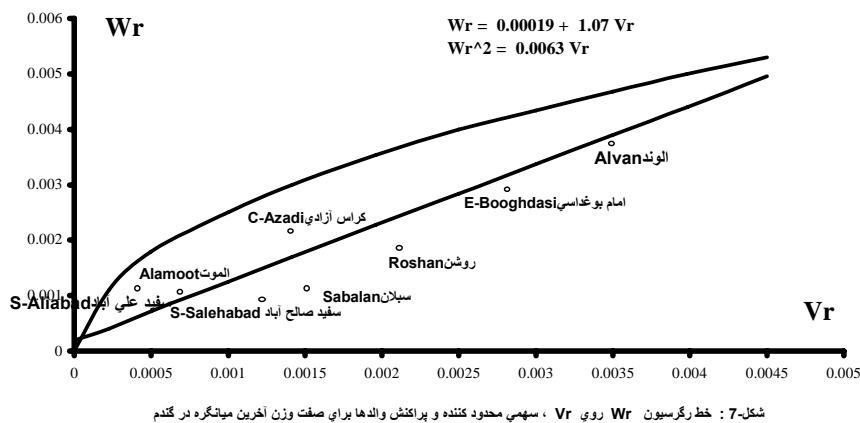
آلل‌های غالب و آلل‌های مغلوب در جمعیت مورد مطالعه بود. مقدار F منفی نیز دلالت بر فرونی آلل‌های مغلوب بر آلل‌های غالب داشت. وراثت پذیری عمومی این صفت (۰/۶۵) نقش مؤثر عوامل محیطی را نشان می‌دهد، بنابراین برای انتقال و وراثت مناسب صفت فوق به

غالبیت نسبی ژن در کنترل این صفت مؤثر بود. از پراکنش والد‌ها نیز نتیجه‌گیری می‌شود که افزایش این صفت با افزایش آلل‌های غالب میسر است. در جدول ۱ برای صفت طول آخرین میانگره مقدار غیر صفر $H_1 - H_2$ و نسبت $H_1/4H_2$ برابر با ۰/۲۴ مبین عدم تساوی فراوانی

مقدار $H_1 - H_2$ دلالت بر عدم تساوی فراوانی آلل‌های غالب و مغلوب داشت. از طرفی مقدار F مثبت نشانگر فراوانی بیشتر آلل‌های غالب بود. ضریب همبستگی بین $(W_r + V_r)$ و Y_r برابر با -0.38 - نشان داد که برای افزایش صفت فوق آلل‌های غالب نقش مؤثری دارند. پایین بودن وراثت‌پذیری عمومی (0.20) اثر بسیار زیاد عوامل محیطی را نشان می‌دهد، بنابراین انتقال و توارث ژنتیکی صفت وزن آخرین میانگه به سهولت امکان‌پذیر نیست (جدول ۱).

نسل‌های بعدی تأمل بیشتری لازم است. وراثت‌پذیری خصوصی (0.55) هم نقش عمده اثر افزایشی در تنوع ژنتیکی صفت طول آخرین میانگه را تأیید می‌کند.

فرضیات مدل جینکز و هیمن برای صفت وزن آخرین میانگه بعد از حذف رقم والد بیات صادق بودند. با حذف این والد و رسم شکل ۷ مشخص شد عمل غالبیت نسبی ژن‌ها در بروز این صفت مؤثر است. پراکنش والد‌ها هم نقش افزایشی آلل‌های غالب را برای صفت وزن آخرین میانگه نشان داد. برای این صفت



شکل ۷- خط رگرسیون W_r روی V_r ، سهمی محدودکننده و پراکنش والد‌ها برای صفت وزن آخرین میانگه در گندم

Fig.7. Regression between W_r and V_r , limiting parabola and distribution of parents for peduncle weight

اصلی و طول آخرین میانگه بدون حذف والد و یا تبدیل داده‌ها صادق بودند. در مورد دو صفت عرض برگ پرچم و وزن آخرین میانگه پس از حذف والد بیات و تلاقی‌های آن،

نتایج حاصل از مطالعه این صفات نشان داد که با توجه به آزمون مقدماتی جینکز و هیمن فرضیات مدل برای صفات طول برگ پرچم، ارتفاع بوته، عملکرد دانه در بوته، طول سنبله

Y_T برای صفات فوق به جز دو صفت طول برگ پرچم و عملکرد دانه در بوته نشانگر نقش آلل‌های غالب در افزایش آن صفات بود و وراثت‌پذیری عمومی بالا برای تمام صفات به جز وزن آخرین میانگره نشانگر توارث مطلوب صفات مربوط به عملکرد می‌باشد.

فرضیات مدل صادق بود. برای صفت تعداد دانه در سنبله اصلی هم عدول از فرضیات مشاهده شد. تجزیه و تحلیل گرافیکی مدل هم نشان داد که برای تمام صفات عمل غالبیت نسبی ژن مؤثر است. مقادیر منفی ضریب همبستگی (W_T+V_T) و

References

- Abdel- sabour, M. S., Hassan, A. M., Abdel- shafi, A. A., Abdel-shefif, H. S., and Hamda, A. A. 1996.** Genetic analysis of diallel cross in bread wheat under different environment conditions in Egypt. 2. F_2 and parents. *Indian Journal of Genetic and Plant Breeding* 56: 49-61.
- Ehdaei, B., and Ghaderi, A. 1971.** Diallel Method in Plant Breeding .Ahvaz University Publishing, Ahvaz, Iran (in Farsi).
- Farshadfar, E. 1991.** Principles of Plant Genetics in Plant Breeding. Islamic Azad University Scientific Publications, Tehran, Iran (in Farsi).
- Farshadfar, E. 1997.** Plant Breeding .Razi University Publishing. Kermanshah, Iran (in Farsi).
- Farshadfar, E. 1998.** Application of Biometrical Genetics in Plant Breeding .Razi University Publishing, Kermanshah, Iran (in Farsi).
- Griffing, B. 1956a.** Concept of general and specific combining ability in relation to diallel crossing system. *Australian Journal of Biological Science* 9: 436-493.
- Griffing, B. 1956b.** A generalized treatment of the use of diallel crosses in quantitative inheritance. *Heredity* 10: 31-50.
- Heydari, B. 2001.** Diallel crosses analysis for estimation of genetics parameters in wheat . MSc. Thesis, College of Agriculture, Isfahan University of Technology, Isfahan, Iran.
- Jinks, J. L. 1956.** The F_2 and back cross generations from a set of diallel crosses. *Heredity* 10: 1-30.
- Jinks, J. L., and Hayman, B. I. 1953.** The analysis of diallel crosses. *Maize Genetics Cooperation Newsletter* 27: 48-54.

- Jinks, J. L., and Perkins, J. M. 1970.** A general method for the detection of additive, dominance and epistatic components of variation: III F₂ and backcrosses populations. *Heredity* 25: 419-429.
- Lonc, W., Kadlubiec, W., and Strugala, J. 1993.** Genetic determination of agronomy characters in F₂ hybrids of winter wheat. *Zeszyty Naukowe Akademii Rolniczej we Wroclawiu Rolnictwo* 223: 229-247.
- Lonc, W., and Zalewski, D. 1996.** Diallel analysis of quantitative traits of winter wheat F₂ hybrids (Abstract). *Biuletyn Instytutu Hodowlii Klimatyzacji Roslin* 200: 267-275.
- Mann, M. S., and Sharma, S. N. 1995.** Genetics of yield , harvest index and related components in durum wheat. *Crop Improvement* 22: 38-44.
- Menon, U., and Sharma, S.N. 1995.** Inheritance studies for yield and yield component traits in bread wheat over the environments. *Wheat Information Service* 80: 1-5.
- Weber, R. 1991.** Diallel anlysis of useful traits of winter wheat. *Zeszyty Naukowe Akademii Rolniczej we Wroclawiu Rolinctwo* 207: 199-210.
- Zecevic, V., Knezevic, D., Pavlovic, M. and Micanovic, D. 1997.** Genetic analysis of yield components in winter wheat. *Genetika* 29: 31-40.