

## تجزیه ژنتیکی برخی صفات مورفولوژیک در گندم دوروم از طریق تجزیه میانگین نسل‌ها در شرایط تنش و عدم تنفس رطوبتی

### Genetic Analysis of some Morphological Traits in Durum Wheat by Generation Mean Analysis under Normal and Drought Stress Conditions

مریم گل‌آبادی<sup>۱</sup>، احمد ارزانی<sup>۲</sup> و سید علی محمد میرمحمدی میبدی<sup>۲</sup>

۱- دانشجوی سابق دکتری اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی دانشگاه صنعتی اصفهان

۲- به ترتیب استاد و دانشیار، دانشکده کشاورزی دانشگاه صنعتی اصفهان

تاریخ دریافت: ۱۳۸۶/۵/۲۵ تاریخ پذیرش: ۱۳۸۵/۷/۵

#### چکیده

گل‌آبادی، م.، ارزانی، ا.، و میرمحمدی میبدی، س. ع. م. ۱۳۸۷. تجزیه ژنتیکی برخی صفات مورفولوژیک در گندم دوروم از طریق تجزیه میانگین نسل‌ها در شرایط تنش و عدم تنفس رطوبتی. نهال و بذر ۲۴: ۱۱۶-۹۹.

تش خشکی یکی از مهم‌ترین تنش‌های محیطی است که به شدت عملکرد دانه را تحت تاثیر قرار می‌دهد. با توجه به اینکه عملکرد دانه محصول اثر مقابل صفات زیادی از گیاه و محیط است، بنابراین ارزیابی صفات مورفولوژیک مرتبه با عملکرد دانه که از نظر ژنتیکی دارای پیچیدگی بسیار کمتری هستند می‌تواند به عنوان معیار گزینش در شرایط محیطی مختلف مدنظر قرار گیرد. در این مطالعه ژنتیک‌های Oste-Gata به عنوان والد متحمل و Massara-1 به عنوان والد حساس به خشکی تلاقي داده شده و نسل‌های  $F_1$  و  $F_2$  و  $F_3$  از نظر صفات مرتبط با قامت گیاه و برگ پرچم مورد تجزیه و تحلیل ژنتیکی قرار گرفتند. این آزمایش در مزرعه تحقیقاتی دانشگاه صنعتی اصفهان در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در دو شرایط آبیاری بدون تنش و تنفس رطوبتی انتهای فصل اجرا شد. تجزیه میانگین نسل‌ها با استفاده از آزمون مقیاس مشترک که همزمان تمام نسل‌ها را مورد آزمون قرار می‌دهد انجام شد. برای کلیه صفات مدل سه پارامتری  $[d]$ ،  $[m]$  و  $[h]$  بهترین برآذش را در سطح احتمال معنی دار یک درصد در هر دو محیط و برای صفات ارتفاع بوته و طول پدانکل مدل چهار پارامتری درسطح احتمال معنی دار پنج درصد در شرایط تنفس رطوبتی نشان داد. اگرچه هر دو نوع اثر افزایشی و غالیت در کنترل صفات مختلف در هر دو شرایط محیطی نرمال و تنفس خشکی دخالت داشتند اما توجه به اثرهای مختلف و اجزای تنوع نشان داد که جزء غالیت موثرتر از جزء افزایشی است و صفات ارتفاع بوته، طول برگ پرچم و طول پدانکل دارای واریانس غالیت بیش از واریانس افزایشی بودند. لذا استفاده از این صفات در برنامه‌های انتخاب مفید نخواهد بود. در این مطالعه تنها برای صفات ارتفاع بوته و طول پدانکل اثر اپیستازی افزایشی در افزایش مشاهده شد و سایر صفات هیچ نوع اثر اپیستازی نشان ندادند که نشان دهنده عدم وجود اثر مقابل ژن‌ها در توارث این صفات در حال تفرق حاصل از این تلاقي بود. کنترل ژنتیکی صفات در هر دو شرایط محیطی مشابه بود و محیط اثرهای ژنی را در صفات مورد مطالعه تغییر نداد.

واژه‌های کلیدی: گندم دوروم، تجزیه میانگین نسل‌ها، صفات مورفولوژیک، اثر غالیت و افزایشی.

#### مقدمه

طول ساقه تعیین می‌شود. از طرف دیگر میزان ذخیره قابل تحرک ساقه در بخش‌های مختلف آن متفاوت است به طوری که در گندم پدانکل بیشترین ذخیره را شامل می‌شود. در شرایط تنش با کاهش انباشتگی مواد در مدت پرشدن دانه، تحرک مواد از ساقه به دانه افزایش می‌یابد بنابراین بهبود ظرفیت پرشدن دانه از طریق ژنتیک‌های پابلند با ذخیره ساقه بیشتر امکان‌پذیر می‌شود (Blum, 1998). فلانگ و سیدیک (Pheloung and Sidine, 1991) مشاهده کردند که ارقام گندم Gutha و Kulin با عملکرد بالا ذخیره ساقه کمتری داشته و در شرایط تنش خشکی طی مرحله پرشدن دانه دچار افت عملکرد شدیدتری شدند.

در ارتباط با صفت سطح برگ پرچم و تاثیر آن بر عملکرد دانه گزارش‌های متفاوتی وجود دارد اما در برخی از گزارش‌های به رابطه سطح برگ پرچم کوچک‌تر با عملکرد بالاتر به لحاظ توانایی لوله کردن سریع‌تر در شرایط تنش خشکی اشاره شده است (Cedola *et al.*, 1994؛ Cedola *et al.*, 1995).

از طرف دیگر در بعضی مطالعات سطح برگ پرچم بیشتر را معادل با سطح فتوسنتز کننده بیشتر دانسته‌اند (Pecetti *et al.*, 1993؛ Adams, 1967).

نوع عمل زن در انتخاب روش اصلاحی مهم است. برآورد اجزای افزایشی، غالیت و نیز تعیین اپیستازی برای تعیین روش اصلاحی و

کمبود آب در بسیاری از نقاط دنیا به عنوان مهم‌ترین عامل محدود‌کننده است که لزوم ایجاد و استفاده از ژنتیک‌های سازگار به شرایط خشکی را بدبیهی ساخته است. بدین منظور شناسایی صفات مرتبط با تحمل به خشکی و نحوه کنترل ژنتیکی این صفات می‌تواند در گزینش ژنتیک‌های سازگار به کار گرفته شود. از بین صفات مختلف مورفو‌لوژیکی، صفات مرتبط با قامت گیاه از جمله ارتفاع بوته و طول پدانکل ارتباط نزدیکی را با عملکرد دانه در شرایط تنش خشکی نشان دادند. مطالعات اینز و همکاران (Innes *et al.*, 1985) نشان دادند که در شرایط تنش خشکی پایانی فصل، ژنتیک‌های پابلند به طور معنی‌داری عملکرد دانه بیشتری را نسبت به ژنتیک‌های پاکوتاه داشتند. این امر را می‌توان به ریشه‌های گسترده‌تر و عمیق‌تر ژنتیک‌های پابلند و در نتیجه بهره‌برداری بهینه از آب موجود در خاک نسبت داد. ضمن این که وجود ذخایر بیشتر مواد پرورده در ساقه و مصرف آن‌ها در دوران پر شدن دانه در شرایط خشکی انتهای فصل رشد موجب افزایش عملکرد در ژنتیک‌های پابلند می‌شود (Austin, 1989). طبق نظر بلوم (Blum, 1998) ذخایر موجود در ساقه جهت تکمیل پرشدن دانه‌ها ضروری بوده و نقش این ذخایر بسیار بیشتر از ذخایر موجود در ریشه و برگ‌هاست. پتانسیل ذخیره‌ای ساقه از طریق سنجش طول ساقه و وزن خشک ساقه در واحد

به طور معنی‌داری اثر افزایشی را بیش از اثر غالیت برآورد کردند. آن‌ها همچنین به اثر اپیستازی سه ژنی نیز دست یافتد. خان و همکاران (Khan *et al.*, 1992) در تجزیه ژنتیکی گندم نان اثر افزایشی ژنی را به همراه درجاتی از غالیت جزئی برای صفت طول سنبله به دست آوردند.

از آن جایی که صفات مورفولوژیک مرتبه با قامت گیاه ارتباط بسیار نزدیکی را با عملکرد دانه در شرایط تنش خشکی و شرایط نرمال در جمعیت در حال تفرق حاصل از تلاقی-*Oste*-Massara-1 به عنوان والد متحمل و *Gata* به عنوان والد حساس نشان دادند، در این مطالعه اقدام به برآورد پارامترهای ژنتیکی مرتبط با این صفات و شناسایی آثار ژن‌ها از طریق تجزیه میانگین نسل‌ها گردید.

### مواد و روش‌ها

والدین ( $P_1$  -  $P_2$ ) و نسل‌های  $F_1$  و  $F_2$ ,  $F_3$  و  $F_{12}$  حاصل از تلاقی دو رقم گندم دوروم-*Oste*-Massara-1 به عنوان والد متحمل و *Gata* به عنوان والد حساس به خشکی در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با دو تکرار در هریک از شرایط آبیاری بدون تنش و تنش رطوبتی در مرحله ۵۰ درصد سنبله‌دهی در مزرعه تحقیقاتی دانشگاه صنعتی اصفهان واقع در منطقه لورک نجف آباد کاشته شدند، به این ترتیب که در هر تکرار پنج ردیف به هریک از والدین، یک ردیف به  $F_1$ , پنج ردیف به  $F_2$  و ۱۵۱ خانواده

تشخیص لزوم تولید دورگ یا لاین خالص و نیز پیش‌بینی احتمال به دست آمدن لاین‌هایی که بهتر از لاین‌های اولیه هستند، مهم می‌باشد (Jinks and Pooni, 1979). وجود غالیت و اپیستازی تکمیلی کارائی انتخاب را در نسل‌های اولیه کاهش می‌دهد و هرچه سهم اثر غالیت در توارث صفت بیشتر باشد توارث صفت پیچیده‌تر است. انتخاب بهترین روش اصلاحی و موقیت آن به میزان اطلاع از کنترل ژنتیکی صفت موردنظر و نحوه توارث آن بستگی دارد (Dixit, 1998). شیخ و همکاران (Sheikh *et al.*, 2000) نشان دادند که صفت ارتفاع بوته توسط ژن‌هایی با اثر افزایشی کنترل می‌شود، بنابراین امکان اصلاح این صفت به واسطه گزینش در نسل‌های اولیه وجود خواهد داشت. می‌شرا و همکاران (Mishra *et al.*, 1996) اثر فوق غالیت را برای صفت سطح برگ پرچم گزارش کردند. چاودری و همکاران (Chowdhry *et al.*, 1999) که برای صفت سطح برگ پرچم نوع ژن‌های دخیل در شرایط محیطی تنش و عدم تنش خشکی تفاوت داشته و در شرایط بدون تنش ژن‌هایی با اثر افزایشی و در شرایط تنش ژن‌هایی با اثر فوق غالیت مهم هستند. شارما و ساین (Sharma and Sain, 2002a) با استفاده از مدل ده پارامتری به مطالعه آثار ژن‌ها برای صفت سطح پدانکل (طول پدانکل × قطر پدانکل  $\times$  ۳/۱۴۱۶) در گندم دوروم پرداخته و

$D=8F_3 - 3P_1 - P_2 - 3P_2 - 2F_1$  و  $C=4F_2 - 2F_1 - P_1 - P_2$   
به کار رفت. در حالت عدم وجود اپیستازی باید این معادله ها برابر با صفر باشند.  
واریانس های مربوط به هر کدام از آزمون های وزنی به صورت زیر محاسبه شدن:

$$V_C = 16V_{F2} + 4V_{F1} + V_{P1} + V_{P2}$$

$$V_D = 64V_{F3} - 9V_{P1} - 9V_{P2} - 4V_F$$

که در آن ها  $V_C$  و  $V_D$  برابر با واریانس برآورده  $C$  و  $D$  است. آزمون مقیاس مشترک نیز به منظور استفاده از ترکیب تمام سری های آزمون مقیاس به جای آزمون کردن تک تک روابط و استفاده از اطلاعات کلیه نسل ها به کار رفت. در این روش پارامترهای مدل از میانگین تمامی نسل های موجود برآورد می شود و سپس میانگین های مشاهده شده با میانگین های مورد انتظار که از برآورد پارامترهای مذکور حاصل می شود، مقایسه می گردد. به همین منظور پارامترهای مختلف ژنتیکی با استفاده از نسل های والدین  $P_1$ ،  $F_1$ ،  $F_2$  و  $F_3$  و با استفاده از روش حداقل توان های دوم برآورد شد. در این مطالعه هر پنج نسل با مدل های دو، سه، چهار و پنج پارامتری آزمون شدند تا بهترین مدلی که می تواند میانگین ها را توجیه کند، بدست آید. تمام مدل ها به وسیله آزمون مقیاس مشترک ( $\chi^2$ ) با چهار، سه، دو و یک درجه آزادی مورد مقایسه قرار گرفتند (Mather and Jinks, 1982). اجزای واریانس ژنتیکی و همچنین واریانس اثر محیطی یعنی مقادیر  $D$ ,  $H$ ,  $E_1$  و  $E_2$  براساس روش هالوور و میراندا

هر کدام در یک ردیف کاشته شدند. برای تمام نسل ها، طول هر ردیف سه متر، فاصله بوته پنج سانتی متر و فاصله ردیف ۳۰ سانتی متر انتخاب شد. لازم به ذکر است که این دو رقم در طی آزمایش از ریابی ۴۵۰ ژنو تیپ گندم دوروم در سالهای ۱۳۷۷ و ۱۳۷۸ در چهار منطقه مختلف مرکزی و غربی ایران گزینش شدند (Arzani, 2002). صفات ارتفاع بوته، طول برگ پرچم، عرض برگ پرچم، طول پدانکل، طول ریشک و طول سنبله در ده بوته از هر ردیف والدی،  $F_1$  و  $F_2$  و تک بوته های  $F_3$  یادداشت برداری شد.

برآورده اثر ژنتیکی با استفاده از تجزیه و تحلیل میانگین نسل ها در هریک از شرایط محیطی به طور جداگانه از روش ماتر و جینکز (Mather and Jinks, 1982) انجام شد. میانگین کلی هر صفت در این روش به صورت زیر محاسبه شد:

$$Y = m + \alpha[d] + \beta[h] + \alpha^2[i] + 2\alpha\beta[j] + \beta^2[l]$$

در این فرمول  $Y$ : میانگین یک نسل،  $m$ : میانگین تمام نسل ها،  $[d]$ : مجموع اثر افزایشی،  $[h]$ : مجموع اثر غالیت،  $[i]$ : مجموع اثر متقابل بین اثر بین اثر افزایشی،  $[j]$ : مجموع اثر متقابل بین اثر غالیت،  $[l]$ : مجموع اثر متقابل بین اثر غالیت و اثر افزایشی،  $\alpha$ ,  $\beta$ ,  $\alpha^2$ ,  $\beta^2$ : ضرایب هر یک از پارامترهای مدل هستند..

آزمون های انفرادی وزنی به منظور آزمون معنی داری انحراف از صفر در دو معادله

Hallauer and. Miranda, 1985) و با

استفاده از امید ریاضی مربوطه به صورت زیر محاسبه شد:

$$V_F^2 = 1/2D + 1/4H + E_2$$

$$v_{F3}^- = 1/2D + 1/16H + E_1 = (M_{32} - M_2)/r$$

$$\bar{v}_{F3} = 1/4D + 1/8H + E_2 = M_{12}$$

$$M_2/r = E_1 \quad M_{11} = E_2$$

بر اساس معادلات ارائه شده، واریانس گیاهان  $F_2$  ( $V_{F2}$ )، واریانس میانگین‌های نتاج  $F_3$  ( $\bar{V}_{F3}$ )، میانگین واریانس‌های نتاج ( $\bar{V}_{F3}^-$ )، واریانس میانگین‌های نسل‌های تفرق ناپذیر ( $E_1$ ) و میانگین واریانس نسل‌های تفرق ناپذیر ( $E_2$ ) هستند.

مقادیر متفاوت وراثت پذیری، هتروزیس نسبت به والد برتر و میانگین والدین و آثار سوء ناشی از خویش آمیزی، مطابق فرمول‌های زیر محاسبه شد:

$$h^2_b = [V_{F2} - \{(V_{P1} + V_{P2} + 2V_{F1})\}/4]/V_{F2}$$

(Allard, 1960)

$$h^2_b = [V_{F2} - (\sqrt{V_{P1} \times V_{P2}})]/V_{F2}$$

(Mahmud and Kramer, 1951)

$$h^2_b = [V_{F2} - (\sqrt[3]{V_{P1} \times V_{P2} \times 2V_{F1}})]/V_{F2}$$

(Warner, 1952)

$$H_t = [(F_1 - P_m)/P_m] \times 100$$

$$H_b = [(F_1 - MP)/MP] \times 100$$

$$I_n = [(F_2 - F_1)/F_1] \times 100$$

نرم افزارهای آماری SAS، SPSS و MATLAB جهت محاسبات به کار گرفته شد.

تجزیه واریانس و امید ریاضی والدین،  $F_1$  و  $F_3$  های آزمون شده در جدول ۱ نشان داده شده است. نتایج حاصل از تجزیه واریانس نشان داد که تفاوت معنی‌داری بین نسل‌های مختلف برای صفات مورد بررسی به جز صفت عرض برگ پرچم در شرایط نرمال و تنفس خشکی وجود دارد (جدول ۲)، لذا تجزیه ژنتیکی و بررسی نحوه توارث برای این صفات امکان‌پذیر بود. میانگین و خطای معیار هریک از صفات اندازه گیری شده در نسل‌های مختلف، در دو شرایط محیطی در جدول ۳ نشان داده شده است. قرار گرفتن نتاج در حد واسطه دو والد برای بعضی از صفات می‌تواند نشانه وجود آثار افزایشی در کنترل این صفات باشد. از طرف دیگر میانگین صفات در  $F_1$  حاصل از تلاقی دو والد در بعضی از صفات از قبیل ارتفاع بوته و طول پدانکل به یکی از والدین نزدیک‌تر بود که این وضعیت حاکی از وجود غالیت نسبی و یا غالیت کامل در این گونه صفات است. نکته قابل توجه دیگر در مورد اکثر صفات این بود که میانگین هیبریدهای  $F_1$  بیش از جمعیت‌های  $F_2$  مربوطه بود که دلیل آن را می‌توان به آثار سوء ناشی از خویش آمیزی ربط داد. میانگین صفات در والد دوم (Oste-Gata) برای کلیه صفات و در هر دو شرایط محیطی بیش از والد اول بود. میزان خطای معیار در نسل‌های مختلف معرف تفاوت افراد مختلف در داخل نسل‌ها بود

### جدول ۱- تجزیه واریانس و امید ریاضی والدین، F<sub>1</sub> و F<sub>3</sub> های آزمون شده در یک محیط

Table 1. Analysis of variance and expected value of mean squares of two inbred parents, their F<sub>1</sub> hybrids, and F<sub>3</sub> entries tested in one environment

| Source of variation            | منابع تنوع                   | Mean squares | میانگین مربعات موردنظر<br>Expected mean squares |
|--------------------------------|------------------------------|--------------|---|
| Replication                    |                              |              |   |
| Entries                        |                              | M3           |   |
| Among generations              | بین نسل‌ها                   | M31          | $\sigma^2 + r\sigma_g^2$                        |
| Among F <sub>3</sub> progenies | بین نتاج نسل F <sub>3</sub>  | M32          | $\sigma^2 + r\sigma_{F3}^2$                     |
| Error                          |                              | M2           | $\sigma^2$                                      |
| Total                          |                              |              |   |
| Within                         |                              |              |   |
| F <sub>3</sub> entries         | داخل نتاج نسل F <sub>3</sub> | M12          | $\sigma_{wg}^2 + \sigma_{we}^2$                 |
| Homogeneous entries            | داخل نسل‌های بدون تفرق       | M11          | $\sigma_{we}^2$                                 |

### جدول ۲- میانگین مربعات صفات مختلف در نسل‌های حاصل از تلاقی دو رقم گندم دوروم

Table 2. Analysis of variance for different traits in different generations of cross between two durum wheat cultivars

| Traits           | صفات         | محیط Environments | S.O.V. منابع تنوع |             |        |
|------------------|--------------|-------------------|-------------------|-------------|--------|
|                  |              |                   | Replication       | Generations | Error  |
| Plant height     | ارتفاع بوته  | Non-stress        | 26493.30 **       | 5319.30 **  | 425.50 |
|                  |              | Stress            | 9891.10 **        | 4268.14 **  | 192.15 |
| Peduncle lenght  | طول پدانکل   | Non-stress        | 3414.80 **        | 134.60 *    | 76.76  |
|                  |              | Stress            | 10.80 ns          | 125.70 *    | 98.90  |
| Spike length     | طول سنبله    | Non-stress        | 19.25 ns          | 16.10 *     | 6.84   |
|                  |              | Stress            | 2.39 ns           | 12.70 **    | 1.90   |
| Awn length       | طول ریشک     | Non-stress        | 3.84 ns           | 52.90 **    | 7.64   |
|                  |              | Stress            | 4.41 ns           | 33.15 **    | 6.70   |
| Flag leaf length | طول برگ پرچم | Non-stress        | 2.69 ns           | 82.47 **    | 23.14  |
|                  |              | Stress            | 35.70 **          | 42.70 **    | 11.60  |
| Flag leaf width  | عرض برگ پرچم | Non-stress        | 0.78 ns           | 1.08 ns     | 0.6    |
|                  |              | Stress            | 0.12 ns           | 0.41ns      | 0.43   |

ns, \* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطوح احتمال ۱ درصد، ۵ درصد و غیرمعنی دار.

ns, \* and \*\*: Not significant, significant at the 5% and 1% probability levels, respectively.

عدم تنش رطوبتی اثر غالیت و افزایشی نقش عمدۀ را در کنترل توارث صفات ایفا کردند و لذا معنی دار شدن اجزاء افزایشی و غالیت بیانگر اهمیت اثر افزایشی و غیر افزایشی ژن‌ها در کنترل ژنتیکی این صفات است. علامت مثبت یا منفی در اثر افزایشی ژن‌ها (d) بستگی به این دارد که کدام والد به عنوان  $P_1$  و کدام والد به عنوان  $P_2$  در نظر گرفته شود (Cukadar-Olmedo and Miller, 1997) در اثر غالیت ژن‌ها (d) علامت آن تابعی از میانگین نسل  $F_1$  در رابطه با میانگین والدین است و نشان می‌دهد که کدام والد در اثر غالیت ژن‌ها نقش دارد (Miller and Pikett, 1956) علامت منفی برای پارامتر  $h$  نشان دهنده غالیت نسبی در جهت کاهش صفت مربوطه است درجه غالیت برای صفت ارتفاع بوته کمتر از یک بود و نشانه غالیت ناقص است، اما نزدیکی فرد هتروزیگوت به افراد هموزیگوت گزینش را دچار خطا می‌کند. مقدار مثبت درجه غالیت در این صفت نشانه غالیت نسبی به طرف والد پابلندتر یعنی والد متحمل به خشکی بود. در صفات طول برگ پرچم و طول پدانکل درجه غالیت بزرگ‌تر از یک بود که معرف وجود پدیده فوق غالیت در این دو صفت است که ممکن است ناشی از تجمع آثار تعداد زیادی ژن با غالیت جزیی یا کامل و پیوستگی ژن‌های غالب مطلوب و مغلوب نامطلوب است

و بر این اساس نسل‌های  $F_2$  و  $F_3$  بیشترین مقادیر خطای معیار را نشان دادند.

نتایج تجزیه میانگین نسل‌ها بر اساس آزمون مقیاس مشترک برای همه صفات و در دو محیط نرمال و تنش خشکی در جدول ۴ ارائه شده است. در هر دو محیط رطوبتی و برای همه صفات، مدل سه پارامتری مشتمل بر  $[d]$ ,  $[m]$  و  $[h]$  بهترین برآذش را در سطح معنی دار یک درصد داشتند. لازم به ذکر است که در مورد صفات ارتفاع بوته و طول پدانکل مدل ۴ پارامتری  $[d]$ ,  $[m]$  و  $[h]$  و اثر متقابل افزایشی در افزایشی در احتمال ۵ درصد بهترین برآذش را در شرایط تنش محیطی نشان داد. نتایج تجزیه میانگین نسل‌ها در آزمون‌های وزنی انفرادی (C,D) نیز نشان داد که در شرایط نرمال هیچ‌کدام از آزمون‌های وزنی انفرادی اختلاف معنی داری با صفر در محدوده اشتباہ آزمایشی نداشتند (جدول ۷). این وضعیت در شرایط محیطی تنش رطوبتی نیز برای همه صفات بجز ارتفاع بوته و طول پدانکل دیده شد، بنابراین فرض عدم وجود اپیستازی برای این دو صفت رد می‌شود. نتایج آزمون‌های وزنی انفرادی به خوبی با نتایج آزمون مقیاس مشترک هماهنگی داشت و بیانگر نکوئی مدل افزایشی-غالیت در شرایط محیطی نرمال و وجود اثر متقابل افزایشی در افزایشی در سطح احتمال معنی دار ۵ درصد و در شرایط محیطی تنش رطوبتی در جمعیت مورد مطالعه بود. برای صفات ارتفاع بوته، طول برگ پرچم و طول پدانکل در شرایط تنش و

**جدول ۳- میانگین‌ها و خطای معیار صفات در نسل‌های مختلف حاصل از تلاقی دو رقم گندم دوروم**  
**Table 3. Mean along with standard error of different traits in different generations of cross between two durum wheat cultivars**

| Traits           | صفات         | محیط Environments | P1        | P2         | F1        | F2         | F3         |
|------------------|--------------|-------------------|-----------|------------|-----------|------------|------------|
| Plant height     | ارتفاع بوته  | Non-stress        | 89.97±7.4 | 104.1±10.1 | 90.7±10.7 | 88.89±17.2 | 91.99±12.3 |
|                  |              | Stress            | 94.94±5.9 | 109±6.9    | 97.3±7.9  | 89.15±15.3 | 96.85±13.2 |
| Peduncle length  | طول پدانکل   | Non-stress        | 40.60±6.8 | 42.3±7.9   | 38.0±7.6  | 39.20±9.3  | 41.60±8.2  |
|                  |              | Stress            | 43.09±4.7 | 49.4±2.3   | 44.5±4.8  | 39.80±9.8  | 43.94±7.2  |
| Spike length     | طول سنبله    | Non-stress        | 6.50±0.6  | 8.2±0.7    | 7.0±0.84  | 7.13±2.1   | 7.44±2.3   |
|                  |              | Stress            | 6.27±0.5  | 7.9±0.4    | 7.6±0.54  | 7.95±1.5   | 7.16±1.1   |
| Awn length       | طول ریشک     | Non-stress        | 11.11±1.2 | 13.1±1.5   | 11.5±1.3  | 10.98±1.9  | 12.30±1.8  |
|                  |              | Stress            | 11.58±0.9 | 14.0±1.2   | 14.4±1.5  | 11.57±5.9  | 12.18±4.7  |
| Flag leaf length | طول برگ پرچم | Non-stress        | 18.80±3.1 | 20.6±3.7   | 17.1±2.6  | 16.80±4.9  | 18.70±4.7  |
|                  |              | Stress            | 19.54±2.4 | 21.0±2.7   | 15.1±2.1  | 18.06±3.6  | 20.11±3.4  |

**جدول ۴- برآورد میانگین و اجزاء ژنتیکی و خطای استاندارد در آزمون مدل سه پارامتری برای صفات مختلف در شرایط محیطی نرمال و تنفس رطوبتی**

**Table 4. Estimation of mean and genetical components and standard error in three parameters scaling for different traits under normal and stress conditions**

| صفات             |              | محیط Environments | m             | [d]           | [h]           | h/d   | $\chi^2$ |
|------------------|--------------|-------------------|---------------|---------------|---------------|-------|----------|
| Plant height     | ارتفاع بوته  | Non-stress        | 96.93±0.06 ** | -8.36±0.08 ** | -6.03±0.12 ** | 0.72  | 4.44     |
|                  |              | Stress            | 87.75±0.08 ** | -9.83±0.11 ** | -5.01±0.15 ** | 0.51  | 6.57 *   |
| Peduncle length  | طول پدانکل   | Non-stress        | 40.59±0.08 ** | 0.41±0.09 **  | -2.09±0.15 ** | -5.10 | 0.022    |
|                  |              | Stress            | 39.92±0.14 ** | 1.32±0.21 **  | -4.92±0.28 ** | -3.53 | 6.9 *    |
| Spike length     | طول سنبله    | Non-stress        | 7.52±0.54 **  | -0.81±0.26 *  | -0.52±1.03 ns | 0.64  | 0.01     |
|                  |              | Stress            | 7.48±0.89 **  | -0.79±0.16 *  | 0.55±1.30 ns  | -0.73 | 0.04     |
| Awn length       | طول ریشک     | Non-stress        | 12.21±0.42 ** | -0.97±0.16 ** | -1.22±0.90 ns | 1.25  | 0.04     |
|                  |              | Stress            | 11.45±0.46 ** | -1.46±0.64 ** | 1.20±0.88 ns  | -0.82 | 0.61     |
| Flag leaf length | طول برگ پرچم | Non-stress        | 19.47±0.17 ** | -0.96±0.20 ** | -3.33±0.40 ** | 3.47  | 0.11     |
|                  |              | Stress            | 21.17±0.22 ** | -0.65±0.21 ** | -7.69±0.33 ** | 11.80 | 5.43     |

\*, \*\* و ns: به ترتیب معنی دار در سطوح احتمال ۱ درصد، ۵ درصد و غیرمعنی دار.

Ns, \* and \*\*: Not significant, significant at the 5% and 1% probability levels, respectively.

از این دو والد تجمع یافته است و هرچند آثار افزایشی در تجزیه میانگین صفت طول پدانکل معنی دار شده است ولی مقادیر آن کوچک‌تر از آثار غالیت است. والیا و همکاران

(Falconer, 1989). تخمین بیشتر مقادیر h نسبت به d در صفات طول پدانکل، طول ریشک و طول برگ پرچم نشان داد که ژن‌های غالب موجود در والدین در هیبریدهای حاصل

قیل ارتفاع بوته، طول سنبله، وزن هزاردانه و عملکرد دانه پی بردنده. شارما و ساین (Sharma and Sain, 2002a) اثر افزایشی بیشتری را در مقایسه با اثر غالیت برای صفت سطح پدانکل در گندم دوروم گزارش کردند. دهاندا و ستی (Dhanda and Sethi, 1996) در تجزیه ژنتیکی صفات مختلف گندم نان در دو شرایط محیطی نرمال و تنفس خشکی مشخص کردند که هر دو نوع اثر ژنی افزایشی و غالیت نقش مهمی را در کنترل وراثت صفات در هر دو شرایط محیطی دارند اما برای صفات مختلف میزان اهمیت این اثرا در محیط های مختلف متفاوت بود. در مطالعه ای با استفاده از نسل های مختلف گندم نان مشخص شد که مدل افزایشی - غالیت برای اکثر صفات مورد بررسی به علت وجود آثار متقابل غیر آللی مناسب نبود (Mostafavi *et al.*, 2005).

مقادیر واریانس گیاهان  $F_2$  ( $V_{F2}$ )، واریانس میانگین های نتاج  $F_3$  ( $V_{F3}$ )، میانگین واریانس های نتاج  $F_3$  ( $\bar{V}_{F3}$ ) و میانگین واریانس و واریانس میانگین نسل های تفرق ناپذیر در جدول ۵ آمده است. با استفاده از این واریانس ها اجزای تنوع D, H, E1, E2, برآورد شدند (جدول ۶). جزء غالیت (H) برای اکثر صفات و در هر دو محیط نرمال و تنفس خشکی بیش از جزء افزایشی بود. این تفاوت در صفات ارتفاع بوته، طول پدانکل و طول برگ پرچم بسیار بیشتر بود که نشانگر اهمیت جزء غالیت است. متوسط غالیت ژنی ( $H/D^{1/2}$ ) نیز در اکثر

(Walia *et al.*, 1995) در مطالعه خود بر روی گندم نان با استفاده از روش تجزیه و تحلیل میانگین نسل ها با این نتیجه رسیدند که اثر متقابل افزایشی در افزایشی در کنترل ژنتیکی صفات ارتفاع بوته و عملکرد دانه گیاه نقش مهمی دارد که برای استفاده در برنامه های به نژادی حائز اهمیت فراوان است. در مطالعه شهبازی (Shahbazi, 2005) درجه غالیت برای کلیه صفات مورد بررسی در گلرنگ کمتر از یک به دست آمد که معرف وجود غالیت ناقص برای صفات بود.

برای صفات طول سنبله و طول ریشک اثر افزایشی نسبت به اثر غالیت نقش بارز تری را در کنترل توارث این صفات ایفا کرد. لذا گزینش بر اساس این دو صفت می تواند موثر باشد و آثار ژنی قابل تثیت برای این دو صفت از والدین به نتاج منتقل می شود. درجه غالیت برای صفت طول سنبله کمتر از یک و به صورت منفی در شرایط تنفس رطوبتی و به صورت مثبت در شرایط نرمال بود که به ترتیب نشانه جهت گیری غالیت نسبی به سمت والد با میانگین کوچک تر و بزرگ تر است و نشان می دهد که شرایط محیطی در بروز آثار ژن ها اثر گذاشته و جهت آن را به سمت هر یک از دو والد تغییر می دهد. باقی زاده و همکاران (Baghizadeh *et al.*, 2004) در تجزیه ژنتیکی صفات کمی جو با استفاده از پنج نسل والدین  $P_1$ ,  $P_2$ ,  $F_1$ ,  $F_2$  و  $F_3$  به اهمیت بیشتر اثر غالیت نسبت به اثر افزایشی در صفات مورد بررسی از

**جدول ۵- واریانس‌های مختلف اندازه‌گیری شده در نسل‌های مورد ارزیابی**  
**Table 5. Different variances measured in evaluated generations**

| Variances                                      | محیط<br>Environments | ارتفاع بوته<br>Plant height | طول پدانکل<br>Peduncle length | طول سنبه<br>Spike length | طول ریشک<br>Awn length | طول برگ پرچم<br>Flag leaf length |
|--|----------------------|-----------------------------|-------------------------------|--------------------------|------------------------|----------------------------------|
|  |                      | Non-stress                  | 296.21                        | 86.04                    | 1.15                   | 1.86                             |
| $(V_{F_2})F_2$<br>واریانس                      | Stress               | 337.80                      | 95.95                         | 1.31                     | 26.00                  | 13.40                            |
|  | Non-stress           | 61.59                       | 8.23                          | 0.335                    | -0.44                  | -2.04                            |
| $(V_{F_3})F_3$<br>واریانس میانگین نتاج         | Stress               | 25.68                       | 1.36                          | 0.355                    | 0.43                   | 0.07                             |
|  | Non-stress           | 17.41                       | 6.91                          | 0.22                     | 0.53                   | 11.26                            |
| میانگین واریانس‌های نتاج<br>$(V_{F_3})F_3$     | Stress               | 20.55                       | 11.11                         | 1.07                     | 0.39                   | -0.33                            |
|  | Non-stress           | 13.18                       | 5.04                          | 0.105                    | 0.60                   | 2.21                             |
| واریانس میانگین نسل‌های تفرق‌ناپذیر ۱<br>$E_1$ | Stress               | 33.56                       | 10.08                         | 0.115                    | 0.31                   | 1.37                             |
|  | Non-stress           | 64.85                       | 55.17                         | 0.52                     | 1.54                   | 8.75                             |
| میانگین واریانس نسل‌های تفرق‌ناپذیر ۲<br>$E_2$ | Stress               | 30.60                       | 11.00                         | 0.25                     | 1.05                   | 7.45                             |

**جدول ۶- اجزای واریانس برای صفات مختلف در شرایط نرمال و تنفس رطوبتی**  
**Table 6. Variation components fr different traits under normal and stress conditions**

| Traits           | صفات                             | محیط<br>Environments | D       | H      | $E_1$ | $E_2$ | $H/D^{1/2}$ |
|------------------|----------------------------------|----------------------|---------|--------|-------|-------|-------------|
| Plant height     | ارتفاع بوته<br>Plant height      | Non-stress           | 37.25   | 876.75 | 13.18 | 64.85 | 4.80        |
|                  |                                  | Stress               | -178.25 | 759.11 | 33.56 | 30.60 | 2.06        |
| Peduncle length  | طول پدانکل<br>Peduncle length    | Non-stress           | 11.86   | 305.41 | 5.04  | 55.17 | 5.07        |
|                  |                                  | Stress               | -29.95  | 278.90 | 10.08 | 11.00 | 3.05        |
| Spike length     | طول سنبه<br>Spike length         | Non-stress           | 0.64    | 2.60   | 0.10  | 0.50  | 2.01        |
|                  |                                  | Stress               | 1.96    | 1.36   | 0.11  | 0.25  | 0.83        |
| Awn length       | طول ریشک<br>Awn length           | Non-stress           | -1.33   | 9.18   | 0.60  | 1.54  | 2.60        |
|                  |                                  | Stress               | -12.23  | 108.20 | 0.31  | 1.05  | 2.90        |
| Flag leaf length | طول برگ پرچم<br>Flag leaf length | Non-stress           | 5.53    | 43.08  | 2.21  | 8.75  | 2.70        |
|                  |                                  | Stress               | -7.46   | 57.43  | 1.37  | 7.45  | 7.70        |

احتمالاً می‌توانند ناشی از خنثی شدن اثر ژنی مثبت و منفی مسئول غالیت در بیشتر مکان‌های ژنی باشد. Dhandha و Sethi (Dhandha and Sethi, 1996) نیز در مطالعه

صفات و محیط‌های اعمال شده بزرگ‌تر از یک بود که بیانگر اهمیت جزء غالیت است. این نتایج با بخشی از نتایج به دست آمده از تجزیه میانگین نسل‌ها مطابقت نداشت که

رطوبتی در دامنه‌ای بین ۰/۷۸ تا ۰/۸۸ و در شرایط عدم تنفس رطوبتی در دامنه‌ای بین ۰/۲۱ تا ۰/۷۵، قرار داشتند که احتمالاً معرف زیادتر بودن تنوع ژنتیکی نسبت به تنوع محیطی و همچنین ادغام اثر متقابل ژنوتیپ در محیط در جامعه مورد نظر است. لازم به ذکر است که این برآوردها به علت عدم تکرار آزمایش در چند سال و مکان از اعتبار کافی برخوردار نبوده و مقدار آن‌ها بیش از حد واقعی برآورد می‌شود. میزان وراثت‌پذیری در شرایط تنفس رطوبتی بیش از شرایط نرمال تخمين زده شد که دلیل آنرا می‌توان به زیادتر بودن تنوع ژنتیکی نسل‌های مورد مطالعه و به ویژه نسل  $F_2$  در شرایط تنفس رطوبتی و عدم اعمال تنفس شدید بروی ژنوتیپ‌ها نسبت داد. اگرچه وراثت‌پذیری عمومی به خوبی وراثت‌پذیری خصوصی نمی‌تواند سهم ژنتیکی تنوع را مشخص نماید اما بالا بودن میزان آن معرف انتقال صفات از والدین به نتاج و سرعت پیشرفت تحت گزینش متعاقب تلاقي دو لاین است. باید توجه داشت که مقدار وراثت‌پذیری تحت تاثیر نوع صفت، جمعیت مورد مطالعه و شرایط محیطی دربرگیرنده افراد تحت بررسی و نحوه اندازه‌گیری فوتیپ موردنظر بوده و در یک جمعیت معین و تحت شرایط معین به دست آمده و قبل تعمیم به شرایط و جمعیت‌های دیگر نیست (Sadrabady *et al.*, 1996). ایکرم و تاناخ (Ikram and Tanach, 1991) در گندم دوروم

خود به همین تناقض دست یافتند. اصولاً تخمین اثرهای مختلف ژنی با صادق بودن فرضیاتی از قبیل تفرق دیپلوئیدی، هموزیگوت بودن والدین، عدم وجود آللهای چندگانه، عدم وجود پیوستگی ژنی و عدم وجود اثر متقابل محیط و ژنوتیپ قابل دستیابی است. دو فرض اول در جمعیت‌های گندم صادق است اما در مورد سایر فرضیات، هرگونه انحرافی از آن‌ها منجر به برآوردهای ناصحیح از اثرهای ژنی می‌شود (Kempfhone, 1957). نکته قابل توجه در بررسی اجزاء تنوع این بود که جزء ارشی تنوع (D,H) در همه صفات بسیار بزرگ‌تر از بخش تنوع محیطی ( $E_1, E_2$ ) بود و از آنجایی که واریانس محیطی منبع خطایی است که از دقت مطالعات ژنتیکی می‌کاهد می‌توان به صحت نتایج بدست آمده از نظر تاثیر کم محیط بر آن اطمینان بیشتری داشت. نکته دیگر این که اثر ژن‌ها در دو محیط متفاوت رطوبتی تغییر قابل توجهی نداشت که دلیل آن را می‌توان به زمان اعمال تنفس در شروع رشد زایشی و تاثیر کمتر آن بر مراحل رشد رویشی ربط داد زیرا عمدۀ تغییرات صفات مورد مطالعه در مراحل رویشی رخ می‌دهد.

برآوردهای وراثت‌پذیری عمومی، میزان هتروزیس و پس روی خوش آمیزی در جدول ۷ آورده شده است. قابلیت توارث‌پذیری عمومی برای صفات ارتفاع بوته، طول پدانکل و طول سنبله نسبت به سایر صفات بیشترین مقدار را نشان داد به طوری که در شرایط تنفس

می توان در جهت تولید ژنوتیپ های پاکوتاه در شرایط عدم تنفس بهره گرفت. این وضعیت تنها برای صفات ارتفاع بوته و طول پدانکل در شرایط تنفس رطوبتی صادق بود. میزان هتروزیس نسبت به والد برتر بیشترین مقدار را برای صفات ارتفاع بوته و طول پدانکل در شرایط تنفس رطوبتی نشان داد اما در شرایط عدم تنفس رطوبتی میزان هتروزیس برای همه صفات به جز طول پدانکل به یک میزان بود و بیشترین مقدار در صفت طول برگ پرچم (۱۷/۳۵) دیده شد. در بسیاری از گزارش ها عنوان شده که بیان هتروزیس بستگی به سطح غالیت ژن های کنترل کننده صفات دارد (Mather and Jinks, 1982) و هتروزیس در اثر غالیت کامل یا نسبی ایجاد می شود که از طریق جمع شدن آلل های مطلوب غالب از هر دو والد در هیرید حاصل می شود. از طرف دیگر پدیده فوق غالیت هم عاملی در جهت ایجاد هتروزیس بوده و باعث می شود تا ارزش ژنوتیپ هتروزیگوت نسبت به ارزش هریک از ژنوتیپ های هموزیگوت بیشتر باشد (Comstock and Robinson, 1948). در عین حال عده ای معتقدند که هتروزیس ناشی از اثر متقابل بین مکان های ژنی یا اپیستازی است و برخی دیگر عوامل وراثتی سیتوپلاسم و اثر متقابل آنها با فاکتور های وراثتی هسته را در هتروزیس دخیل می دانند (Larik *et al.*, 1995).

قابلیت توارث عمومی را برای ارتفاع بوته ۰/۸۵، طول پدانکل ۰/۵۵ و طول سنبله ۰/۶۶ گزارش کردند. بهوتا و میشرا (Bhutta and Mishra, 1995) نیز با استفاده از تجزیه و تحلیل میانگین نسل ها در گندم دامنه وراثت پذیری عمومی را برای صفات مورفولوژیک و زراعی مورد مطالعه از ۹۱ تا ۵۰ درصد گزارش کردند. در تحقیقی که به وسیله تجزیه ژنتیکی نسل های مختلف جو انجام شده بود، وراثت پذیری عمومی به سه روش آlard (۱۹۶۰)، محمود و کرامر (۱۹۵۱) و وارنر (۱۹۵۲) محاسبه شد که بر اساس هر سه روش مقدار این پارامتر به یک میزان برآورد شد و مقدار آن برای صفات ارتفاع بوته و طول سنبله به ترتیب معادل ۰/۸۸ و ۰/۸ تخمین زده شد (باقي زاده و همکاران، ۲۰۰۴). مقدار این پارامتر در مطالعه دیگری که بر روی گندم نان انجام شده بود برای صفات ارتفاع بوته، طول سنبله و طول ریشک به ترتیب معادل ۰/۶۴، ۰/۶۳ و ۰/۹۵ به دست آمد (مصطفوی و همکاران، ۲۰۰۵).

میزان هتروزیس یا برتری هیرید نسبت به میانگین والدین بیشترین مقدار را برای صفات طول ریشک، طول برگ پرچم و ارتفاع بوته در شرایط تنفس رطوبتی (به ترتیب ۸/۲، ۱۲/۵، ۸/۱ و ۷/۱) و عدم تنفس رطوبتی (به ترتیب -۸/۱، -۶/۱، -۱۳/۵) نشان دادند. مقادیر هتروزیس در شرایط عدم تنفس رطوبتی برای کلیه صفات مقدار منفی نشان داد، لذا از نتایج این تلاقي

جدول ۷- برآورد وراثت پذیری عمومی، هتروزیس، آثار سوء ناشی از خویش آمیزی و مقادیر آزمون های انفرادی برای صفات مختلف در دو شرایط محیطی تنش و عدم تنش رطوبتی

Table 7. Estimation of broadsense heritability, heterosis, inbreeding depression and the amount of scaling test for different traits under stress and non- stress environments

| صفات<br>Traits   | محیط<br>Environments | وراثت پذیری عمومی<br>( $h^2_b$ ) |                     |        | هتروزیس<br>Heterosis |                | Inbreeding<br>depression | آزمون های انفرادی<br>Scaling tests |        |        |
|------------------|----------------------|----------------------------------|---------------------|--------|----------------------|----------------|--------------------------|------------------------------------|--------|--------|
|                  |                      | Allard                           | Mahmoud<br>& Kramer | Warner | Mean<br>parents      | High<br>parent |                          | C                                  | D      |        |
|                  |                      |                                  |                     |        |                      |                |                          |                                    |        |        |
| Plant height     | ارتفاع بوته          | Non-stress                       | 0.67                | 0.75   | 0.71                 | -6.07          | -12.94                   | -1.85                              | -18.38 | -15.60 |
|                  |                      | Stress                           | 0.84                | 0.87   | 0.86                 | -7.13          | -15.11                   | -15.70                             | -95.50 | -48.53 |
| Peduncle length  | طول پدانکل           | Non-stress                       | 0.24                | 0.21   | 0.25                 | -5.67          | -5.02                    | 5.54                               | 3.85   | 5.04   |
|                  |                      | Stress                           | 0.81                | 0.88   | 0.85                 | -2.76          | -4.15                    | -19.24                             | -54.57 | -12.21 |
| Spike length     | طول سنبله            | Non-stress                       | 0.48                | 0.55   | 0.53                 | -4.62          | -14.53                   | 1.88                               | -0.15  | 1.51   |
|                  |                      | Stress                           | 0.78                | 0.80   | 0.79                 | 4.45           | -2.53                    | 4.44                               | 2.00   | 1.84   |
| Awn length       | طول ریشک             | Non-stress                       | 0.02                | 0.02   | 0.02                 | -8.15          | -15.24                   | -1.45                              | -2.62  | 3.17   |
|                  |                      | Stress                           | 0.43                | 0.45   | 0.44                 | 12.55          | 2.86                     | -17.35                             | -7.34  | -5.99  |
| Flag leaf length | طول برگ پرچم         | Non-stress                       | 0.25                | 0.17   | 0.23                 | -13.48         | -17.35                   | -1.15                              | -6.10  | -2.59  |
|                  |                      | Stress                           | 0.35                | 0.44   | 0.38                 | 8.16           | 4.42                     | -16.60                             | -8.14  | -5.34  |

مغلوب نامطلوبی که توسط آلل‌های غالب والد پوشانده بودند، شده است و باعث کاهش درصد صفات در اثر خویش آمیزی می‌شود اما در صورت عدم نامطلوب بودن آلل‌های مغلوب، درصد صفات پس از خویش آمیزی افزایش می‌یابد. Sharma and Sain, (2002a) در مطالعه ژنتیکی صفت سطح پدانکل در گندم دوروم مشخص کردند که اثر متقابل دو و سه ژنی (اثر اپیستازی) نقش مهمی را در مثبت و معنی دار بودن مقدار هتروزیس به عهده داشتند. در این مطالعه نیز مشخص شد که اثر اپیستازی غالیت موجود در نسل  $F_2$  دلیل معنی دار بودن آثار سوء ناشی از خویش آمیزی است. در مطالعه دیگر این محققین بر روی گندم دوروم مشخص شد که اثر متقابل سه ژنی افزایشی در افزایشی در غالیت عامل اصلی معنی دار شدن میزان هتروزیس برای سه تلاقي مختلف و در دو شرایط محیطی کشت نرمال و کشت باتاخیر در صفت تعداد پنجه در گیاه بوده است (Sharman and Sain, 2002b).

آگاهی از نحوه عمل ژن‌ها، راهکار و روش اصلاحی را برای صفات مختلف تعیین می‌کند. در صورت وجود آثار غالیت و اپیستازی توجه به تولید بذر هیبرید و در صورت برآورد زیاد آثار افزایشی، کاربرد روش‌های مختلف انتخاب می‌تواند روش‌های اصلی اصلاحی را مشخص سازد. در مطالعه حاضر نیز صفات ارتفاع بوته،

صفاتی که دارای مقدار هتروزیس بیشتر در مقایسه با سایر صفات بودند جزء غالیت بیشتری را نسبت به جزء افزایشی در تجزیه ژنتیکی نسل‌ها نشان دادند و می‌توان چنین نتیجه گیری کرد که والدین دورگه دارای آلل‌های متفاوتی در هر مکان ژنی بوده که در بین آن‌ها آلل‌های با اثر غالیت تا فوق غالیت وجود داشته است (Hill, 2001). واعظی و همکاران (Vaezi et al., 1999) میزان هتروزیس را نسبت به والد برتر و میانگین والدین در نسل‌های در حال مطالعه ذرت محاسبه کرده و نشان دادند که میزان هتروزیس در صفات عملکرد دانه و وزن بلال بیشترین مقدار را داشتند و همچنین مقدار هتروزیس مثبت برای کلیه صفات نشان برتری  $F_1$  نسبت به میانگین والدین و مناسب بودن این تلاقي جهت تولید دورگه بود.

برآورد آثار ناشی از پس روی خویش آمیزی نشان داد که مقدار این پارامتر در شرایط تنفس رطوبتی و برای کلیه صفات بیش از شرایط عدم تنفس رطوبتی بود. در شرایط تنفس رطوبتی آثار ناشی از پس روی خویش آمیزی موجب کاهش ۲۰/۷ و ۲۹/۲۴ میانگین ارتفاع بوته و طول پدانکل شد اما در شرایط عدم تنفس رطوبتی موجب کاهش ۱/۸۵ درصد ارتفاع بوته و ۵/۵۴ درصد افزایش طول پدانکل شد. آثار ناشی از خویش آمیزی موجب افزایش درصد طول سنبله در هر دو شرایط محیطی شد، بنابراین به طور کلی خودگشتنی افراد باعث افزایش هموزیگوستی و در نتیجه ظهور آثار ژن‌های

|  |   |
|--|---|
| آثار افزایشی ژنی بودند که انتخاب روش اصلاحی مناسب را جهت بهبود این صفات مشخص می کند. | طول پدانکل و طول سنبله دارای بیشترین آثار غالبیت ژنی و صفات طول برگ پرچم و طول ریشک دارای بیشترین |
|--|---|

## References

- Allard, R.W. 1960.** Principles of Plant Breeding, John Wiley and Sons, New York.
- Adams, W.M. 1967.** Basis of yield components compensation in crop plants. Crop Science 7: 505-510.
- Amawate, J.S., and Behl, P.N. 1995.** Genetic analysis of some quantitative components of yield in bread wheat. Indian Journal of Genetics and Plant Breeding 55: 120-125.
- Arzani, A. 2002.** Grain yield performance of durum wheat germplasm under Iranian dryland and irrigated field conditions. Sabrao Journal of Breeding and Genetics 34: 9-18.
- Austin, R. B. 1989.** Maximising production in water limited environments. Pp. 13-26. In: Baker, F. W. G.(ed.), Drought Resistance in Cereals. C.A.B. International, London.
- Baghizadeh, A., Taleei, A., Naghavi, M. R., and Zeinalu, H. 2004.** An evaluation of inheritance for some quantitative traits in barley using generation mean analysis. Iranian Journal of Agricultural Science 35: 851-857 (in Farsi).
- Bhutta, M.A., and Mishra, Y. 1995.** Studies on yield and yield components in spring wheat under drought conditions. Journal of Agricultural Research 35: 75-79.
- Blum, A. 1998.** Improving wheat grain filling under stress by stem reserve mobilization. Wheat Prospects for Global Improvement. pp. 135-141.
- Cedola, M. C., Iannucci, A., Scalfati, G., Soprano, M., and Rascio, A. 1994.** Leaf morphophysiological parameters as screening techniques for drought stress tolerance in *Triticum durum* Desf. Journal of Genetics and Breeding 48: 229-236.

- Chowdhry, M.A., Rasool, I., Khaliq, I., Mahmood, T., and Gilani, M.M. 1999.** Genetics of some metric traits in spring wheat under normal and drought environment. *Rachis* 18: 34-39.
- Comstock, R.E., and Robinson, H.F. 1948.** The components of genetic variance in populations of biparental progenies and their use in estimating the average degree of dominance. *Biometrics* 4: 254-266.
- Cukadar-Olmedo, B., and Miller, J.F. 1997.** Inheritance of the stay green In sunflower. *Crop Science* 37: 150-153.
- Dhanda, S.S., and Sethi, G.S. 1996.** Genetics and interrelationships of grain yield and its related traits in bread wheat under irrigated and rainfed conditions. *Wheat Information Service* 83: 19-27.
- Dixit, G.P. 1998.** Gene action for yield and its components in grass pea. *Indian Journal of Genetics* 58 :91-95.
- Falconer, D.S. 1989.** Introduction to Quantitative Genetics. Longman Group Ltd. London.
- Hallauer, A. R., and. Miranda, B. 1985.** Quantitative Genetics in Maize Breeding. Iowa State University Press. Ames Iowa. 275 pp.
- Hill, A.B. 2001.** Commercialization of safflower hybrids. Proceedings of the 5<sup>th</sup> International Safflower Conference, Montana, July 23-27.
- Ikram, U.H., and Tanach, L. 1991.** Diallel analysis of grain yield and other agronomic traits in durum wheat. *Rachis* 10: 8-13.
- Innes, P., Hoogendoorn, J., and Blackwell, R. D. 1985.** Effects of differences in date of ear emergence and height on yield of winter wheat. *Journal of Agricultural Science, Cambridge* 105: 543-549.
- Jinks, J. L., and Pooni, H.S. 1979.** Predicting the properties of recombinant inbred lines derived by single seed descent. *Heredity* 36: 253-266
- Kempthone, O. 1957.** An Introduction to Genetic Statistics. John Wiley & Sons Inc, New York.
- Khan, M.Q., Alam, K., and Chowdhry, M.A. 1992.** Diallel cross analysis of some morphological traits in spring wheat. *Pakistan Journal of Agricultural Science* 13: 211-215.

- Larik, A.S., Mahar, A.R., and Hafiz, H.M. 1995.** Heterosis and combining ability estimates in diallel crosses of six cultivars of spring wheat. Wheat Information Service 80:12-19.
- Mahmud, I., and Kramer, H.H. 1951.** Segregation for yield, height and maturity following a soybeans cross. Agricultural Journal 43: 605-609.
- Mather, K., and Jinks, L. 1982.** Biometrical genetics the study of continuous variation. Chapman and Hall. London. 450pp.
- Miller, D., and Pikett, R.C. 1956.** Inheritance of parent male fertility in *Sorghum vulgar* Peres. Crop Science 14: 1- 4.
- Mishra, P.C., Singh, T.B., Kurmvanchi, S.M., and Soni, S.N. 1996.** Gene action in diallel cross of bread wheat under late sown conditions. J. Soil and Crops 6:128-131.
- Mostafavi, KH., Hosseinzadeh,A. H., and Zeinali Khanghah, H. 2005.** Genetic analysis of yield and correlated traits in bread wheat (*Triticum aestivum*). Iranian Journal of Agricultural Science 36: 187-197 (in Farsi).
- Pecetti, L., Annicchiarico, P., and Kashour, G. 1993.** Flag leaf variation in Mediterranean durum wheat landraces and its relationship to frost and drought tolerance and yield response in moderately favourable conditions. Plant Genetic Resources 93:25-28.
- Pheloung, P.C., and Sidiq, K.H.M. 1991.** Contribution of stem dry matter to grain yield in wheat cultivars. Australian Journal of Plant Physiology 18:53-64.
- Sadrabady, R., Marashi, H., and Nasseri, M. 1996.** Principles of Cultivar Development, Theory and Technique. Ferdowsi University of Mashhad Publications. 538 pp.
- Shahbazi, A. 2005.** Stimation of genetic parameters for different trait in safflower using generation mean analysis. MSc. Thesis, Isfahan University of Technology (in Farsi).
- Sharma, S. N., and Sain, R. S. 2002a.** Genetics of peduncle area in durum wheat (*Triticum durum* Desf.). Indian Journal of Genetics 62: 97-100.
- Sharma, S. N. and Sain, R. S. 2002b.** Inheritance of tillers-per-plant in durum wheat (*Triticum durum* Desf.). Indian Journal of Genetics 62: 101-103.
- Sheikh, S., Singh, I., and Singh, J. 2000.** Inheritance of some quantitative traits in bread wheat( *Triticum aestivum* L. em. Thell). Annals of Agricultural Research 21:51-54.

**Vaezi, SH., Abd-Mishani, C., Yazdi-Samadi, B., and Ghanadha, M. R. 1999.**

Genetic analysis of quantitative traits in maize, I. Generation mean analysis of yield and yield components. Iranian. Journal of Agricultural Science 30: 839-851 (in Farsi).

**Walia, D.D., Tashi Dawa, P.P., and Choudhary, H.K. 1995.** Gene effects controlling grain yield and its components in bread wheat. Agricultural Science Digest 15(3): 129-131.

**Warner, J.N. 1952.** A method for estimating heritability. Agronomy Journal 44: 427-430.